

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2186				
AatII	GACGT!C	0					
Acc65I	G!GTACC	1	169				
AccI	GT!MKAC	1	164				
AccII	CG!CG	18	175	549	705	810	909
			1289	1665	1685	1709	1740
			2431	2732	3170	3254	3317
			3386	3659	4240		
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	29	175	219	291	294	426
			465	504	711	903	1625
			1652	1740	1850	2431	2495
			2596	2599	2879	2934	3032
			3170	3317	3457	3700	3945
			4066	4085	4212	4240	
AciI	C!CGC	36	173	228	247	319	481
			532	547	622	688	805
			808	907	1680	1683	1697
			1787	2035	2047	2056	2068
			2078	2089	2135	2274	2337
			2839	2884	2950	2976	3101
			3104	3252	3384	3691	3835
			4331				
AcyI	GR!CGYC	4	351	2365	3067	3146	
AfaI	GT!AC	6	99	171	494	854	934
			2671				
AflI	G!GWCC	3	918	2881	3326		
AflIII	C!TTAAG	1	1247				
AflIII	A!CRYGT	1	4283				
AgeI	A!CCGGT	1	190				
AhaI	CC!SGG	7	181	182	875	2369	2529
			3142	3906			
AhaII	GR!CGYC	4	351	2365	3067	3146	
AhaIII	TTT!AAA	3	1067	3509	3528		
AluI	AG!CT	20	142	148	283	522	528
			681	723	838	925	1144
			1311	1568	1863	2151	2471
			2929	3726	3983	4029	4119
Alw44I	G!TGCAC	1	3969				
AlwI	GGATCNNNN!	9	192	828	2233	2544	2790
			3182	3541	3639	3725	
AlwI	!NNNNNGATCC	5	179	2609	3153	3540	3637
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3466	3874			
AocI	CC!TNAGG	2	1845	3477			
AocII	GDGCH!C	15	144	181	305	344	578
			645	791	1556	2311	2404
			2478	2668	2730	3440	3973
Aor51HI	AGC!GCT	1	120				
AosI	TGC!GCA	1	2467				
AosII	GR!CGYC	4	351	2365	3067	3146	
ApaI	GGGCC!C	2	181	791			
ApaLI	G!TGCAC	1	3969				
ApoI	R!AATTY	4	153	1179	1283	1294	
ApyI	CC!WGG	9	1901	1956	1973	2752	3331
			3434	4124	4137	4258	
AquI	C!YCGRG	4	137	180	308	587	

AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	0						
AsnI	AT!TAAT	0						
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	440					
Asp718I	G!GTACC	1	169					
AspHI	GWGCW!C	6	144	344	645	2478	2668	
			3973					
AspI	GACN!NNGTC	1	2483					
AsuI	G!GNCC	12	177	178	316	787	788	
			918	1472	2881	3326	3372	
			3430	3463				
AsuII	TT!CGAA	2	151	3047				
AvaI	C!YCGRG	4	137	180	308	587		
AvaII	G!GWCC	3	918	2881	3326			
AvaIII	ATGCA!T	3	1937	2009	4340			
AviII	TGC!GCA	1	2467					
AvrI	!CYCGRG	4	136	179	307	586		
AvrII	C!CTAGG	2	2187	3202				
AxyI	CC!TNAGG	2	1845	3477				
BalI	TGG!CCA	1	2447					
BamHI	G!GATCC	1	184					
BanI	G!GYRCC	9	169	257	302	350	413	
			575	1518	2364	2399		
BanII	GRGCY!C	6	144	181	791	1556	2730	
			3440					
BanIII	AT!CGAT	1	2205					
BbeI	GGCGC!C	2	354	2368				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	4	351	2365	3067	3146		
BbrPI	CAC!GTG	2	385	517				
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	636	690	1153	2438	2480	
			3001	3454	3954			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	99	498	1647	2312	2496	
			2589	3655	3861	3864		
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	283	412	478	517	724	
			2791	3278				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	1507	2325	3784			
BcgI	!GCANNNNNTCG	0						
BcgI	!GCANNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	7	181	182	875	2369	2529	
			3142	3906				
BfaI	C!TAG	9	116	915	1020	1214	1632	
			2188	3203	3537	3790		
BfrI	C!TTAAG	1	1247					
BglI	GCCNNNN!NGGC	1	2140					
BglII	A!GATCT	1	133					
BinI	!NNNNNGATCC	5	179	2609	3153	3540	3637	
BinI	GGATCNNNN!	9	192	828	2233	2544	2790	
			3182	3541	3639	3725		
BlnI	C!CTAGG	2	2187	3202				
BmyI	GDGCH!C	15	144	181	305	344	578	
			645	791	1556	2311	2404	
			2478	2668	2730	3440	3973	
BpmI	!CTCCAG	1	3162					
BpmI	!CTGGAG	1	3183					

Bpu1102I	GC!TNAGC	1	377					
BsaAI	YAC!GTR	4	385	517	1481	2669		
BsaBI	GATNN!NNATC	3	666	1027	2224			
BsaHI	GR!CGYC	4	351	2365	3067	3146		
BsaI	GGTCTCN!	0						
BsaI	!NNNNNGAGACC	1	3354					
BsaJI	C!CNNGG	23	173	180	201	231	588	
			636	654	726	873	1899	
			1971	2094	2129	2138	2187	
			2528	2797	3202	3329	3330	
			3432	3433	4123			
BseAI	T!CCGGA	0						
BsePI	!GCGCGC	0						
BsgI	!GTGCAG	0						
BsgI	!CTGCAC	3	445	511	646			
BsiEI	CGRY!CG	5	195	547	907	2274	3949	
BsiWI	C!GTACG	0						
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	23	313	314	388	538	811	
			814	1377	1703	2095	2346	
			2890	3171	3203	3204	3335	
			3370	3420	3421	3452	3805	
			4084	4250	4268			
BslI	CCNNNNN!NNGG	23	313	314	388	538	811	
			814	1377	1703	2095	2346	
			2890	3171	3203	3204	3335	
			3370	3420	3421	3452	3805	
			4084	4250	4268			
BsmAI	!GTCTC	0						
BsmAI	!GAGAC	4	1794	2212	3231	3359		
BsmI	GAATGCN!	1	1116					
BsmI	G!CATTC	1	1209					
Bsp1286I	GDGCH!C	15	144	181	305	344	578	
			645	791	1556	2311	2404	
			2478	2668	2730	3440	3973	
BspDI	AT!CGAT	1	2205					
BspEI	T!CCGGA	0						
BspHI	T!CATGA	2	1791	3563				
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	381	654	2633	3083		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2252					
BspMII	T!CCGGA	0						
BspWI	GCNNNNN!NNGC	32	118	216	255	300	348	
			555	687	696	711	720	
			1592	1622	1649	1691	1693	
			1932	2004	2055	2134	2140	
			2356	2440	2463	2602	2608	
			2725	2808	3075	3262	3466	
			3665	4237				
BsrFI	R!CCGGY	9	190	254	542	578	887	
			1582	2684	2865	3148		
BsrI	ACTGGN!	3	2309	2510	3756			
BsrI	C!CAGT	4	1394	2072	3868	3881		
BssHII	G!CGCGC	0						
Bst1107I	GTA!TAC	0						
BstBI	TT!CGAA	2	151	3047				
BstEII	G!GTNACC	0						
BstI	G!GATCC	1	184					
BstNI	CC!WGG	9	1901	1956	1973	2752	3331	
			3434	4124	4137	4258		
BstPI	G!GTNACC	0						

BstUI	CG!CG	18	175	549	705	810	909
			1289	1665	1685	1709	1740
			2431	2732	3170	3254	3317
			3386	3659	4240		
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	9	133	184	2536	2782	3174
			3533	3545	3631	3642	
Bsu36I	CC!TNAGG	2	1845	3477			
CbiI	TT!CGAA	2	151	3047			
CcrI	C!TCGAG	1	137				
CelII	GC!TNAGC	1	377				
CfoI	GCG!C	24	121	353	705	758	1631
			1639	1665	1687	1696	1709
			1740	2359	2367	2431	2468
			2734	2994	3170	3256	3659
			3768	3942	4042	4109	
Cfr10I	R!CCGGY	9	190	254	542	578	887
			1582	2684	2865	3148	
Cfr13I	G!GNCC	12	177	178	316	787	788
			918	1472	2881	3326	3372
			3430	3463			
Cfr9I	C!CCGGG	1	180				
CfrI	Y!GGCCR	6	544	904	2271	2445	2836
			2863				
ClaI	AT!CGAT	1	2205				
CpoI	CG!GWCCG	1	2881				
Csp45I	TT!CGAA	2	151	3047			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	94	11	112	142	148	179
			222	283	318	366	381
			393	399	429	468	522
			528	542	546	582	681
			699	714	723	738	789
			838	906	925	1034	1144
			1311	1331	1473	1554	1568
			1582	1863	1904	1976	2099
			2128	2134	2143	2151	2174
			2186	2192	2273	2290	2298
			2325	2350	2434	2443	2447
			2471	2509	2585	2602	2621
			2684	2728	2738	2755	2838
			2865	2869	2906	2929	2945
			3125	3152	3213	3335	3374
			3431	3438	3445	3464	3475
			3726	3755	3798	3809	3874
			3953	3978	3983	4029	4119
			4217	4243	4261	4272	
CvnI	CC!TNAGG	2	1845	3477			
DdeI	C!TNAG	8	130	377	1845	2147	3028
			3477	3600	4009		
DpnI	GA!TC	25	135	186	239	554	602
			617	669	822	1024	2204
			2208	2227	2538	2616	2697
			2706	2784	3160	3176	3535
			3547	3625	3633	3644	3719
DpnII	!GATC	25	133	184	237	552	600
			615	667	820	1022	2202
			2206	2225	2536	2614	2695
			2704	2782	3158	3174	3533

			3545	3623	3631	3642	3717
DraI	TTT!AAA	3	1067	3509	3528		
DraII	RG!GNCCY	4	787	788	918	3463	
DraIII	CACNNN!GTG	1	1481				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1436	2392	4181		
DsaI	C!CRYGG	8	173	201	231	636	654
			726	2094	2797		
DsaV	!CCNGG	16	179	180	873	1899	1954
			1971	2367	2527	2750	3140
			3329	3432	3904	4122	4135
			4256				
EaeI	Y!GGCCR	6	544	904	2271	2445	2836
			2863				
EagI	C!GGCCG	3	544	904	2271		
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	336	1836	2713	2923	
Ecl136II	GAG!CTC	1	142				
EclXI	C!GGCCG	3	544	904	2271		
Eco105I	TAC!GTA	0					
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	1	3354				
Eco47I	G!GWCC	3	918	2881	3326		
Eco47III	AGC!GCT	1	120				
Eco52I	C!GGCCG	3	544	904	2271		
Eco57I	!CTGAAG	2	2489	2921			
Eco57I	!CTTCAG	4	360	522	693	3755	
Eco81I	CC!TNAGG	2	1845	3477			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	4	787	788	918	3463	
EcoO65I	G!GTNACC	0					
EcoRI	G!AATTC	1	153				
EcoRII	!CCWGG	9	1899	1954	1971	2750	3329
			3432	4122	4135	4256	
EcoRV	GAT!ATC	0					
EcoT14I	C!CWGGG	7	201	231	654	2094	2187
			2797	3202			
EcoT22I	ATGCA!T	3	1937	2009	4340		
EcoT38I	GRGCY!C	6	144	181	791	1556	2730
			3440				
EheI	GGC!GCC	2	352	2366			
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	1	377				
FbaI	T!GATCA	0					
FinI	!GTCCC	4	1895	1967	2031	3326	
FinI	!GGGAC	3	2501	3033	3142		
Fnu4HI	GC!NGC	44	113	220	247	292	319
			427	466	505	512	547
			625	679	712	808	904
			907	1142	1661	1683	1697
			2135	2274	2326	2337	2427
			2432	2469	2510	2597	2600
			2603	2839	2935	2976	2990
			3104	3443	3458	3669	3875
			3878	3943	4086	4241	
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	6	686	890	2232	2689	2714
			3168				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	4	605	746	758	2038	

FspI	TGC!GCA	1	2467					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	538	898	2265	2830	2857	
GdiII	CGGCCRN!	3	550	910	2277			
GsuI	!CTCCAG	1	3162					
GsuI	!CTGGAG	1	3183					
HaeI	WGG!CCW	5	2186	2447	3809	4261	4272	
HaeII	RGC GC!Y	7	122	354	759	1632	1640	
			2368	4043				
HaeIII	GG!CC	24	179	222	318	542	546	
			789	906	1331	1473	2128	
			2134	2143	2186	2273	2447	
			2838	2865	3374	3431	3464	
			3809	4243	4261	4272		
HapII	C!CGG	24	125	181	191	255	543	
			579	875	888	1583	2270	
			2347	2369	2397	2528	2618	
			2685	2866	3141	3149	3241	
			3715	3905	3931	4078		
HgaI	GACGCNNNNN!	2	3075	3154				
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	3	1698	3593	4171			
HgiAI	GWGCW!C	6	144	344	645	2478	2668	
			3973					
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	3695					
HhaI	GCG!C	24	121	353	705	758	1631	
			1639	1665	1687	1696	1709	
			1740	2359	2367	2431	2468	
			2734	2994	3170	3256	3659	
			3768	3942	4042	4109		
HinI	GR!CGYC	4	351	2365	3067	3146		
HinPI	G!CGC	24	119	351	703	756	1629	
			1637	1663	1685	1694	1707	
			1738	2357	2365	2429	2466	
			2732	2992	3168	3254	3657	
			3766	3940	4040	4107		
HincII	GTY!RAC	2	165	1128				
HindIII	A!AGCTT	1	146					
HinfI	G!ANTC	12	128	911	1408	1430	1840	
			2850	2984	3036	3094	3131	
			3913	4309				
HpaI	GTT!AAC	1	1128					
HpaII	C!CGG	24	125	181	191	255	543	
			579	875	888	1583	2270	
			2347	2369	2397	2528	2618	
			2685	2866	3141	3149	3241	
			3715	3905	3931	4078		
HphI	GGTGANNNNNNN!	4	580	902	3436	3552		
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	244	598	676	1482	2543	
KasI	G!GCGCC	2	350	2364				
KpnI	GGTAC!C	1	173					
Ksp632I	CTCTTCN!	0						
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	332	1832	2709	2919		
KspI	CCGC!GG	1	176					
MaeI	C!TAG	9	116	915	1020	1214	1632	
			2188	3203	3537	3790		
MaeII	A!CGT	10	384	516	1425	1437	1480	
			1590	2481	2668	3449	3582	
MaeIII	!GTNAC	11	41	987	1153	1654	1666	
			2485	2791	3481	3747	3863	
			3926					

MamI	GATNN!NNATC	3	666	1027	2224		
MboI	!GATC	25	133	184	237	552	600
			615	667	820	1022	2202
			2206	2225	2536	2614	2695
			2704	2782	3158	3174	3533
			3545	3623	3631	3642	3717
MboII	GAAGANNNNNNNN!	7	349	905	1621	1849	2726
			2936	3555			
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	595	3016	3183	3383	3626
McrI	!CGRYCG	5	191	543	903	2270	3945
MfeI	!CAATTG	1	1114				
MflI	R!GATCY	9	133	184	2536	2782	3174
			3533	3545	3631	3642	
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1432				
MmeI	!GTYGGA	2	3908	4092			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	9	1084	1093	2148	2154	2966
			3172	3486	3856	4180	
MnlI	!NNNNNNNGAGG	20	291	489	531	582	807
			810	1043	1508	1839	2117
			2123	2160	2163	2175	2215
			2279	2415	2772	3202	4105
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	1	2447				
MseI	T!TAA	14	1066	1127	1248	1269	1280
			1292	1303	1320	1418	1689
			3508	3522	3527	3579	
MspI	C!CGG	24	125	181	191	255	543
			579	875	888	1583	2270
			2347	2369	2397	2528	2618
			2685	2866	3141	3149	3241
			3715	3905	3931	4078	
MstI	TGC!GCA	1	2467				
MstII	CC!TNAGG	2	1845	3477			
MunI	C!AATTG	1	1115				
MvaI	CC!WGG	9	1901	1956	1973	2752	3331
			3434	4124	4137	4258	
MvnI	CG!CG	18	175	549	705	810	909
			1289	1665	1685	1709	1740
			2431	2732	3170	3254	3317
			3386	3659	4240		
NaeI	GCC!GGC	4	544	1584	2867	3150	
NarI	GG!CGCC	2	351	2365			
NciI	CC!SGG	7	181	182	875	2369	2529
			3142	3906			
NcoI	C!CATGG	5	201	231	654	2094	2797
NdeI	CA!TATG	0					
NdeII	!GATC	25	133	184	237	552	600
			615	667	820	1022	2202
			2206	2225	2536	2614	2695
			2704	2782	3158	3174	3533
			3545	3623	3631	3642	3717
NgoMI	G!CCGGC	4	542	1582	2865	3148	
NheI	G!CTAGC	1	115				
NlaIII	CATG!	19	205	235	325	658	745
			796	1795	1935	2007	2098
			2239	2584	2770	2801	2827
			3183	3567	4287	4338	
NlaIV	GGN!NCC	25	171	179	186	259	304

			352	415	577	788	789
			790	920	1520	1541	1553
			1744	1905	1977	2366	2401
			3249	3328	3373	4216	4255
NotI	GC!GGCCGC	1	904				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	1937	2009	4340		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	745	1935	2007	2770	4287
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	151	3047			
NspBII	CMG!CKG	6	175	426	1863	2471	3700
			3945				
NspII	GDGCH!C	15	144	181	305	344	578
			645	791	1556	2311	2404
			2478	2668	2730	3440	3973
NspIII	C!YCGRG	4	137	180	308	587	
NspIV	G!GNCC	12	177	178	316	787	788
			918	1472	2881	3326	3372
			3430	3463			
NunII	GG!CGCC	2	351	2365			
PacI	TTAAT!TAA	0					
PaeR71	C!TCGAG	1	137				
PalI	GG!CC	24	179	222	318	542	546
			789	906	1331	1473	2128
			2134	2143	2186	2273	2447
			2838	2865	3374	3431	3464
			3809	4243	4261	4272	
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	388				
PleI	GAGTCNNNN!	2	1416	1848			
PleI	!NNNNNGACTC	5	122	905	1424	3030	3907
PmaCI	CAC!GTG	2	385	517			
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	2	385	517			
PpuMI	RG!GWCCY	1	918				
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	2	162	780			
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	1863	2471			
RmaI	C!TAG	9	116	915	1020	1214	1632
			2188	3203	3537	3790	
RsaI	GT!AC	6	99	171	494	854	934
			2671				
RsrI	G!AATTC	1	153				
RsrII	CG!GWCCG	1	2881				
SacI	GAGCT!C	1	144				
SacII	CCGC!GG	1	176				
SalI	G!TCGAC	1	163				
Sau3AI	!GATC	25	133	184	237	552	600
			615	667	820	1022	2202
			2206	2225	2536	2614	2695
			2704	2782	3158	3174	3533
			3545	3623	3631	3642	3717
Sau96I	G!GNCC	12	177	178	316	787	788
			918	1472	2881	3326	3372
			3430	3463			
SauI	CC!TNAGG	2	1845	3477			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	16	181	182	875	1901	1956
			1973	2369	2529	2752	3142
			3331	3434	3906	4124	4137

			4258					
SduI	GDGCH!C	15	144	181	305	344	578	
			645	791	1556	2311	2404	
			2478	2668	2730	3440	3973	
SecI	C!CNNGG	23	173	180	201	231	588	
			636	654	726	873	1899	
			1971	2094	2129	2138	2187	
			2528	2797	3202	3329	3330	
			3432	3433	4123			
SexI	!CTCGAG	1	136					
SfaNI	GCATCNNNNN!	10	258	492	780	852	1181	
			1944	2016	2664	2728	3003	
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	6	868	874	2323	2578	2794	
			4186					
SfcI	C!TRYAG	6	158	718	776	1700	3827	
			4018					
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2140					
SfuI	TT!CGAA	2	151	3047				
SgrAI	CR!CCGGYG	0						
SinI	G!GWCC	3	918	2881	3326			
SmaI	CCC!GGG	1	182					
SnaBI	TAC!GTA	0						
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	1	3969					
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	1935	2007	2770			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	1273	1826				
SstI	GAGCT!C	1	144					
SstII	CCGC!GG	1	176					
SstIII	!ACGT	10	383	515	1424	1436	1479	
			1589	2480	2667	3448	3581	
StuI	AGG!CCT	1	2186					
StyI	C!CWGGG	7	201	231	654	2094	2187	
			2797	3202				
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	17	138	151	164	240	279	
			486	1514	2205	2478	2634	
			2658	2694	2856	3047	3092	
			3347	4185				
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	3	1385	2402	3070			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3314					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	0						
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	2	2269	2861				
TfiI	G!AWTC	5	2850	2984	3094	3131	4309	
ThaI	CG!CG	18	175	549	705	810	909	
			1289	1665	1685	1709	1740	
			2431	2732	3170	3254	3317	
			3386	3659	4240			
Tsp45I	!GTSAC	5	41	987	1654	2485	2791	
TspEI	!AATT	12	61	153	968	1115	1179	
			1257	1283	1294	1941	2013	
			2105	3523				
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2483					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	3692					

Tth1111I	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	2800	3660	3699			
TthHB8I	T!CGA	17	138	151	164	240	279	
			486	1514	2205	2478	2634	
			2658	2694	2856	3047	3092	
			3347	4185				
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	388					
VspI	AT!TAAT	0						
XbaI	T!CTAGA	0						
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	2	473	2640				
XcyI	C!CCGGG	1	180					
XhoI	C!TCGAG	1	137					
XhoII	R!GATCY	9	133	184	2536	2782	3174	
			3533	3545	3631	3642		
XmaI	C!CCGGG	1	180					
XmaIII	C!GGCCG	3	544	904	2271			
XmnI	GAANN!NNTTC	1	440					
XorII	CGAT!CG	0						