

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position					
AatI	AGG!CCT	1	2557					
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448		
Acc65I	G!GTACC	1	646					
AccI	GT!MKAC	1	641					
AccII	CG!CG	17	61	652	1143	1385	1660	
			2036	2056	2080	2111	2802	
			3103	3541	3625	3688	3757	
			4030	4611				
AccIII	T!CCGGA	0						
AciI	G!CGG	29	371	404	529	652	822	
			975	1143	1176	1379	1996	
			2023	2111	2221	2802	2866	
			2967	2970	3250	3305	3403	
			3541	3688	3828	4071	4316	
			4437	4456	4583	4611		
AciI	C!CGC	43	59	87	99	113	280	
			508	590	650	987	1059	
			1093	1213	1227	1233	1270	
			1326	1336	1350	1383	2051	
			2054	2068	2158	2406	2418	
			2427	2439	2449	2460	2506	
			2645	2708	3210	3255	3321	
			3347	3472	3475	3623	3755	
			4062	4206	4702			
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1347	
			2736	3438	3517			
AfaI	GT!AC	13	220	245	300	333	384	
			541	648	869	893	1028	
			1121	1319	3042			
AflI	G!GWCC	3	1264	3252	3697			
AflII	C!TTAAG	1	1618					
AflIII	A!CRYGT	2	894	4654				
AgeI	A!CCGGT	1	667					
AhaI	CC!SGG	9	658	659	1104	1173	1248	
			2740	2900	3513	4277		
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1347	
			2736	3438	3517			
AhaIII	TTT!AAA	3	1438	3880	3899			
AluI	AG!CT	15	567	619	625	1363	1515	
			1682	1939	2234	2522	2842	
			3300	4097	4354	4400	4490	
Alw44I	G!TGCAC	1	4340					
AlwI	GGATCNNNN!	8	669	2604	2915	3161	3553	
			3912	4010	4096			
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1033	2980	3524	
			3911	4008				
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1153	3837	4245			
AocI	CC!TNAGG	2	2216	3848				
AocII	GDGCH!C	14	621	658	731	791	1104	
			1172	1927	2682	2775	2849	
			3039	3101	3811	4344		
Aor51HI	AGC!GCT	1	597					
AosI	TGC!GCA	1	2838					
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1347	
			2736	3438	3517			
ApaI	GGGCC!C	1	658					

ApaI	G!TGCAC	1	4340					
ApoI	R!AATTY	4	630	1550	1654	1665		
ApyI	CC!WGG	17	91	284	794	946	995	
			1007	1022	1043	2272	2327	
			2344	3123	3702	3805	4495	
			4508	4629				
AquI	C!YCGRG	3	614	657	932			
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	0						
Asp718I	G!GTACC	1	646					
AspHI	GWGCW!C	4	621	2849	3039	4344		
AspI	GACN!NNGTC	1	2854					
AsuI	G!GNCC	16	84	277	654	655	824	
			1067	1159	1264	1333	1366	
			1843	3252	3697	3743	3801	
			3834					
AsuII	TT!CGAA	2	628	3418				
AvaI	C!YCGRG	3	614	657	932			
AvaII	G!GWCC	3	1264	3252	3697			
AvaIII	ATGCA!T	3	2308	2380	4711			
AviII	TGC!GCA	1	2838					
AvrI	!CYCGRG	3	613	656	931			
AvrII	C!CTAGG	2	2558	3573				
AxyI	CC!TNAGG	2	2216	3848				
BalI	TGG!CCA	1	2818					
BamHI	G!GATCC	1	661					
BanI	G!GYRCC	8	466	646	728	788	1182	
			1889	2735	2770			
BanII	GRGCY!C	6	621	658	1104	1927	3101	
			3811					
BanIII	AT!CGAT	1	2576					
BbeI	GGCGC!C	1	2739					
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1347	
			2736	3438	3517			
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	6	1524	2809	2851	3372	3825	
			4325					
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	8	1125	2018	2683	2867	2960	
			4026	4232	4235			
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	8	754	886	988	1027	1081	
			1147	3162	3649			
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1314	1878	2696	4155		
BcgI	!GCANNNNNNTCG	1	773					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	9	658	659	1104	1173	1248	
			2740	2900	3513	4277		
BfaI	C!TAG	8	593	1391	1585	2003	2559	
			3574	3908	4161			
BfrI	C!TTAAG	1	1618					
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	680	1176	
			2511					
BglII	A!GATCT	1	610					

BinI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1033	2980	3524
			3911	4008			
BinI	GGATCNNNN!	8	669	2604	2915	3161	3553
			3912	4010	4096		
BlnI	C!CTAGG	2	2558	3573			
BmyI	GDGCH!C	14	621	658	731	791	1104
			1172	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
BpmI	!CTCCAG	1	3533				
BpmI	!CTGGAG	1	3554				
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	4	341	895	1852	3040	
BsaBI	GATNN!NNATC	3	803	1398	2595		
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1347
			2736	3438	3517		
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	692	3725			
BsaJI	C!CNNGG	25	361	650	657	678	792
			933	945	1005	1042	1171
			1329	2270	2342	2465	2500
			2509	2558	2899	3168	3573
			3700	3701	3803	3804	4494
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	1	1198				
BsiEI	CGRY!CG	6	672	1093	1180	1383	2645
			4320				
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	23	50	784	785	1064	1179
			1261	1748	2074	2466	2717
			3261	3542	3574	3575	3706
			3741	3791	3792	3823	4176
			4455	4621	4639		
BslI	CCNNNNN!NNGG	23	50	784	785	1064	1179
			1261	1748	2074	2466	2717
			3261	3542	3574	3575	3706
			3741	3791	3792	3823	4176
			4455	4621	4639		
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	697	2165	2583	3602	3730
BsmI	GAATGCN!	1	1487				
BsmI	G!CATTC	1	1580				
Bsp1286I	GDGCH!C	14	621	658	731	791	1104
			1172	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
BspDI	AT!CGAT	1	2576				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	2162	3934			
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	1199	1206	3004	3454	
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2623				
BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	34	91	213	245	284	377
			401	680	753	870	1140
			1176	1341	1963	1993	2020
			2062	2064	2303	2375	2426
			2505	2511	2727	2811	2834
			2973	2979	3096	3179	3446
			3633	3837	4036	4608	

BsrFI	R!CCGGY	6	667 3519	1179	1953	3055	3236
BsrI	ACTGGN!	3	2680	2881	4127		
BsrI	C!CAGT	6	296 4252	1147	1765	2443	4239
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	3418			
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	661				
BstNI	CC!WGG	17	91 1007 2344 4508	284 1022 3123 4629	794 1043 3702	946 2272 3805	995 2327 4495
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	17	61 2036 3103 4030	652 2056 3541 4611	1143 2080 3625	1385 2111 3688	1660 2802 3757
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	11	586 3153 4013	610 3545	661 3904	1038 3916	2907 4002
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2216	3848			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3418			
CcrI	C!TCGAG	1	614				
CelII	GC!TNAGC	0					
CfoI	GCG!C	23	598 2036 2730 3365 4313	954 2058 2738 3541 4413	1143 2067 2802 3627 4480	2002 2080 2839 4030	2010 2111 3105 4139
Cfr10I	R!CCGGY	6	667 3519	1179	1953	3055	3236
Cfr13I	G!GNCC	16	84 1067 1843 3834	277 1159 3252	654 1264 3697	655 1333 3743	824 1366 3801
Cfr9I	C!CCGGG	1	657				
CfrI	Y!GGCCR	9	739 2642	1090 2816	1144 3207	1177 3234	1380
ClaI	AT!CGAT	1	2576				
CpoI	CG!GWCCG	1	3252				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3418			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	93	43 619 825 1092 1225 1368 1702 2234 2505 2563 2721 2880 3099 3240	85 625 873 1102 1251 1382 1844 2275 2514 2644 2805 2956 3109 3277	94 656 939 1146 1325 1405 1925 2347 2522 2661 2814 2973 3126 3300	278 683 978 1160 1335 1515 1939 2470 2545 2669 2818 2992 3209 3316	567 741 1068 1179 1363 1682 1953 2499 2557 2696 2842 3055 3236 3496

			3523	3584	3706	3745	3802
			3809	3816	3835	3846	4097
			4126	4169	4180	4245	4324
			4349	4354	4400	4490	4588
			4614	4632	4643		
CvnI	CC!TNAGG	2	2216	3848			
DdeI	C!TNAG	8	607	1375	2216	2518	3399
			3848	3971	4380		
DpnI	GA!TC	25	588	612	663	806	815
			1040	1115	1280	1395	2575
			2579	2598	2909	2987	3068
			3077	3155	3531	3547	3906
			3918	3996	4004	4015	4090
DpnII	!GATC	25	586	610	661	804	813
			1038	1113	1278	1393	2573
			2577	2596	2907	2985	3066
			3075	3153	3529	3545	3904
			3916	3994	4002	4013	4088
DraI	TTT!AAA	3	1438	3880	3899		
DraII	RG!GNCCY	1	3834				
DraIII	CACNNN!GTG	1	1852				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1807	2763	4552		
DsaI	C!CRYGG	6	361	650	678	1329	2465
			3168				
DsaV	!CCNGG	26	89	282	656	657	792
			944	993	1005	1020	1041
			1102	1171	1246	2270	2325
			2342	2738	2898	3121	3511
			3700	3803	4275	4493	4506
			4627				
EaeI	Y!GGCCR	9	739	1090	1144	1177	1380
			2642	2816	3207	3234	
EagI	C!GGCCG	4	1090	1177	1380	2642	
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	3	2207	3084	3294		
Ecl136II	GAG!CTC	1	619				
EclXI	C!GGCCG	4	1090	1177	1380	2642	
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNGAGACC	2	692	3725			
Eco47I	G!GWCC	3	1264	3252	3697		
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	4	1090	1177	1380	2642	
Eco57I	!CTGAAG	4	1162	1237	2860	3292	
Eco57I	!CTTCAG	1	4126				
Eco81I	CC!TNAGG	2	2216	3848			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3834				
EcoO65I	G!GTNACC	0					
EcoRI	G!AATTC	1	630				
EcoRII	!CCWGG	17	89	282	792	944	993
			1005	1020	1041	2270	2325
			2342	3121	3700	3803	4493
			4506	4627			
EcoRV	GAT!ATC	0					
EcoT14I	C!CWGGG	6	361	678	2465	2558	3168
			3573				
EcoT22I	ATGCA!T	3	2308	2380	4711		

EcoT38I	GRGCY!C	6	621 3811	658	1104	1927	3101
EheI	GGC!GCC	1	2737				
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	0					
FbaI	T!GATCA	0					
FinI	!GTCCC	5	1149	2266	2338	2402	3697
FinI	!GGGAC	6	161 3513	312	480	2872	3404
Fnu4HI	GC!NGC	39	823 1177 1383 2506 2803 2974 3475 4249	976 1326 1513 2645 2840 3210 3814 4314	1093 1336 2032 2697 2881 3306 3829 4457	1139 1350 2054 2708 2968 3347 4040 4612	1144 1380 2068 2798 2971 3361 4246
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	4	2603	3060	3085	3539	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	3	833	890	2409		
FspI	TGC!GCA	1	2838				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	6	1084 3228	1171	1374	2636	3201
GdiII	CGGCCRN!	6	745 2648	1096	1150	1183	1386
GsuI	!CTCCAG	1	3533				
GsuI	!CTGGAG	1	3554				
HaeI	WGG!CCW	6	683 4643	2557	2818	4180	4632
HaeII	RGCGC!Y	5	599	2003	2011	2739	4414
HaeIII	GG!CC	32	85 825 1179 1702 2557 3745 4632	278 1068 1325 1844 2644 3802 4643	656 1092 1335 2499 2818 3835	683 1146 1368 2505 3209 4180	741 1160 1382 2514 3236 4614
HapII	C!CGG	24	602 1173 2718 3056 4086	658 1180 2740 3237 4276	668 1248 2768 3512 4302	900 1954 2899 3520 4449	1104 2641 2989 3612
HgaI	GACGCNNNNN!	4	527	1355	3446	3525	
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2069	3964	4542		
HgiAI	GWGCW!C	4	621	2849	3039	4344	
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4066				
HhaI	GCG!C	23	598 2036 2730 3365 4313	954 2058 2738 3541 4413	1143 2067 2802 3627 4480	2002 2080 2839 4030	2010 2111 3105 4139
Hin1I	GR!CGYC	8	123 2736	176 3438	259 3517	445	1347
HinPII	G!CGC	23	596 2034 2728 3363 4311	952 2056 2736 3539 4411	1141 2065 2800 3625 4478	2000 2078 2837 4028	2008 2109 3103 4137
HincII	GTY!RAC	2	642	1499			

HindIII	A!AGCTT	1	623					
HinfI	G!ANTC	13	411	605	1387	1779	1801	
			2211	3221	3355	3407	3465	
			3502	4284	4680			
HpaI	GTT!AAC	1	1499					
HpaII	C!CGG	24	602	658	668	900	1104	
			1173	1180	1248	1954	2641	
			2718	2740	2768	2899	2989	
			3056	3237	3512	3520	3612	
			4086	4276	4302	4449		
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	823	1045	3807	3923	
HphI	!NNNNNNNTCACC	3	934	1853	2914			
KasI	G!GCGCC	1	2735					
KpnI	GGTAC!C	1	650					
Ksp632I	CTCTTCN!	0						
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	2203	3080	3290			
KspI	CCGC!GG	1	653					
MaeI	C!TAG	8	593	1391	1585	2003	2559	
			3574	3908	4161			
MaeII	A!CGT	15	123	135	176	259	340	
			445	894	1796	1808	1851	
			1961	2852	3039	3820	3953	
MaeIII	!GTNAC	13	62	149	498	1046	1524	
			2025	2037	2856	3162	3852	
			4118	4234	4297			
MamI	GATNN!NNATC	3	803	1398	2595			
MboI	!GATC	25	586	610	661	804	813	
			1038	1113	1278	1393	2573	
			2577	2596	2907	2985	3066	
			3075	3153	3529	3545	3904	
			3916	3994	4002	4013	4088	
MboII	GAAGANNNNNNNN!	8	814	1048	1252	1992	2220	
			3097	3307	3926			
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3387	3554	3754	3997		
McrI	!CGRYCG	6	668	1089	1176	1379	2641	
			4316					
MfeI	!CAATTG	1	1485					
MflI	R!GATCY	11	586	610	661	1038	2907	
			3153	3545	3904	3916	4002	
			4013					
MluI	A!CGCGT	0						
MmeI	!TCCRAC	1	1803					
MmeI	!GTYGGA	2	4279	4463				
MnlI	CCTCNNNNNNN!	14	694	868	1012	1240	1366	
			1455	1464	2519	2525	3337	
			3543	3857	4227	4551		
MnlI	!NNNNNNNGAGG	27	541	717	762	777	801	
			810	927	960	1116	1254	
			1278	1281	1314	1414	1879	
			2210	2488	2494	2531	2534	
			2546	2586	2650	2786	3143	
			3573	4476				
MroI	T!CCGGA	0						
MscI	TGG!CCA	1	2818					
MseI	T!TAA	15	8	1437	1498	1619	1640	
			1651	1663	1674	1691	1789	
			2060	3879	3893	3898	3950	
MspI	C!CGG	24	602	658	668	900	1104	
			1173	1180	1248	1954	2641	

			2718	2740	2768	2899	2989
			3056	3237	3512	3520	3612
			4086	4276	4302	4449	
MstI	TGC!GCA	1	2838				
MstII	CC!TNAGG	2	2216	3848			
MunI	C!AATTG	1	1486				
MvaI	CC!WGG	17	91	284	794	946	995
			1007	1022	1043	2272	2327
			2344	3123	3702	3805	4495
			4508	4629			
MvnI	CG!CG	17	61	652	1143	1385	1660
			2036	2056	2080	2111	2802
			3103	3541	3625	3688	3757
			4030	4611			
NaeI	GCC!GGC	4	1181	1955	3238	3521	
NarI	GG!CGCC	1	2736				
NciI	CC!SGG	9	658	659	1104	1173	1248
			2740	2900	3513	4277	
NcoI	C!CATGG	4	361	678	2465	3168	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	25	586	610	661	804	813
			1038	1113	1278	1393	2573
			2577	2596	2907	2985	3066
			3075	3153	3529	3545	3904
			3916	3994	4002	4013	4088
NgoMI	G!CCGGC	4	1179	1953	3236	3519	
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	19	305	365	682	706	868
			1285	2166	2306	2378	2469
			2610	2955	3141	3172	3198
			3554	3938	4658	4709	
NlaIV	GGN!NCC	25	468	648	656	663	730
			790	826	874	1069	1101
			1108	1184	1891	1912	1924
			2115	2276	2348	2737	2772
			3620	3699	3744	4587	4626
NotI	GC!GGCCGC	1	1380				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2308	2380	4711		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	868	2306	2378	3141	4658
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3418			
NspBII	CMG!CKG	6	652	1095	2234	2842	4071
			4316				
NspII	GDGCH!C	14	621	658	731	791	1104
			1172	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
NspIII	C!YCGRG	3	614	657	932		
NspIV	G!GNCC	16	84	277	654	655	824
			1067	1159	1264	1333	1366
			1843	3252	3697	3743	3801
			3834				
NunII	GG!CGCC	1	2736				
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	614				
PalI	GG!CC	32	85	278	656	683	741
			825	1068	1092	1146	1160
			1179	1325	1335	1368	1382
			1702	1844	2499	2505	2514
			2557	2644	2818	3209	3236

			3745	3802	3835	4180	4614
			4632	4643			
PflMI	CCANNNN!NTGG	0					
PleI	GAGTCNNNN!	2	1787	2219			
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	599	1381	1795	3401
			4278				
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	1	639				
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	2234	2842			
RmaI	C!TAG	8	593	1391	1585	2003	2559
			3574	3908	4161		
RsaI	GT!AC	13	220	245	300	333	384
			541	648	869	893	1028
			1121	1319	3042		
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	3252				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	1	653				
SalI	G!TCGAC	1	640				
Sau3AI	!GATC	25	586	610	661	804	813
			1038	1113	1278	1393	2573
			2577	2596	2907	2985	3066
			3075	3153	3529	3545	3904
			3916	3994	4002	4013	4088
Sau96I	G!GNCC	16	84	277	654	655	824
			1067	1159	1264	1333	1366
			1843	3252	3697	3743	3801
			3834				
SauI	CC!TNAGG	2	2216	3848			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	26	91	284	658	659	794
			946	995	1007	1022	1043
			1104	1173	1248	2272	2327
			2344	2740	2900	3123	3513
			3702	3805	4277	4495	4508
			4629				
SduI	GDGCH!C	14	621	658	731	791	1104
			1172	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
SecI	C!CNNGG	25	361	650	657	678	792
			933	945	1005	1042	1171
			1329	2270	2342	2465	2500
			2509	2558	2899	3168	3573
			3700	3701	3803	3804	4494
SexI	!CTCGAG	1	613				
SfaNI	GCATCNNNNN!	9	765	912	1281	1552	2315
			2387	3035	3099	3374	
SfaNI	!NNNNNNNNGATGC	7	358	1065	1233	2694	2949
			3165	4557			
SfcI	C!TRYAG	4	635	2071	4198	4389	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2511				
SfuI	TT!CGAA	2	628	3418			
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	3	1264	3252	3697		

SmaI	CCC!GGG	1	659					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	1	4340					
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	2306	2378	3141			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	1644	2197				
SstI	GAGCT!C	1	621					
SstII	CCGC!GG	1	653					
SstIII	!ACGT	15	122	134	175	258	339	
			444	893	1795	1807	1850	
			1960	2851	3038	3819	3952	
StuI	AGG!CCT	1	2557					
StyI	C!CWGGG	6	361	678	2465	2558	3168	
			3573					
StySJI	!GAGNNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	20	615	628	641	723	783	
			807	816	1260	1275	1885	
			2576	2849	3005	3029	3065	
			3227	3418	3463	3718	4556	
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	4	710	1756	2773	3441		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3685					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	1	806					
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2640	3232			
TfiI	G!AWTC	5	3221	3355	3465	3502	4680	
ThaI	CG!CG	17	61	652	1143	1385	1660	
			2036	2056	2080	2111	2802	
			3103	3541	3625	3688	3757	
			4030	4611				
Tsp45I	!GTSAC	3	2025	2856	3162			
TspEI	!AATT	11	19	630	1486	1550	1628	
			1654	1665	2312	2384	2476	
			3894					
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2854					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	3	935	1328	4063			
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3171	4031	4070			
TthHB8I	T!CGA	20	615	628	641	723	783	
			807	816	1260	1275	1885	
			2576	2849	3005	3029	3065	
			3227	3418	3463	3718	4556	
Van91I	CCANNNN!NTGG	0						
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	1390					
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	3011					
XcyI	C!CCGGG	1	657					
XhoI	C!TCGAG	1	614					
XhoII	R!GATCY	11	586	610	661	1038	2907	
			3153	3545	3904	3916	4002	
			4013					
XmaI	C!CCGGG	1	657					
XmaIII	C!GGCCG	4	1090	1177	1380	2642		
XmnI	GAANN!NNTTC	0						
XorII	CGAT!CG	0						