

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2118				
AatII	GACGT!C	0					
Acc65I	G!GTACC	1	64				
AccI	GT!MKAC	1	59				
AccII	CG!CG	20	70	186	417	456	741
			771	946	1221	1597	1617
			1641	1672	2363	2664	3102
			3186	3249	3318	3591	4172
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	28	70	105	186	663	666
			833	839	885	1557	1584
			1672	1782	2363	2427	2528
			2531	2811	2866	2964	3102
			3249	3389	3632	3877	3998
			4017	4144	4172		
AciI	C!CGC	31	68	184	415	739	784
			827	944	1612	1615	1629
			1719	1967	1979	1988	2000
			2010	2021	2067	2206	2269
			2771	2816	2882	2908	3033
			3036	3184	3316	3623	3767
			4263				
AcyI	GR!CGYC	5	108	297	2297	2999	3078
AfaI	GT!AC	6	66	317	449	542	689
			2603				
AflI	G!GWCC	3	892	2813	3258		
AflII	C!TTAAG	1	1179				
AflIII	A!CRYGT	1	4215				
AgeI	A!CCGGT	1	85				
AhaI	CC!SGG	6	76	77	2301	2461	3074
			3838				
AhaII	GR!CGYC	5	108	297	2297	2999	3078
AhaIII	TTT!AAA	3	999	3441	3460		
AluI	AG!CT	18	37	43	328	348	463
			702	715	1076	1243	1500
			1795	2083	2403	2861	3658
			3915	3961	4051		
Alw44I	G!TGCAC	2	674	3901			
AlwI	GGATCNNNN!	11	87	808	932	945	2165
			2476	2722	3114	3473	3571
			3657				
AlwI	!NNNNNGATCC	6	74	124	2541	3085	3472
			3569				
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3398	3806			
AocI	CC!TNAGG	2	1777	3409			
AocII	GDGCH!C	16	39	76	258	264	272
			678	684	877	1488	2243
			2336	2410	2600	2662	3372
			3905				
Aor51HI	AGC!GCT	1	15				
AosI	TGC!GCA	1	2399				
AosII	GR!CGYC	5	108	297	2297	2999	3078
ApaI	GGGCC!C	1	76				
ApaLI	G!TGCAC	2	674	3901			
ApoI	R!AATTY	4	48	1111	1215	1226	
ApyI	CC!WGG	14	265	275	473	797	878

			1833	1888	1905	2684	3263
			3366	4056	4069	4190	
AquI	C!YCGRG	5	32	75	323	683	804
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	0					
AsnI	AT!TAAT	0					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	335				
Asp718I	G!GTACC	1	64				
AspHI	GWGCW!C	6	39	272	678	2410	2600
			3905				
AspI	GACN!NNGTC	1	2415				
AsuI	G!GNCC	11	72	73	320	668	892
			1404	2813	3258	3304	3362
			3395				
AsuII	TT!CGAA	2	46	2979			
AvaI	C!YCGRG	5	32	75	323	683	804
AvaII	G!GWCC	3	892	2813	3258		
AvaIII	ATGCA!T	3	1869	1941	4272		
AviII	TGC!GCA	1	2399				
AvrI	!CYCGRG	5	31	74	322	682	803
AvrII	C!CTAGG	2	2119	3134			
AxyI	CC!TNAGG	2	1777	3409			
BalI	TGG!CCA	4	168	471	492	2379	
BamHI	G!GATCC	1	79				
BanI	G!GYRCC	6	64	107	296	1450	2296
			2331				
BanII	GRGCV!C	5	39	76	1488	2662	3372
BanIII	AT!CGAT	1	2137				
BbeI	GGCGC!C	3	111	300	2300		
BbiIII/AcyI	GR!CGYC	5	108	297	2297	2999	3078
BbrPI	CAC!GTG	3	496	679	709		
BbsI	!GTCTTC	0					
BbsI	!GAAGAC	0					
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	10	114	453	621	917	1085
			2370	2412	2933	3386	3886
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	335	846	1579	2244	2428
			2521	3587	3793	3796	
BbvII	GAAGACNN!	0					
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	139	214	310	334	583
			2723	3210			
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	759	1439	2257	3716	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!GCANNNNNNTGC	0					
BclI	T!GATCA	0					
BcnI	CC!SGG	6	76	77	2301	2461	3074
			3838				
BfaI	C!TAG	9	11	921	952	1146	1564
			2120	3135	3469	3722	
BfrI	C!TTAAG	1	1179				
BglI	GCCNNNN!NGGC	1	2072				
BglII	A!GATCT	2	28	588			
BinI	!NNNNNGATCC	6	74	124	2541	3085	3472
			3569				
BinI	GGATCNNNN!	11	87	808	932	945	2165
			2476	2722	3114	3473	3571
			3657				
BlnI	C!CTAGG	2	2119	3134			
BmyI	GDGCH!C	16	39	76	258	264	272

			678	684	877	1488	2243
			2336	2410	2600	2662	3372
			3905				
BpmI	!CTCCAG	1	3094				
BpmI	!CTGGAG	3	264	511	3115		
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	716				
BsaAI	YAC!GTR	7	139	367	496	679	709
			1413	2601			
BsaBI	GATNN!NNATC	2	959	2156			
BsaHI	GR!CGYC	5	108	297	2297	2999	3078
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	755	3286			
BsaJI	C!CNNGG	26	68	75	121	184	263
			273	420	472	774	796
			817	876	1831	1903	2026
			2061	2070	2119	2460	2729
			3134	3261	3262	3364	3365
			4055				
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	1	768				
BsgI	!GTGCAG	1	367				
BsgI	!CTGCAC	1	237				
BsiEI	CGRY!CG	4	90	944	2206	3881	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	24	139	190	264	421	499
			662	832	1309	1635	2027
			2278	2822	3103	3135	3136
			3267	3302	3352	3353	3384
			3737	4016	4182	4200	
BslI	CCNNNNN!NNGG	24	139	190	264	421	499
			662	832	1309	1635	2027
			2278	2822	3103	3135	3136
			3267	3302	3352	3353	3384
			3737	4016	4182	4200	
BsmAI	!GTCTC	0					
BsmAI	!GAGAC	5	760	1726	2144	3163	3291
BsmI	GAATGCN!	1	1048				
BsmI	G!CATTC	1	1141				
Bsp1286I	GDGCH!C	16	39	76	258	264	272
			678	684	877	1488	2243
			2336	2410	2600	2662	3372
			3905				
BspDI	AT!CGAT	1	2137				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	1723	3495			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	2565	3015			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2184				
BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	30	192	207	246	303	576
			615	839	911	1524	1554
			1581	1623	1625	1864	1936
			1987	2066	2072	2288	2372
			2395	2534	2540	2657	2740
			3007	3194	3398	3597	4169
BsrFI	R!CCGGY	8	85	245	605	829	1514
			2616	2797	3080		
BsrI	ACTGGN!	3	2241	2442	3688		
BsrI	C!CAGT	6	229	301	1326	2004	3800
			3813				

BssHII	G!CGGC	1	769					
Bst1107I	GTA!TAC	0						
BstBI	TT!CGAA	2	46	2979				
BstEII	G!GTNACC	2	277	424				
BstI	G!GATCC	1	79					
BstNI	CC!WGG	14	265	275	473	797	878	
			1833	1888	1905	2684	3263	
			3366	4056	4069	4190		
BstPI	G!GTNACC	2	277	424				
BstUI	CG!CG	20	70	186	417	456	741	
			771	946	1221	1597	1617	
			1641	1672	2363	2664	3102	
			3186	3249	3318	3591	4172	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0						
BstYI	R!GATCY	12	28	79	129	588	800	
			2468	2714	3106	3465	3477	
			3563	3574				
Bsu36I	CC!TNAGG	2	1777	3409				
CbiI	TT!CGAA	2	46	2979				
CcrI	C!TCGAG	2	32	804				
CelII	GC!TNAGC	1	716					
CfoI	GCG!C	29	16	110	299	378	419	
			581	771	773	844	1563	
			1571	1597	1619	1628	1641	
			1672	2291	2299	2363	2400	
			2666	2926	3102	3188	3591	
			3700	3874	3974	4041		
Cfr10I	R!CCGGY	8	85	245	605	829	1514	
			2616	2797	3080			
Cfr13I	G!GNCC	11	72	73	320	668	892	
			1404	2813	3258	3304	3362	
			3395					
Cfr9I	C!CCGGG	1	75					
CfrI	Y!GGCCR	9	166	469	490	630	941	
			2203	2377	2768	2795		
ClaI	AT!CGAT	1	2137					
CpoI	CG!GWCCG	1	2813					
Csp45I	TT!CGAA	2	46	2979				
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	90	37	43	74	168	195	
			321	328	348	363	463	
			471	477	492	560	570	
			632	669	702	715	753	
			816	822	908	943	966	
			1076	1243	1263	1405	1486	
			1500	1514	1795	1836	1908	
			2031	2060	2066	2075	2083	
			2106	2118	2124	2205	2222	
			2230	2257	2282	2366	2375	
			2379	2403	2441	2517	2534	
			2553	2616	2660	2670	2687	
			2770	2797	2801	2838	2861	
			2877	3057	3084	3145	3267	
			3306	3363	3370	3377	3396	
			3407	3658	3687	3730	3741	
			3806	3885	3910	3915	3961	
			4051	4149	4175	4193	4204	
CvnI	CC!TNAGG	2	1777	3409				
DdeI	C!TNAG	8	25	716	1777	2079	2960	

			3409	3532	3941		
DpnI	GA!TC	28	30	81	131	555	590
			602	636	735	802	926
			939	956	2136	2140	2159
			2470	2548	2629	2638	2716
			3092	3108	3467	3479	3557
			3565	3576	3651		
DpnII	!GATC	28	28	79	129	553	588
			600	634	733	800	924
			937	954	2134	2138	2157
			2468	2546	2627	2636	2714
			3090	3106	3465	3477	3555
			3563	3574	3649		
DraI	TTT!AAA	3	999	3441	3460		
DraII	RG!GNCCY	1	3395				
DraIII	CACNNN!GTG	1	1413				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1368	2324	4113		
DsaI	C!CRYGG	7	68	121	184	774	817
			2026	2729			
DsaV	!CCNGG	20	74	75	263	273	471
			795	876	1831	1886	1903
			2299	2459	2682	3072	3261
			3364	3836	4054	4067	4188
EaeI	Y!GGCCR	9	166	469	490	630	941
			2203	2377	2768	2795	
EagI	C!GGCCG	2	941	2203			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	573	1768	2645	2855	
Ecl136II	GAG!CTC	1	37				
EclXI	C!GGCCG	2	941	2203			
Eco105I	TAC!GTA	0					
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	755	3286			
Eco47I	G!GWCC	3	892	2813	3258		
Eco47III	AGC!GCT	1	15				
Eco52I	C!GGCCG	2	941	2203			
Eco57I	!CTGAAG	4	328	571	2421	2853	
Eco57I	!CTTCAG	2	174	3687			
Eco81I	CC!TNAGG	2	1777	3409			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3395				
EcoO65I	G!GTNACC	2	277	424			
EcoRI	G!AATTC	1	48				
EcoRII	!CCWGG	14	263	273	471	795	876
			1831	1886	1903	2682	3261
			3364	4054	4067	4188	
EcoRV	GAT!ATC	1	811				
EcoT14I	C!CWGGG	5	817	2026	2119	2729	3134
EcoT22I	ATGCA!T	3	1869	1941	4272		
EcoT38I	GRGCV!C	5	39	76	1488	2662	3372
EheI	GGC!GCC	3	109	298	2298		
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	1	716				
FbaI	T!GATCA	0					
FinI	!GTCCC	4	1827	1899	1963	3258	
FinI	!GGGAC	3	2433	2965	3074		
Fnu4HI	GC!NGC	40	103	106	349	442	610

			664	667	784	840	860
			906	944	1074	1593	1615
			1629	2067	2206	2258	2269
			2359	2364	2401	2442	2529
			2532	2535	2771	2867	2908
			2922	3036	3375	3390	3601
			3807	3810	3875	4018	4173
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	10	176	236	500	737	860
			901	2164	2621	2646	3100
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	2	167	1970			
FspI	TGC!GCA	1	2399				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	624	935	2197	2762	2789
GdiII	CGGCCRN!	2	947	2209			
GsuI	!CTCCAG	1	3094				
GsuI	!CTGGAG	3	264	511	3115		
HaeI	WGG!CCW	9	168	471	492	560	2118
			2379	3741	4193	4204	
HaeII	RGCGC!Y	8	17	111	300	582	1564
			1572	2300	3975		
HaeIII	GG!CC	27	74	168	321	471	492
			560	570	632	669	943
			1263	1405	2060	2066	2075
			2118	2205	2379	2770	2797
			3306	3363	3396	3741	4175
			4193	4204			
HapII	C!CGG	22	20	76	86	246	606
			830	1515	2202	2279	2301
			2329	2460	2550	2617	2798
			3073	3081	3173	3647	3837
			3863	4010			
HgaI	GACGCNNNNN!	2	3007	3086			
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	1630	3525	4103		
HgiAI	GWGCW!C	6	39	272	678	2410	2600
			3905				
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	3627				
HhaI	GCG!C	29	16	110	299	378	419
			581	771	773	844	1563
			1571	1597	1619	1628	1641
			1672	2291	2299	2363	2400
			2666	2926	3102	3188	3591
			3700	3874	3974	4041	
HinI	GR!CGYC	5	108	297	2297	2999	3078
HinPII	G!CGC	29	14	108	297	376	417
			579	769	771	842	1561
			1569	1595	1617	1626	1639
			1670	2289	2297	2361	2398
			2664	2924	3100	3186	3589
			3698	3872	3972	4039	
HincII	GTY!RAC	2	60	1060			
HindIII	A!AGCTT	1	41				
HinfI	G!ANTC	13	23	508	948	1340	1362
			1772	2782	2916	2968	3026
			3063	3845	4241		
HpaI	GTT!AAC	1	1060				
HpaII	C!CGG	22	20	76	86	246	606
			830	1515	2202	2279	2301
			2329	2460	2550	2617	2798
			3073	3081	3173	3647	3837
			3863	4010			

HphI	GGTGANNNNNNNNN!	4	289	436	3368	3484	
HphI	!NNNNNNNTCACC	6	376	517	728	890	1414
			2475				
KasI	G!GCGCC	3	107	296	2296		
KpnI	GGTAC!C	1	68				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	569	1764	2641	2851	
KspI	CCGC!GG	2	71	187			
MaeI	C!TAG	9	11	921	952	1146	1564
			2120	3135	3469	3722	
MaeII	A!CGT	13	138	366	495	678	708
			1357	1369	1412	1522	2413
			2600	3381	3514		
MaeIII	!GTNAC	13	277	424	727	896	1085
			1586	1598	2417	2723	3413
			3679	3795	3858		
MamI	GATNN!NNATC	2	959	2156			
MboI	!GATC	28	28	79	129	553	588
			600	634	733	800	924
			937	954	2134	2138	2157
			2468	2546	2627	2636	2714
			3090	3106	3465	3477	3555
			3563	3574	3649		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	6	586	1553	1781	2658	2868
			3487				
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	2948	3115	3315	3558	
McrI	!CGRYCG	4	86	940	2202	3877	
MfeI	!CAATTG	1	1046				
MflI	R!GATCY	12	28	79	129	588	800
			2468	2714	3106	3465	3477
			3563	3574			
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1364				
MmeI	!GTYGGA	2	3840	4024			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	9	1016	1025	2080	2086	2898
			3104	3418	3788	4112	
MnlI	!NNNNNNNGAGG	17	144	384	414	975	1440
			1771	2049	2055	2092	2095
			2107	2147	2211	2347	2704
			3134	4037			
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	4	168	471	492	2379	
MseI	T!TAA	14	998	1059	1180	1201	1212
			1224	1235	1252	1350	1621
			3440	3454	3459	3511	
MspI	C!CGG	22	20	76	86	246	606
			830	1515	2202	2279	2301
			2329	2460	2550	2617	2798
			3073	3081	3173	3647	3837
			3863	4010			
MstI	TGC!GCA	1	2399				
MstII	CC!TNAGG	2	1777	3409			
MunI	C!AATTG	1	1047				
MvaI	CC!WGG	14	265	275	473	797	878
			1833	1888	1905	2684	3263
			3366	4056	4069	4190	
MvnI	CG!CG	20	70	186	417	456	741
			771	946	1221	1597	1617
			1641	1672	2363	2664	3102

			3186	3249	3318	3591	4172
NaeI	GCC!GGC	5	607	831	1516	2799	3082
NarI	GG!CGCC	3	108	297	2297		
NciI	CC!SGG	6	76 3838	77	2301	2461	3074
NcoI	C!CATGG	3	817	2026	2729		
NdeI	CA!TATG	0					
NdeII	!GATC	28	28 600 937 2468 3090 3563	79 634 954 2546 3106 3574	129 733 2134 2627 3465 3649	553 800 2138 2636 3477	588 924 2157 2714 3555
NgoMI	G!CCGGC	5	605	829	1514	2797	3080
NheI	G!CTAGC	0					
NlaIII	CATG!	18	100 1727 2516 3499	355 1867 2702 4219	700 1939 2733 4270	821 2030 2759	868 2171 3115
NlaIV	GGN!NCC	20	66 322 1676 3181	74 670 1837 3260	81 1452 1909 3305	109 1473 2298 4148	298 1485 2333 4187
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	1869	1941	4272		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	355	1867	1939	2702	4219
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	46	2979			
NspBII	CMG!CKG	7	70 3632	105 3877	186	1795	2403
NspII	GDGCH!C	16	39 678 2336 3905	76 684 2410	258 877 2600	264 1488 2662	272 2243 3372
NspIII	C!YCGRG	5	32	75	323	683	804
NspIV	G!GNCC	11	72 1404 3395	73 2813	320 3258	668 3304	892 3362
NunII	GG!CGCC	3	108	297	2297		
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	2	32	804			
PalI	GG!CC	27	74 560 1263 2118 3306 4193	168 570 1405 2205 3363 4204	321 632 2060 2379 3396	471 669 2066 2770 3741	492 943 2075 2797 4175
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	499				
PleI	GAGTCNNNN!	2	1348	1780			
PleI	!NNNNNGACTC	5	17	942	1356	2962	3839
PmaCI	CAC!GTG	3	496	679	709		
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	3	496	679	709		
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	2	57	907			
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	1795	2403			
RmaI	C!TAG	9	11	921	952	1146	1564

			2120	3135	3469	3722	
RsaI	GT!AC	6	66 2603	317	449	542	689
RsrI	G!AATTC	1	48				
RsrII	CG!GWCCG	1	2813				
SacI	GAGCT!C	1	39				
SacII	CCGC!GG	2	71	187			
SalI	G!TCGAC	1	58				
Sau3AI	!GATC	28	28 600 937 2468 3090 3563	79 634 954 2546 3106 3574	129 733 2134 2627 3465 3649	553 800 2138 2636 3477	588 924 2157 2714 3555
Sau96I	G!GNCC	11	72 1404 3395	73 2813	320 3258	668 3304	892 3362
SauI	CC!TNAGG	2	1777	3409			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	20	76 797 2301 3366	77 878 2461 3838	265 1833 2684 4056	275 1888 3074 4069	473 1905 3263 4190
SduI	GDGCH!C	16	39 678 2336 3905	76 684 2410	258 877 2600	264 1488 2662	272 2243 3372
SecI	C!CNNGG	26	68 273 817 2061 3134 4055	75 420 876 2070 3261	121 472 1831 2119 3262	184 774 1903 2460 3364	263 796 2026 2729 3365
SexI	!CTCGAG	2	31	803			
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	189 2660	1113 2935	1876	1948	2596
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	6	193 4118	214	2255	2510	2726
SfcI	C!TRYAG	5	53	903	1632	3759	3950
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2072				
SfuI	TT!CGAA	2	46	2979			
SgrAI	CR!CCGGYG	2	245	829			
SinI	G!GWCC	3	892	2813	3258		
SmaI	CCC!GGG	1	77				
SnaBI	TAC!GTA	0					
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	674	3901			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	355	1867	1939	2702	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	1205	1758			
SstI	GAGCT!C	1	39				
SstII	CCGC!GG	2	71	187			
SstIII	!ACGT	13	137 1356 2599	365 1368 3380	494 1411 3513	677 1521	707 2412
StuI	AGG!CCT	1	2118				

StyI	C!CWWGG	5	817	2026	2119	2729	3134
StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	17	33	46	59	390	432
			805	1446	2137	2410	2566
			2590	2626	2788	2979	3024
			3279	4117			
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	4	746	1317	2334	3002	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3246				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	1	656				
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	2	2201	2793			
TfiI	G!AWTC	6	508	2782	2916	3026	3063
			4241				
ThaI	CG!CG	20	70	186	417	456	741
			771	946	1221	1597	1617
			1641	1672	2363	2664	3102
			3186	3249	3318	3591	4172
Tsp45I	!GTSAC	7	277	424	727	896	1586
			2417	2723			
TspEI	!AATT	12	48	403	520	1047	1111
			1189	1215	1226	1873	1945
			2037	3455			
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2415				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	3624				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	2732	3592	3631		
TthHB8I	T!CGA	17	33	46	59	390	432
			805	1446	2137	2410	2566
			2590	2626	2788	2979	3024
			3279	4117			
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	499				
VspI	AT!TAAT	0					
XbaI	T!CTAGA	1	951				
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	2572				
XcyI	C!CCGGG	1	75				
XhoI	C!TCGAG	2	32	804			
XhoII	R!GATCY	12	28	79	129	588	800
			2468	2714	3106	3465	3477
			3563	3574			
XmaI	C!CCGGG	1	75				
XmaIII	C!GGCCG	2	941	2203			
XmnI	GAANN!NNTTC	1	335				
XorII	CGAT!CG	0					