

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2042				
AatII	GACGT!C	0					
Acc65I	G!GTACC	1	64				
AccI	GT!MKAC	1	59				
AccII	CG!CG	20	70	186	417	456	741
			771	870	1145	1521	1541
			1565	1596	2287	2588	3026
			3110	3173	3242	3515	4096
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	25	70	105	186	663	666
			1481	1508	1596	1706	2287
			2351	2452	2455	2735	2790
			2888	3026	3173	3313	3556
			3801	3922	3941	4068	4096
AciI	C!CGC	30	68	184	415	739	784
			868	1536	1539	1553	1643
			1891	1903	1912	1924	1934
			1945	1991	2130	2193	2695
			2740	2806	2832	2957	2960
			3108	3240	3547	3691	4187
AcyI	GR!CGYC	5	108	297	2221	2923	3002
AfaI	GT!AC	6	66	317	449	542	689
			2527				
AflI	G!GWCC	2	2737	3182			
AflII	C!TTAAG	1	1103				
AflIII	A!CRYGT	1	4139				
AgeI	A!CCGGT	1	85				
AhaI	CC!SGG	6	76	77	2225	2385	2998
			3762				
AhaII	GR!CGYC	5	108	297	2221	2923	3002
AhaIII	TTT!AAA	3	923	3365	3384		
AluI	AG!CT	21	37	43	328	348	463
			702	715	804	813	818
			1000	1167	1424	1719	2007
			2327	2785	3582	3839	3885
			3975				
Alw44I	G!TGCAC	2	674	3825			
AlwI	GGATCNNNN!	8	87	2089	2400	2646	3038
			3397	3495	3581		
AlwI	!NNNNNGATCC	7	74	124	831	2465	3009
			3396	3493			
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3322	3730			
AocI	CC!TNAGG	2	1701	3333			
AocII	GDGCH!C	15	39	76	258	264	272
			678	684	1412	2167	2260
			2334	2524	2586	3296	3829
Aor51HI	AGC!GCT	1	15				
AosI	TGC!GCA	1	2323				
AosII	GR!CGYC	5	108	297	2221	2923	3002
ApaI	GGGCC!C	1	76				
ApaLI	G!TGCAC	2	674	3825			
ApoI	R!AATTY	4	48	1035	1139	1150	
ApyI	CC!WGG	12	265	275	473	1757	1812
			1829	2608	3187	3290	3980
			3993	4114			
AquI	C!YCGRG	4	32	75	323	683	

AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	0					
AsnI	AT!TAAT	0					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	335				
Asp718I	G!GTACC	1	64				
AspHI	GWGCW!C	6	39	272	678	2334	2524
			3829				
AspI	GACN!NNGTC	1	2339				
AsuI	G!GNCC	10	72	73	320	668	1328
			2737	3182	3228	3286	3319
AsuII	TT!CGAA	2	46	2903			
AvaI	C!YCGRG	4	32	75	323	683	
AvaII	G!GWCC	2	2737	3182			
AvaIII	ATGCA!T	3	1793	1865	4196		
AviII	TGC!GCA	1	2323				
AvrI	!CYCGRG	4	31	74	322	682	
AvrII	C!CTAGG	2	2043	3058			
AxyI	CC!TNAGG	2	1701	3333			
BalI	TGG!CCA	4	168	471	492	2303	
BamHI	G!GATCC	1	79				
BanI	G!GYRCC	6	64	107	296	1374	2220
			2255				
BanII	GRGCY!C	5	39	76	1412	2586	3296
BanIII	AT!CGAT	1	2061				
BbeI	GGCGC!C	3	111	300	2224		
BbiIII/AcyI	GR!CGYC	5	108	297	2221	2923	3002
BbrPI	CAC!GTG	3	496	679	709		
BbsI	!GTCTTC	0					
BbsI	!GAAGAC	0					
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	9	114	453	621	1009	2294
			2336	2857	3310	3810	
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	8	335	1503	2168	2352	2445
			3511	3717	3720		
BbvII	GAAGACNN!	0					
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	139	214	310	334	583
			2647	3134			
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	759	1363	2181	3640	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0					
BclI	T!GATCA	0					
BcnI	CC!SGG	6	76	77	2225	2385	2998
			3762				
BfaI	C!TAG	8	11	876	1070	1488	2044
			3059	3393	3646		
BfrI	C!TTAAG	1	1103				
BglI	GCCNNNN!NGGC	1	1996				
BglII	A!GATCT	2	28	588			
BinI	!NNNNNGATCC	7	74	124	831	2465	3009
			3396	3493			
BinI	GGATCNNNN!	8	87	2089	2400	2646	3038
			3397	3495	3581		
BlnI	C!CTAGG	2	2043	3058			
BmyI	GDGCH!C	15	39	76	258	264	272
			678	684	1412	2167	2260
			2334	2524	2586	3296	3829
BpmI	!CTCCAG	1	3018				
BpmI	!CTGGAG	3	264	511	3039		
Bpu1102I	GC!TNAGC	2	716	814			

BsaAI	YAC!GTR	7	139	367	496	679	709
			1337	2525			
BsaBI	GATNN!NNATC	2	883	2080			
BsaHI	GR!CGYC	5	108	297	2221	2923	3002
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	755	3210			
BsaJI	C!CNNGG	23	68	75	121	184	263
			273	420	472	774	1755
			1827	1950	1985	1994	2043
			2384	2653	3058	3185	3186
			3288	3289	3979		
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	1	768				
BsgI	!GTGCAG	1	367				
BsgI	!CTGCAC	1	237				
BsiEI	CGRY!CG	3	90	2130	3805		
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	23	139	190	264	421	499
			662	1233	1559	1951	2202
			2746	3027	3059	3060	3191
			3226	3276	3277	3308	3661
			3940	4106	4124		
BslI	CCNNNNN!NNGG	23	139	190	264	421	499
			662	1233	1559	1951	2202
			2746	3027	3059	3060	3191
			3226	3276	3277	3308	3661
			3940	4106	4124		
BsmAI	!GTCTC	0					
BsmAI	!GAGAC	5	760	1650	2068	3087	3215
BsmI	GAATGCN!	1	972				
BsmI	G!CATTC	1	1065				
Bsp1286I	GDGCH!C	15	39	76	258	264	272
			678	684	1412	2167	2260
			2334	2524	2586	3296	3829
BspDI	AT!CGAT	1	2061				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	1647	3419			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	2489	2939			
BspMI	!NNNNNNNNNGCAGGT	1	2108				
BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	30	186	192	207	246	303
			576	615	810	1448	1478
			1505	1547	1549	1788	1860
			1911	1990	1996	2212	2296
			2319	2458	2464	2581	2664
			2931	3118	3322	3521	4093
BsrFI	R!CCGGY	7	85	245	605	1438	2540
			2721	3004			
BsrI	ACTGGN!	3	2165	2366	3612		
BsrI	C!CAGT	7	229	301	840	1250	1928
			3724	3737			
BssHII	G!CGCGC	1	769				
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	46	2903			
BstEII	G!GTNACC	2	277	424			
BstI	G!GATCC	1	79				
BstNI	CC!WGG	12	265	275	473	1757	1812
			1829	2608	3187	3290	3980
			3993	4114			

BstPI	G!GTNACC	2	277	424				
BstUI	CG!CG	20	70	186	417	456	741	
			771	870	1145	1521	1541	
			1565	1596	2287	2588	3026	
			3110	3173	3242	3515	4096	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0						
BstYI	R!GATCY	12	28	79	129	588	836	
			2392	2638	3030	3389	3401	
			3487	3498				
Bsu36I	CC!TNAGG	2	1701	3333				
CbiI	TT!CGAA	2	46	2903				
CcrI	C!TCGAG	1	32					
CelII	GC!TNAGC	2	716	814				
CfoI	GCG!C	28	16	110	299	378	419	
			581	771	773	1487	1495	
			1521	1543	1552	1565	1596	
			2215	2223	2287	2324	2590	
			2850	3026	3112	3515	3624	
			3798	3898	3965			
Cfr10I	R!CCGGY	7	85	245	605	1438	2540	
			2721	3004				
Cfr13I	G!GNCC	10	72	73	320	668	1328	
			2737	3182	3228	3286	3319	
Cfr9I	C!CCGGG	1	75					
CfrI	Y!GGCCR	9	166	469	490	630	865	
			2127	2301	2692	2719		
ClaI	AT!CGAT	1	2061					
CpoI	CG!GWCCG	1	2737					
Csp45I	TT!CGAA	2	46	2903				
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	90	37	43	74	168	195	
			321	328	348	363	463	
			471	477	492	560	570	
			632	669	702	715	753	
			804	813	818	867	890	
			1000	1167	1187	1329	1410	
			1424	1438	1719	1760	1832	
			1955	1984	1990	1999	2007	
			2030	2042	2048	2129	2146	
			2154	2181	2206	2290	2299	
			2303	2327	2365	2441	2458	
			2477	2540	2584	2594	2611	
			2694	2721	2725	2762	2785	
			2801	2981	3008	3069	3191	
			3230	3287	3294	3301	3320	
			3331	3582	3611	3654	3665	
			3730	3809	3834	3839	3885	
			3975	4073	4099	4117	4128	
CvnI	CC!TNAGG	2	1701	3333				
DdeI	C!TNAG	10	25	716	814	851	1701	
			2003	2884	3333	3456	3865	
DpnI	GA!TC	26	30	81	131	555	590	
			602	636	735	838	880	
			2060	2064	2083	2394	2472	
			2553	2562	2640	3016	3032	
			3391	3403	3481	3489	3500	
			3575					
DpnII	!GATC	26	28	79	129	553	588	
			600	634	733	836	878	

			2058	2062	2081	2392	2470
			2551	2560	2638	3014	3030
			3389	3401	3479	3487	3498
			3573				
DraI	TTT!AAA	3	923	3365	3384		
DraII	RG!GNCCY	1	3319				
DraIII	CACNNN!GTG	1	1337				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1292	2248	4037		
DsaI	C!CRYGG	6	68	121	184	774	1950
			2653				
DsaV	!CCNGG	18	74	75	263	273	471
			1755	1810	1827	2223	2383
			2606	2996	3185	3288	3760
			3978	3991	4112		
EaeI	Y!GGCCR	9	166	469	490	630	865
			2127	2301	2692	2719	
EagI	C!GGCCG	1	2127				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	573	1692	2569	2779	
Ecl136II	GAG!CTC	1	37				
EclXI	C!GGCCG	1	2127				
Eco105I	TAC!GTA	0					
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNGAGACC	2	755	3210			
Eco47I	G!GWCC	2	2737	3182			
Eco47III	AGC!GCT	1	15				
Eco52I	C!GGCCG	1	2127				
Eco57I	!CTGAAG	5	328	571	754	2345	2777
Eco57I	!CTTCAG	2	174	3611			
Eco81I	CC!TNAGG	2	1701	3333			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3319				
EcoO65I	G!GTNACC	2	277	424			
EcoRI	G!AATTC	1	48				
EcoRII	!CCWGG	12	263	273	471	1755	1810
			1827	2606	3185	3288	3978
			3991	4112			
EcoRV	GAT!ATC	0					
EcoT14I	C!CWGGG	4	1950	2043	2653	3058	
EcoT22I	ATGCA!T	3	1793	1865	4196		
EcoT38I	GRGCY!C	5	39	76	1412	2586	3296
EheI	GGC!GCC	3	109	298	2222		
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	2	716	814			
FbaI	T!GATCA	0					
FinI	!GTCCC	4	1751	1823	1887	3182	
FinI	!GGGAC	3	2357	2889	2998		
Fnu4HI	GC!NGC	38	103	106	187	349	442
			610	664	667	784	868
			998	1517	1539	1553	1991
			2130	2182	2193	2283	2288
			2325	2366	2453	2456	2459
			2695	2791	2832	2846	2960
			3299	3314	3525	3731	3734
			3799	3942	4097		
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	8	176	236	500	737	2088
			2545	2570	3024		

FokI	!NNNNNNNNNNNNNNNCATCC	2	167	1894				
FspI	TGC!GCA	1	2323					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	624	859	2121	2686	2713	
GdiII	CGGCCRN!	1	2133					
GsuI	!CTCCAG	1	3018					
GsuI	!CTGGAG	3	264	511	3039			
HaeI	WGG!CCW	9	168	471	492	560	2042	
			2303	3665	4117	4128		
HaeII	RGCGC!Y	8	17	111	300	582	1488	
			1496	2224	3899			
HaeIII	GG!CC	27	74	168	321	471	492	
			560	570	632	669	867	
			1187	1329	1984	1990	1999	
			2042	2129	2303	2694	2721	
			3230	3287	3320	3665	4099	
			4117	4128				
HapII	C!CGG	21	20	76	86	246	606	
			1439	2126	2203	2225	2253	
			2384	2474	2541	2722	2997	
			3005	3097	3571	3761	3787	
			3934					
HgaI	GACGCNNNNN!	2	2931	3010				
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	1554	3449	4027			
HgiAI	GWGCW!C	6	39	272	678	2334	2524	
			3829					
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	3551					
HhaI	GCG!C	28	16	110	299	378	419	
			581	771	773	1487	1495	
			1521	1543	1552	1565	1596	
			2215	2223	2287	2324	2590	
			2850	3026	3112	3515	3624	
			3798	3898	3965			
HinII	GR!CGYC	5	108	297	2221	2923	3002	
HinPII	G!CGC	28	14	108	297	376	417	
			579	769	771	1485	1493	
			1519	1541	1550	1563	1594	
			2213	2221	2285	2322	2588	
			2848	3024	3110	3513	3622	
			3796	3896	3963			
HincII	GTY!RAC	2	60	984				
HindIII	A!AGCTT	2	41	802				
HinfI	G!ANTC	14	23	508	823	872	1264	
			1286	1696	2706	2840	2892	
			2950	2987	3769	4165		
HpaI	GTT!AAC	1	984					
HpaII	C!CGG	21	20	76	86	246	606	
			1439	2126	2203	2225	2253	
			2384	2474	2541	2722	2997	
			3005	3097	3571	3761	3787	
			3934					
HphI	GGTGANNNNNNNN!	4	289	436	3292	3408		
HphI	!NNNNNNNTCACC	6	376	517	595	728	1338	
			2399					
KasI	G!GCGCC	3	107	296	2220			
KpnI	GGTAC!C	1	68					
Ksp632I	CTCTTCN!	0						
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	569	1688	2565	2775		
KspI	CCGC!GG	2	71	187				
MaeI	C!TAG	8	11	876	1070	1488	2044	

			3059	3393	3646		
MaeII	A!CGT	13	138	366	495	678	708
			1281	1293	1336	1446	2337
			2524	3305	3438		
MaeIII	!GTNAC	12	277	424	727	1009	1510
			1522	2341	2647	3337	3603
			3719	3782			
MamI	GATNN!NNATC	2	883	2080			
MboI	!GATC	26	28	79	129	553	588
			600	634	733	836	878
			2058	2062	2081	2392	2470
			2551	2560	2638	3014	3030
			3389	3401	3479	3487	3498
			3573				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	6	586	1477	1705	2582	2792
			3411				
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	2872	3039	3239	3482	
McrI	!CGRYCG	3	86	2126	3801		
MfeI	!CAATTG	1	970				
MflI	R!GATCY	12	28	79	129	588	836
			2392	2638	3030	3389	3401
			3487	3498			
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1288				
MmeI	!GTYGGA	2	3764	3948			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	10	860	940	949	2004	2010
			2822	3028	3342	3712	4036
MnlI	!NNNNNNNGAGG	17	144	384	414	899	1364
			1695	1973	1979	2016	2019
			2031	2071	2135	2271	2628
			3058	3961			
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	4	168	471	492	2303	
MseI	T!TAA	15	806	922	983	1104	1125
			1136	1148	1159	1176	1274
			1545	3364	3378	3383	3435
MspI	C!CGG	21	20	76	86	246	606
			1439	2126	2203	2225	2253
			2384	2474	2541	2722	2997
			3005	3097	3571	3761	3787
			3934				
MstI	TGC!GCA	1	2323				
MstII	CC!TNAGG	2	1701	3333			
MunI	C!AATTG	1	971				
MvaI	CC!WGG	12	265	275	473	1757	1812
			1829	2608	3187	3290	3980
			3993	4114			
MvnI	CG!CG	20	70	186	417	456	741
			771	870	1145	1521	1541
			1565	1596	2287	2588	3026
			3110	3173	3242	3515	4096
NaeI	GCC!GGC	3	1440	2723	3006		
NarI	GG!CGCC	3	108	297	2221		
NciI	CC!SGG	6	76	77	2225	2385	2998
			3762				
NcoI	C!CATGG	2	1950	2653			
NdeI	CA!TATG	0					
NdeII	!GATC	26	28	79	129	553	588
			600	634	733	836	878

			2058	2062	2081	2392	2470
			2551	2560	2638	3014	3030
			3389	3401	3479	3487	3498
			3573				
NgoMI	G!CCGGC	3	1438	2721	3004		
NheI	G!CTAGC	0					
NlaIII	CATG!	16	100	355	700	1651	1791
			1863	1954	2095	2440	2626
			2657	2683	3039	3423	4143
			4194				
NlaIV	GGN!NCC	20	66	74	81	109	298
			322	670	1376	1397	1409
			1600	1761	1833	2222	2257
			3105	3184	3229	4072	4111
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	1793	1865	4196		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	355	1791	1863	2626	4143
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	46	2903			
NspBII	CMG!CKG	7	70	105	186	1719	2327
			3556	3801			
NspII	GDGCH!C	15	39	76	258	264	272
			678	684	1412	2167	2260
			2334	2524	2586	3296	3829
NspIII	C!YCGRG	4	32	75	323	683	
NspIV	G!GNCC	10	72	73	320	668	1328
			2737	3182	3228	3286	3319
NunII	GG!CGCC	3	108	297	2221		
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	32				
PalI	GG!CC	27	74	168	321	471	492
			560	570	632	669	867
			1187	1329	1984	1990	1999
			2042	2129	2303	2694	2721
			3230	3287	3320	3665	4099
			4117	4128			
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	499				
PleI	GAGTCNNNN!	2	1272	1704			
PleI	!NNNNNGACTC	6	17	817	866	1280	2886
			3763				
PmaCI	CAC!GTG	3	496	679	709		
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	3	496	679	709		
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	1	57				
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	1719	2327			
RmaI	C!TAG	8	11	876	1070	1488	2044
			3059	3393	3646		
RsaI	GT!AC	6	66	317	449	542	689
			2527				
RsrI	G!AATTC	1	48				
RsrII	CG!GWCCG	1	2737				
SacI	GAGCT!C	1	39				
SacII	CCGC!GG	2	71	187			
SalI	G!TCGAC	1	58				
Sau3AI	!GATC	26	28	79	129	553	588
			600	634	733	836	878

			2058	2062	2081	2392	2470
			2551	2560	2638	3014	3030
			3389	3401	3479	3487	3498
			3573				
Sau96I	G!GNCC	10	72	73	320	668	1328
			2737	3182	3228	3286	3319
SauI	CC!TNAGG	2	1701	3333			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	18	76	77	265	275	473
			1757	1812	1829	2225	2385
			2608	2998	3187	3290	3762
			3980	3993	4114		
SduI	GDGCH!C	15	39	76	258	264	272
			678	684	1412	2167	2260
			2334	2524	2586	3296	3829
SecI	C!CNNGG	23	68	75	121	184	263
			273	420	472	774	1755
			1827	1950	1985	1994	2043
			2384	2653	3058	3185	3186
			3288	3289	3979		
SexI	!CTCGAG	1	31				
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	189	1037	1800	1872	2520
			2584	2859			
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	6	193	214	2179	2434	2650
			4042				
SfcI	C!TRYAG	4	53	1556	3683	3874	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	1996				
SfuI	TT!CGAA	2	46	2903			
SgrAI	CR!CCGGYG	1	245				
SinI	G!GWCC	2	2737	3182			
SmaI	CCC!GGG	1	77				
SnaBI	TAC!GTA	0					
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	674	3825			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	355	1791	1863	2626	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	1129	1682			
SstI	GAGCT!C	1	39				
SstII	CCGC!GG	2	71	187			
SstIII	!ACGT	13	137	365	494	677	707
			1280	1292	1335	1445	2336
			2523	3304	3437		
StuI	AGG!CCT	1	2042				
StyI	C!CWGGG	4	1950	2043	2653	3058	
StySJI	!GAGNNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	16	33	46	59	390	432
			1370	2061	2334	2490	2514
			2550	2712	2903	2948	3203
			4041				
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	4	746	1241	2258	2926	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3170				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	1	656				
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	2	2125	2717			
TfiI	G!AWTC	6	508	2706	2840	2950	2987

			4165					
ThaI	CG!CG	20	70	186	417	456	741	
			771	870	1145	1521	1541	
			1565	1596	2287	2588	3026	
			3110	3173	3242	3515	4096	
Tsp45I	!GTSAC	6	277	424	727	1510	2341	
			2647					
TspEI	!AATT	13	48	403	520	807	971	
			1035	1113	1139	1150	1797	
			1869	1961	3379			
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2339					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNNN!	1	3548					
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	2656	3516	3555			
TthHB8I	T!CGA	16	33	46	59	390	432	
			1370	2061	2334	2490	2514	
			2550	2712	2903	2948	3203	
			4041					
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	499					
VspI	AT!TAAT	0						
XbaI	T!CTAGA	1	875					
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	2496					
XcyI	C!CCGGG	1	75					
XhoI	C!TCGAG	1	32					
XhoII	R!GATCY	12	28	79	129	588	836	
			2392	2638	3030	3389	3401	
			3487	3498				
XmaI	C!CCGGG	1	75					
XmaIII	C!GGCCG	1	2127					
XmnI	GAANN!NNTTC	1	335					
XorII	CGAT!CG	0						