

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position					
AatI	AGG!CCT	1	2700					
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448		
Acc65I	G!GTACC	1	646					
AccI	GT!MKAC	1	641					
AccII	CG!CG	21	61	652	768	999	1038	
			1323	1353	1528	1803	2179	
			2199	2223	2254	2945	3246	
			3684	3768	3831	3900	4173	
			4754					
AccIII	T!CCGGA	0						
AciI	G!CGG	31	371	404	529	652	687	
			768	1245	1248	1415	1421	
			1467	2139	2166	2254	2364	
			2945	3009	3110	3113	3393	
			3448	3546	3684	3831	3971	
			4214	4459	4580	4599	4726	
			4754					
AciI	C!CGC	38	59	87	99	113	280	
			508	590	650	766	997	
			1321	1366	1409	1526	2194	
			2197	2211	2301	2549	2561	
			2570	2582	2592	2603	2649	
			2788	2851	3353	3398	3464	
			3490	3615	3618	3766	3898	
			4205	4349	4845			
AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	690	
			879	2879	3581	3660		
AfaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384	
			541	648	899	1031	1124	
			1271	3185				
AflI	G!GWCC	3	1474	3395	3840			
AflII	C!TTAAG	1	1761					
AflIII	A!CRYGT	1	4797					
AgeI	A!CCGGT	1	667					
AhaI	CC!SGG	6	658	659	2883	3043	3656	
			4420					
AhaII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	690	
			879	2879	3581	3660		
AhaIII	TTT!AAA	3	1581	4023	4042			
AluI	AG!CT	19	567	619	625	910	930	
			1045	1284	1297	1658	1825	
			2082	2377	2665	2985	3443	
			4240	4497	4543	4633		
Alw44I	G!TGCAC	2	1256	4483				
AlwI	GGATCNNNN!	11	669	1390	1514	1527	2747	
			3058	3304	3696	4055	4153	
			4239					
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	656	706	3123	3667	
			4054	4151				
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3980	4388				
AocI	CC!TNAGG	2	2359	3991				
AocII	GDGCH!C	16	621	658	840	846	854	
			1260	1266	1459	2070	2825	
			2918	2992	3182	3244	3954	
			4487					
Aor51HI	AGC!GCT	1	597					

AosI	TGC!GCA	1	2981					
AosII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	690	
			879	2879	3581	3660		
ApaI	GGGCC!C	1	658					
ApaLI	G!TGCAC	2	1256	4483				
ApoI	R!AATTY	4	630	1693	1797	1808		
ApyI	CC!WGG	16	91	284	847	857	1055	
			1379	1460	2415	2470	2487	
			3266	3845	3948	4638	4651	
			4772					
AquI	C!YCGRG	5	614	657	905	1265	1386	
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	917					
Asp718I	G!GTACC	1	646					
AspHI	GWGCW!C	6	621	854	1260	2992	3182	
			4487					
AspI	GACN!NNGTC	1	2997					
AsuI	G!GNCC	13	84	277	654	655	902	
			1250	1474	1986	3395	3840	
			3886	3944	3977			
AsuII	TT!CGAA	2	628	3561				
AvaI	C!YCGRG	5	614	657	905	1265	1386	
AvaII	G!GWCC	3	1474	3395	3840			
AvaIII	ATGCA!T	3	2451	2523	4854			
AviII	TGC!GCA	1	2981					
AvrI	!CYCGRG	5	613	656	904	1264	1385	
AvrII	C!CTAGG	2	2701	3716				
AxyI	CC!TNAGG	2	2359	3991				
BalI	TGG!CCA	4	750	1053	1074	2961		
BamHI	G!GATCC	1	661					
BanI	G!GYRCC	7	466	646	689	878	2032	
			2878	2913				
BanII	GRGCY!C	5	621	658	2070	3244	3954	
BanIII	AT!CGAT	1	2719					
BbeI	GGCGC!C	3	693	882	2882			
BbiIII/AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	690	
			879	2879	3581	3660		
BbrPI	CAC!GTG	3	1078	1261	1291			
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	10	696	1035	1203	1499	1667	
			2952	2994	3515	3968	4468	
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	917	1428	2161	2826	3010	
			3103	4169	4375	4378		
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	721	796	892	916	1165	
			3305	3792				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1341	2021	2839	4298		
BcgI	!GCANNNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	6	658	659	2883	3043	3656	
			4420					
BfaI	C!TAG	9	593	1503	1534	1728	2146	
			2702	3717	4051	4304		
BfrI	C!TTAAG	1	1761					

BglI	GCCNNNN!NNGC	4	91	213	284	2654	
BglII	A!GATCT	2	610	1170			
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	656	706	3123	3667
			4054	4151			
BinI	GGATCNNNN!	11	669	1390	1514	1527	2747
			3058	3304	3696	4055	4153
			4239				
BlnI	C!CTAGG	2	2701	3716			
BmyI	GDGCH!C	16	621	658	840	846	854
			1260	1266	1459	2070	2825
			2918	2992	3182	3244	3954
			4487				
BpmI	!CTCCAG	1	3676				
BpmI	!CTGGAG	3	846	1093	3697		
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	1298				
BsaAI	YAC!GTR	8	341	721	949	1078	1261
			1291	1995	3183		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	1541	2738			
BsaHI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	690
			879	2879	3581	3660	
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1337	3868			
BsaJI	C!CNNGG	27	361	650	657	703	766
			845	855	1002	1054	1356
			1378	1399	1458	2413	2485
			2608	2643	2652	2701	3042
			3311	3716	3843	3844	3946
			3947	4637			
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	1	1350				
BsgI	!GTGCAG	1	949				
BsgI	!CTGCAC	1	819				
BsiEI	CGRY!CG	4	672	1526	2788	4463	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	25	50	721	772	846	1003
			1081	1244	1414	1891	2217
			2609	2860	3404	3685	3717
			3718	3849	3884	3934	3935
			3966	4319	4598	4764	4782
BslI	CCNNNNN!NNGG	25	50	721	772	846	1003
			1081	1244	1414	1891	2217
			2609	2860	3404	3685	3717
			3718	3849	3884	3934	3935
			3966	4319	4598	4764	4782
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	1342	2308	2726	3745	3873
BsmI	GAATGCN!	1	1630				
BsmI	G!CATTC	1	1723				
Bsp1286I	GDGCH!C	16	621	658	840	846	854
			1260	1266	1459	2070	2825
			2918	2992	3182	3244	3954
			4487				
BspDI	AT!CGAT	1	2719				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	2305	4077			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	3147	3597			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2766				
BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	36	91	213	245	284	377

			401	774	789	828	885
			1158	1197	1421	1493	2106
			2136	2163	2205	2207	2446
			2518	2569	2648	2654	2870
			2954	2977	3116	3122	3239
			3322	3589	3776	3980	4179
			4751				
BsrFI	R!CCGGY	8	667	827	1187	1411	2096
			3198	3379	3662		
BsrI	ACTGGN!	3	2823	3024	4270		
BsrI	C!CAGT	7	296	811	883	1908	2586
			4382	4395			
BssHII	G!CGCGC	1	1351				
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	3561			
BstEII	G!GTNACC	2	859	1006			
BstI	G!GATCC	1	661				
BstNI	CC!WGG	16	91	284	847	857	1055
			1379	1460	2415	2470	2487
			3266	3845	3948	4638	4651
			4772				
BstPI	G!GTNACC	2	859	1006			
BstUI	CG!CG	21	61	652	768	999	1038
			1323	1353	1528	1803	2179
			2199	2223	2254	2945	3246
			3684	3768	3831	3900	4173
			4754				
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	13	586	610	661	711	1170
			1382	3050	3296	3688	4047
			4059	4145	4156		
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2359	3991			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3561			
CcrI	C!TCGAG	2	614	1386			
CelII	GC!TNAGC	1	1298				
CfoI	GCG!C	29	598	692	881	960	1001
			1163	1353	1355	1426	2145
			2153	2179	2201	2210	2223
			2254	2873	2881	2945	2982
			3248	3508	3684	3770	4173
			4282	4456	4556	4623	
Cfr10I	R!CCGGY	8	667	827	1187	1411	2096
			3198	3379	3662		
Cfr13I	G!GNCC	13	84	277	654	655	902
			1250	1474	1986	3395	3840
			3886	3944	3977		
Cfr9I	C!CCGGG	1	657				
CfrI	Y!GGCCR	9	748	1051	1072	1212	1523
			2785	2959	3350	3377	
ClaI	AT!CGAT	1	2719				
CpoI	CG!GWCCG	1	3395				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3561			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	95	43	85	94	278	567
			619	625	656	750	777
			903	910	930	945	1045
			1053	1059	1074	1142	1152
			1214	1251	1284	1297	1335
			1398	1404	1490	1525	1548

			1658	1825	1845	1987	2068
			2082	2096	2377	2418	2490
			2613	2642	2648	2657	2665
			2688	2700	2706	2787	2804
			2812	2839	2864	2948	2957
			2961	2985	3023	3099	3116
			3135	3198	3242	3252	3269
			3352	3379	3383	3420	3443
			3459	3639	3666	3727	3849
			3888	3945	3952	3959	3978
			3989	4240	4269	4312	4323
			4388	4467	4492	4497	4543
			4633	4731	4757	4775	4786
CvnI	CC!TNAGG	2	2359	3991			
DdeI	C!TNAG	8	607	1298	2359	2661	3542
			3991	4114	4523		
DpnI	GA!TC	29	588	612	663	713	1137
			1172	1184	1218	1317	1384
			1508	1521	1538	2718	2722
			2741	3052	3130	3211	3220
			3298	3674	3690	4049	4061
			4139	4147	4158	4233	
DpnII	!GATC	29	586	610	661	711	1135
			1170	1182	1216	1315	1382
			1506	1519	1536	2716	2720
			2739	3050	3128	3209	3218
			3296	3672	3688	4047	4059
			4137	4145	4156	4231	
DraI	TTT!AAA	3	1581	4023	4042		
DraII	RG!GNCCY	1	3977				
DraIII	CACNNN!GTG	1	1995				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1950	2906	4695		
DsaI	C!CRYGG	8	361	650	703	766	1356
			1399	2608	3311		
DsaV	!CCNGG	22	89	282	656	657	845
			855	1053	1377	1458	2413
			2468	2485	2881	3041	3264
			3654	3843	3946	4418	4636
			4649	4770			
EaeI	Y!GGCCR	9	748	1051	1072	1212	1523
			2785	2959	3350	3377	
EagI	C!GGCCG	2	1523	2785			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	1155	2350	3227	3437	
Ecl136II	GAG!CTC	1	619				
EclXI	C!GGCCG	2	1523	2785			
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1337	3868			
Eco47I	G!GWCC	3	1474	3395	3840		
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	2	1523	2785			
Eco57I	!CTGAAG	4	910	1153	3003	3435	
Eco57I	!CTTCAG	2	756	4269			
Eco81I	CC!TNAGG	2	2359	3991			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3977				
EcoO65I	G!GTNACC	2	859	1006			

EcoRI	G!AATTC	1	630					
EcoRII	!CCWGG	16	89	282	845	855	1053	
			1377	1458	2413	2468	2485	
			3264	3843	3946	4636	4649	
			4770					
EcoRV	GAT!ATC	1	1393					
EcoT14I	C!CWGG	6	361	1399	2608	2701	3311	
			3716					
EcoT22I	ATGCA!T	3	2451	2523	4854			
EcoT38I	GRGCY!C	5	621	658	2070	3244	3954	
EheI	GGC!GCC	3	691	880	2880			
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	1	1298					
FbaI	T!GATCA	0						
FinI	!GTCCC	4	2409	2481	2545	3840		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	3015	3547	
			3656					
Fnu4HI	GC!NGC	40	685	688	931	1024	1192	
			1246	1249	1366	1422	1442	
			1488	1526	1656	2175	2197	
			2211	2649	2788	2840	2851	
			2941	2946	2983	3024	3111	
			3114	3117	3353	3449	3490	
			3504	3618	3957	3972	4183	
			4389	4392	4457	4600	4755	
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	10	758	818	1082	1319	1442	
			1483	2746	3203	3228	3682	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	2	749	2552				
FspI	TGC!GCA	1	2981					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	1206	1517	2779	3344	3371	
GdiII	CGGCCRN!	2	1529	2791				
GsuI	!CTCCAG	1	3676					
GsuI	!CTGGAG	3	846	1093	3697			
HaeI	WGG!CCW	9	750	1053	1074	1142	2700	
			2961	4323	4775	4786		
HaeII	RGCGC!Y	8	599	693	882	1164	2146	
			2154	2882	4557			
HaeIII	GG!CC	29	85	278	656	750	903	
			1053	1074	1142	1152	1214	
			1251	1525	1845	1987	2642	
			2648	2657	2700	2787	2961	
			3352	3379	3888	3945	3978	
			4323	4757	4775	4786		
HapII	C!CGG	22	602	658	668	828	1188	
			1412	2097	2784	2861	2883	
			2911	3042	3132	3199	3380	
			3655	3663	3755	4229	4419	
			4445	4592				
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3589	3668			
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2212	4107	4685			
HgiAI	GWGCW!C	6	621	854	1260	2992	3182	
			4487					
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4209					
HhaI	GCG!C	29	598	692	881	960	1001	
			1163	1353	1355	1426	2145	
			2153	2179	2201	2210	2223	
			2254	2873	2881	2945	2982	
			3248	3508	3684	3770	4173	

			4282	4456	4556	4623	
HinII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	690
			879	2879	3581	3660	
HinPII	G!CGC	29	596	690	879	958	999
			1161	1351	1353	1424	2143
			2151	2177	2199	2208	2221
			2252	2871	2879	2943	2980
			3246	3506	3682	3768	4171
			4280	4454	4554	4621	
HincII	GTY!RAC	2	642	1642			
HindIII	A!AGCTT	1	623				
HinfI	G!ANTC	14	411	605	1090	1530	1922
			1944	2354	3364	3498	3550
			3608	3645	4427	4823	
HpaI	GTT!AAC	1	1642				
HpaII	C!CGG	22	602	658	668	828	1188
			1412	2097	2784	2861	2883
			2911	3042	3132	3199	3380
			3655	3663	3755	4229	4419
			4445	4592			
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	871	1018	3950	4066
HphI	!NNNNNNNTCACC	6	958	1099	1310	1472	1996
			3057				
KasI	G!GCGCC	3	689	878	2878		
KpnI	GGTAC!C	1	650				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	1151	2346	3223	3433	
KspI	CCGC!GG	2	653	769			
MaeI	C!TAG	9	593	1503	1534	1728	2146
			2702	3717	4051	4304	
MaeII	A!CGT	19	123	135	176	259	340
			445	720	948	1077	1260
			1290	1939	1951	1994	2104
			2995	3182	3963	4096	
MaeIII	!GTNAC	16	62	149	498	859	1006
			1309	1478	1667	2168	2180
			2999	3305	3995	4261	4377
			4440				
MamI	GATNN!NNATC	2	1541	2738			
MboI	!GATC	29	586	610	661	711	1135
			1170	1182	1216	1315	1382
			1506	1519	1536	2716	2720
			2739	3050	3128	3209	3218
			3296	3672	3688	4047	4059
			4137	4145	4156	4231	
MboII	GAAGANNNNNNNN!	6	1168	2135	2363	3240	3450
			4069				
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3530	3697	3897	4140	
McrI	!CGRYCG	4	668	1522	2784	4459	
MfeI	!CAATTG	1	1628				
MflI	R!GATCY	13	586	610	661	711	1170
			1382	3050	3296	3688	4047
			4059	4145	4156		
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1946				
MmeI	!GTYGGA	2	4422	4606			
MnlI	CCTCNNNNNN!	9	1598	1607	2662	2668	3480
			3686	4000	4370	4694	
MnlI	!NNNNNNNGAGG	18	541	726	966	996	1557

			2022	2353	2631	2637	2674
			2677	2689	2729	2793	2929
			3286	3716	4619		
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	4	750	1053	1074	2961	
MseI	T!TAA	15	8	1580	1641	1762	1783
			1794	1806	1817	1834	1932
			2203	4022	4036	4041	4093
MspI	C!CGG	22	602	658	668	828	1188
			1412	2097	2784	2861	2883
			2911	3042	3132	3199	3380
			3655	3663	3755	4229	4419
			4445	4592			
MstI	TGC!GCA	1	2981				
MstII	CC!TNAGG	2	2359	3991			
MunI	C!AATTG	1	1629				
MvaI	CC!WGG	16	91	284	847	857	1055
			1379	1460	2415	2470	2487
			3266	3845	3948	4638	4651
			4772				
MvnI	CG!CG	21	61	652	768	999	1038
			1323	1353	1528	1803	2179
			2199	2223	2254	2945	3246
			3684	3768	3831	3900	4173
			4754				
NaeI	GCC!GGC	5	1189	1413	2098	3381	3664
NarI	GG!CGCC	3	690	879	2879		
NciI	CC!SGG	6	658	659	2883	3043	3656
			4420				
NcoI	C!CATGG	4	361	1399	2608	3311	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	29	586	610	661	711	1135
			1170	1182	1216	1315	1382
			1506	1519	1536	2716	2720
			2739	3050	3128	3209	3218
			3296	3672	3688	4047	4059
			4137	4145	4156	4231	
NgoMI	G!CCGGC	5	1187	1411	2096	3379	3662
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	20	305	365	682	937	1282
			1403	1450	2309	2449	2521
			2612	2753	3098	3284	3315
			3341	3697	4081	4801	4852
NlaIV	GGN!NCC	21	468	648	656	663	691
			880	904	1252	2034	2055
			2067	2258	2419	2491	2880
			2915	3763	3842	3887	4730
			4769				
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2451	2523	4854		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	937	2449	2521	3284	4801
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3561			
NspBII	CMG!CKG	7	652	687	768	2377	2985
			4214	4459			
NspII	GDGCH!C	16	621	658	840	846	854
			1260	1266	1459	2070	2825
			2918	2992	3182	3244	3954
			4487				

NspIII	C!YCGRG	5	614	657	905	1265	1386
NspIV	G!GNCC	13	84	277	654	655	902
			1250	1474	1986	3395	3840
			3886	3944	3977		
NunII	GG!CGCC	3	690	879	2879		
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	2	614	1386			
PaiI	GG!CC	29	85	278	656	750	903
			1053	1074	1142	1152	1214
			1251	1525	1845	1987	2642
			2648	2657	2700	2787	2961
			3352	3379	3888	3945	3978
			4323	4757	4775	4786	
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	1081				
PleI	GAGTCNNNN!	2	1930	2362			
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	599	1524	1938	3544
			4421				
PmaCI	CAC!GTG	3	1078	1261	1291		
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	3	1078	1261	1291		
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	2	639	1489			
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	2377	2985			
RmaI	C!TAG	9	593	1503	1534	1728	2146
			2702	3717	4051	4304	
RsaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	648	899	1031	1124
			1271	3185			
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	3395				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	2	653	769			
SalI	G!TCGAC	1	640				
Sau3AI	!GATC	29	586	610	661	711	1135
			1170	1182	1216	1315	1382
			1506	1519	1536	2716	2720
			2739	3050	3128	3209	3218
			3296	3672	3688	4047	4059
			4137	4145	4156	4231	
Sau96I	G!GNCC	13	84	277	654	655	902
			1250	1474	1986	3395	3840
			3886	3944	3977		
SauI	CC!TNAGG	2	2359	3991			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	22	91	284	658	659	847
			857	1055	1379	1460	2415
			2470	2487	2883	3043	3266
			3656	3845	3948	4420	4638
			4651	4772			
SduI	GDGCH!C	16	621	658	840	846	854
			1260	1266	1459	2070	2825
			2918	2992	3182	3244	3954
			4487				
SecI	C!CNNGG	27	361	650	657	703	766
			845	855	1002	1054	1356
			1378	1399	1458	2413	2485
			2608	2643	2652	2701	3042

			3311	3716	3843	3844	3946
			3947	4637			
SexI	!CTCGAG	2	613	1385			
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	771	1695	2458	2530	3178
			3242	3517			
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358	775	796	2837	3092
			3308	4700			
SfcI	C!TRYAG	5	635	1485	2214	4341	4532
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2654				
SfuI	TT!CGAA	2	628	3561			
SgrAI	CR!CCGGYG	2	827	1411			
SinI	G!GWCC	3	1474	3395	3840		
SmaI	CCC!GGG	1	659				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	1256	4483			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	937	2449	2521	3284	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	1787	2340			
SstI	GAGCT!C	1	621				
SstII	CCGC!GG	2	653	769			
SstIII	!ACGT	19	122	134	175	258	339
			444	719	947	1076	1259
			1289	1938	1950	1993	2103
			2994	3181	3962	4095	
StuI	AGG!CCT	1	2700				
StyI	C!CWGGG	6	361	1399	2608	2701	3311
			3716				
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	17	615	628	641	972	1014
			1387	2028	2719	2992	3148
			3172	3208	3370	3561	3606
			3861	4699			
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	1328	1899	2916	3584	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3828				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	1	1238				
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2783	3375		
TfiI	G!AWTC	6	1090	3364	3498	3608	3645
			4823				
ThaI	CG!CG	21	61	652	768	999	1038
			1323	1353	1528	1803	2179
			2199	2223	2254	2945	3246
			3684	3768	3831	3900	4173
			4754				
Tsp45I	!GTSAC	7	859	1006	1309	1478	2168
			2999	3305			
TspEI	!AATT	13	19	630	985	1102	1629
			1693	1771	1797	1808	2455
			2527	2619	4037		
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2997				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	1	4206				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3314	4174	4213		
TthHB8I	T!CGA	17	615	628	641	972	1014
			1387	2028	2719	2992	3148

			3172	3208	3370	3561	3606
			3861	4699			
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	1081				
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	1533				
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	3154				
XcyI	C!CCGGG	1	657				
XhoI	C!TCGAG	2	614	1386			
XhoII	R!GATCY	13	586	610	661	711	1170
			1382	3050	3296	3688	4047
			4059	4145	4156		
XmaI	C!CCGGG	1	657				
XmaIII	C!GGCCG	2	1523	2785			
XmnI	GAANN!NNTTC	1	917				
XorII	CGAT!CG	0					