

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	3	1946	2427	3884		
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	3	1375	1411	2578		
AccII	CG!CG	19	61	782	1371	1540	1933
			2712	2987	3363	3383	3407
			3438	4129	4430	4868	4952
			5015	5084	5357	5938	
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	31	371	404	529	1270	1371
			1603	1971	2146	2458	2500
			2706	3323	3350	3438	3548
			4129	4193	4294	4297	4577
			4632	4730	4868	5015	5155
			5398	5643	5764	5783	5910
			5938				
AciI	C!CGC	38	59	87	99	113	280
			508	590	880	1718	1931
			2311	2449	2551	2710	3378
			3381	3395	3485	3733	3745
			3754	3766	3776	3787	3833
			3972	4035	4537	4582	4648
			4674	4799	4802	4950	5082
			5389	5533	6029		
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	2575
			4063	4765	4844		
AfaI	GT!AC	15	220	245	300	333	384
			541	677	1098	1233	1347
			1680	2043	2193	2445	4369
AflI	G!GWCC	5	863	1058	1901	4579	5024
AflII	C!TTAAG	1	2945				
AflIII	A!CRYGT	1	5981				
AgeI	A!CCGGT	1	1979				
AhaI	CC!SGG	5	2572	4067	4227	4840	5604
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	2575
			4063	4765	4844		
AhaIII	TTT!AAA	5	698	705	2765	5207	5226
AluI	AG!CT	27	567	619	625	851	942
			954	1139	1160	1363	1505
			1685	1737	2012	2039	2185
			2492	2842	3009	3266	3561
			3849	4169	4627	5424	5681
			5727	5817			
Alw44I	G!TGCAC	2	2078	5667			
AlwI	GGATCNNNN!	10	1543	1613	1981	3931	4242
			4488	4880	5239	5337	5423
AlwI	!NNNNNGATCC	9	581	1386	1551	1968	2533
			4307	4851	5238	5335	
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	2665	5164	5572		
AocI	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175		
AocII	GDGCH!C	20	621	819	910	1087	1162
			1249	1507	1590	2055	2082
			2115	2692	3254	4009	4102
			4176	4366	4428	5138	5671
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	4165				

AosII	GR!CGYC	8	123 4063	176 4765	259 4844	445	2575
ApaI	GGGCC!C	0					
ApaLI	G!TGCAC	2	2078	5667			
ApoI	R!AATY	4	630	2877	2981	2992	
ApyI	CC!WGG	21	91 1675 2334 4450 5956	284 1962 2463 5029	933 2175 3599 5132	1000 2223 3654 5822	1407 2319 3671 5835
AquI	C!YCGRG	1	614				
AscI	GG!CGCGCC	1	780				
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	1706				
Asp718I	G!GTACC	0					
AspHI	GWGCW!C	9	621 2082	910 4176	1162 4366	1249 5671	1507
AspI	GACN!NNGTC	3	861	1182	4181		
AsuI	G!GNCC	18	84 1169 2483 5070	277 1578 2504 5128	863 1901 3170 5161	1058 2148 4579	1103 2391 5024
AsuII	TT!CGAA	2	628	4745			
AvaI	C!YCGRG	1	614				
AvaII	G!GWCC	5	863	1058	1901	4579	5024
AvaIII	ATGCA!T	3	3635	3707	6038		
AviII	TGC!GCA	1	4165				
AvrI	!CYCGRG	1	613				
AvrII	C!CTAGG	2	3885	4900			
AxyI	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175		
BalI	TGG!CCA	2	2658	4145			
BamHI	G!GATCC	1	1973				
BanI	G!GYRCC	7	466 4062	814 4097	2052	2112	3216
BanII	GRGCY!C	7	621 4428	1162 5138	1507	1590	3254
BanIII	AT!CGAT	1	3903				
BbeI	GGCGC!C	1	4066				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123 4063	176 4765	259 4844	445	2575
BbrPI	CAC!GTG	1	1046				
BbsI	!GTCTTC	2	1313	1514			
BbsI	!GAAGAC	3	2291	2524	2592		
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	12	649 2651 5152	698 2851 5652	1939 4136	1951 4178	2209 4699
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	11	990 4010 5562	1620 4194	1853 4287	2328 5353	3345 5559
BbvII	GAAGACNN!	3	2299	2532	2600		
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	2	1307	1508			
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	8	1265 2471	1663 4489	2210 4976	2354	2405
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1809	3205	4023	5482	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0					
BclI	T!GATCA	0					
BcnI	CC!SGG	5	2572	4067	4227	4840	5604

BfaI	C!TAG	10	593	1738	2677	2718	2912
			3330	3886	4901	5235	5488
BfrI	C!TTAAG	1	2945				
BglI	GCCNNNN!NGGC	5	91	213	284	2467	3838
BglII	A!GATCT	1	610				
BinI	!NNNNNGATCC	9	581	1386	1551	1968	2533
			4307	4851	5238	5335	
BinI	GGATCNNNN!	10	1543	1613	1981	3931	4242
			4488	4880	5239	5337	5423
BlnI	C!CTAGG	2	3885	4900			
BmyI	GDGCH!C	20	621	819	910	1087	1162
			1249	1507	1590	2055	2082
			2115	2692	3254	4009	4102
			4176	4366	4428	5138	5671
BpmI	!CTCCAG	3	1880	2330	4860		
BpmI	!CTGGAG	4	832	882	1961	4881	
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	4	341	1046	3179	4367	
BsaBI	GATNN!NNATC	3	1215	2725	3922		
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	2575
			4063	4765	4844		
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	2619	5052			
BsaJI	C!CNNGG	27	361	758	841	932	1432
			1474	1674	1947	1990	2086
			2221	2222	2317	3597	3669
			3792	3827	3836	3885	4226
			4495	4900	5027	5028	5130
			5131	5821			
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	1	779				
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	0					
BsiEI	CGRY!CG	4	1984	2710	3972	5647	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	29	50	824	825	886	932
			1100	1406	1942	2109	2222
			2388	2454	3075	3401	3793
			4044	4588	4869	4901	4902
			5033	5068	5118	5119	5150
			5503	5782	5948	5966	
BslI	CCNNNNN!NNGG	29	50	824	825	886	932
			1100	1406	1942	2109	2222
			2388	2454	3075	3401	3793
			4044	4588	4869	4901	4902
			5033	5068	5118	5119	5150
			5503	5782	5948	5966	
BsmAI	!GTCTC	3	429	1480	1666		
BsmAI	!GAGAC	5	2624	3492	3910	4929	5057
BsmI	GAATGCN!	2	1856	2814			
BsmI	G!CATTC	1	2907				
Bsp1286I	GDGCH!C	20	621	819	910	1087	1162
			1249	1507	1590	2055	2082
			2115	2692	3254	4009	4102
			4176	4366	4428	5138	5671
BspDI	AT!CGAT	1	3903				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	3489	5261			
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	1389	4331	4781		

BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	3950					
BspMII	T!CCGGA	0						
BspWI	GCNNNNN!NNGC	37	91	213	245	284	377	
			401	905	1205	1585	1820	
			1924	1936	1939	2036	2467	
			3290	3320	3347	3389	3391	
			3630	3702	3753	3832	3838	
			4054	4138	4161	4300	4306	
			4423	4506	4773	4960	5164	
			5363	5935				
BsrFI	R!CCGGY	6	784	1979	3280	4382	4563	
			4846					
BsrI	ACTGGN!	8	837	1580	1697	1755	2602	
			4007	4208	5454			
BsrI	C!CAGT	6	296	1340	3092	3770	5566	
			5579					
BssHII	G!CGCGC	1	780					
Bst1107I	GTA!TAC	0						
BstBI	TT!CGAA	2	628	4745				
BstEII	G!GTNACC	0						
BstI	G!GATCC	1	1973					
BstNI	CC!WGG	21	91	284	933	1000	1407	
			1675	1962	2175	2223	2319	
			2334	2463	3599	3654	3671	
			4450	5029	5132	5822	5835	
			5956					
BstPI	G!GTNACC	0						
BstUI	CG!CG	19	61	782	1371	1540	1933	
			2712	2987	3363	3383	3407	
			3438	4129	4430	4868	4952	
			5015	5084	5357	5938		
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0						
BstYI	R!GATCY	13	586	610	1391	1605	1973	
			2538	4234	4480	4872	5231	
			5243	5329	5340			
Bsu36I	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175			
CbiI	TT!CGAA	2	628	4745				
CcrI	C!TCGAG	1	614					
CelII	GC!TNAGC	0						
CfoI	GCG!C	27	598	782	784	1051	1371	
			1767	1935	3329	3337	3363	
			3385	3394	3407	3438	4057	
			4065	4129	4166	4432	4692	
			4868	4954	5357	5466	5640	
			5740	5807				
Cfr10I	R!CCGGY	6	784	1979	3280	4382	4563	
			4846					
Cfr13I	G!GNCC	18	84	277	863	1058	1103	
			1169	1578	1901	2148	2391	
			2483	2504	3170	4579	5024	
			5070	5128	5161			
Cfr9I	C!CCGGG	0						
CfrI	Y!GGCCR	6	2656	2707	3969	4143	4534	
			4561					
ClaI	AT!CGAT	1	3903					
CpoI	CG!GWCCG	1	4579					
Csp45I	TT!CGAA	2	628	4745				
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	124	43	85	94	278	567	

			619	625	724	754	788
			851	870	899	942	954
			1003	1104	1139	1160	1170
			1273	1326	1363	1505	1579
			1588	1633	1650	1685	1737
			1791	1823	1886	1893	1923
			1930	1946	1952	2012	2039
			2102	2149	2178	2185	2263
			2329	2341	2392	2419	2427
			2461	2484	2492	2506	2616
			2652	2658	2709	2732	2842
			3009	3029	3171	3252	3266
			3280	3561	3602	3674	3797
			3826	3832	3841	3849	3872
			3884	3890	3971	3988	3996
			4023	4048	4132	4141	4145
			4169	4207	4283	4300	4319
			4382	4426	4436	4453	4536
			4563	4567	4604	4627	4643
			4823	4850	4911	5033	5072
			5129	5136	5143	5162	5173
			5424	5453	5496	5507	5572
			5651	5676	5681	5727	5817
			5915	5941	5959	5970	
CvnI	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175		
DdeI	C!TNAG	13	607	718	1278	1584	1999
			2257	2554	3543	3845	4726
			5175	5298	5707		
DpnI	GA!TC	28	588	612	1068	1393	1537
			1558	1607	1975	2364	2514
			2540	2722	3902	3906	3925
			4236	4314	4395	4404	4482
			4858	4874	5233	5245	5323
			5331	5342	5417		
DpnII	!GATC	28	586	610	1066	1391	1535
			1556	1605	1973	2362	2512
			2538	2720	3900	3904	3923
			4234	4312	4393	4402	4480
			4856	4872	5231	5243	5321
			5329	5340	5415		
DraI	TTT!AAA	5	698	705	2765	5207	5226
DraII	RG!GNCCY	2	1058	5161			
DraIII	CACNNN!GTG	2	2648	3179			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	3134	4090	5879		
DsaI	C!CRYGG	5	361	1432	1990	3792	4495
DsaV	!CCNGG	26	89	282	931	998	1405
			1673	1960	2173	2221	2317
			2332	2461	2570	3597	3652
			3669	4065	4225	4448	4838
			5027	5130	5602	5820	5833
			5954				
EaeI	Y!GGCCR	6	2656	2707	3969	4143	4534
			4561				
EagI	C!GGCCG	2	2707	3969			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	3	908	1301	1505		
EarI	!GAAGAG	7	1130	1151	1241	2006	3534
			4411	4621			
Ecl136II	GAG!CTC	3	619	1160	1505		

EclXI	C!GGCCG	2	2707	3969				
Eco105I	TAC!GTA	1	341					
Eco31I	GGTCTCN!	0						
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	2619	5052				
Eco47I	G!GWCC	5	863	1058	1901	4579	5024	
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	2	2707	3969				
Eco57I	!CTGAAG	4	1202	2486	4187	4619		
Eco57I	!CTTCAG	3	748	1061	5453			
Eco81I	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	2	1058	5161				
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	1	630					
EcoRII	!CCWGG	21	89	282	931	998	1405	
			1673	1960	2173	2221	2317	
			2332	2461	3597	3652	3669	
			4448	5027	5130	5820	5833	
			5954					
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWGGG	9	361	758	841	1474	1990	
			3792	3885	4495	4900		
EcoT22I	ATGCA!T	3	3635	3707	6038			
EcoT38I	GRGCY!C	7	621	1162	1507	1590	3254	
			4428	5138				
EheI	GGC!GCC	1	4064					
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	0						
FbaI	T!GATCA	0						
FinI	!GTCCC	5	1428	3593	3665	3729	5024	
FinI	!GGGAC	7	161	312	480	935	4199	
			4731	4840				
Fnu4HI	GC!NGC	45	638	687	1004	1271	1634	
			1718	1867	1928	1931	1940	
			2147	2198	2342	2459	2640	
			2707	2710	2840	3359	3381	
			3395	3833	3972	4024	4035	
			4125	4130	4167	4208	4295	
			4298	4301	4537	4633	4674	
			4688	4802	5141	5156	5367	
			5573	5576	5641	5784	5939	
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	4	3930	4387	4412	4866		
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	7	1284	1323	2069	2157	2214	
			2369	3736				
FspI	TGC!GCA	1	4165					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	2701	3963	4528	4555		
GdiII	CGGCCRN!	2	2713	3975				
GsuI	!CTCCAG	3	1880	2330	4860			
GsuI	!CTGGAG	4	832	882	1961	4881		
HaeI	WGG!CCW	9	1326	1946	2427	2658	3884	
			4145	5507	5959	5970		
HaeII	RGCGC!Y	5	599	3330	3338	4066	5741	
HaeIII	GG!CC	35	85	278	1104	1170	1326	
			1579	1791	1946	1952	2149	
			2392	2427	2461	2484	2506	
			2616	2658	2709	3029	3171	
			3826	3832	3841	3884	3971	
			4145	4536	4563	5072	5129	

			5162	5507	5941	5959	5970
HapII	C!CGG	21	602	785	1792	1980	2572
			3281	3968	4045	4067	4095
			4226	4316	4383	4564	4839
			4847	4939	5413	5603	5629
			5776				
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	4773	4852		
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	2564	3396	5291	5869	
HgiAI	GWGCW!C	9	621	910	1162	1249	1507
			2082	4176	4366	5671	
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	5393				
HhaI	GCG!C	27	598	782	784	1051	1371
			1767	1935	3329	3337	3363
			3385	3394	3407	3438	4057
			4065	4129	4166	4432	4692
			4868	4954	5357	5466	5640
			5740	5807			
HinII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	2575
			4063	4765	4844		
HinPII	G!CGC	27	596	780	782	1049	1369
			1765	1933	3327	3335	3361
			3383	3392	3405	3436	4055
			4063	4127	4164	4430	4690
			4866	4952	5355	5464	5638
			5738	5805			
HincII	GTY!RAC	2	1187	2826			
HindIII	A!AGCTT	2	623	849			
HinfI	G!ANTC	18	411	605	922	948	2128
			2278	2605	2714	3106	3128
			3538	4548	4682	4734	4792
			4829	5611	6007		
HpaI	GTT!AAC	1	2826				
HpaII	C!CGG	21	602	785	1792	1980	2572
			3281	3968	4045	4067	4095
			4226	4316	4383	4564	4839
			4847	4939	5413	5603	5629
			5776				
HphI	GGTGANNNNNNN!	8	377	840	972	1268	1707
			2384	5134	5250		
HphI	!NNNNNNNTCACC	4	1633	2273	3180	4241	
KasI	G!GCGCC	1	4062				
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTCN!	3	915	1308	1512		
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	7	1126	1147	1237	2002	3530
			4407	4617			
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	10	593	1738	2677	2718	2912
			3330	3886	4901	5235	5488
MaeII	A!CGT	21	123	135	176	259	340
			445	1012	1045	1189	1427
			1513	2356	2632	3123	3135
			3178	3288	4179	4366	5147
			5280				
MaeIII	!GTNAC	17	62	149	498	828	984
			1688	1695	2279	2851	3352
			3364	4183	4489	5179	5445
			5561	5624			
MamI	GATNN!NNATC	3	1215	2725	3922		
MboI	!GATC	28	586	610	1066	1391	1535

			1556	1605	1973	2362	2512
			2538	2720	3900	3904	3923
			4234	4312	4393	4402	4480
			4856	4872	5231	5243	5321
			5329	5340	5415		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	14	1143	1164	1254	1561	2019
			2304	2417	2537	2605	3319
			3547	4424	4634	5253	
MboII	!NNNNNNNTCTTC	12	902	1295	1307	1439	1448
			1499	1508	1511	4714	4881
			5081	5324			
McrI	!CGRYCG	4	1980	2706	3968	5643	
MfeI	!CAATTG	1	2812				
MflI	R!GATCY	13	586	610	1391	1605	1973
			2538	4234	4480	4872	5231
			5243	5329	5340		
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	3	1805	2384	3130		
MmeI	!GTYGGA	2	5606	5790			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	22	765	1311	1431	1649	1681
			1721	1957	2161	2340	2355
			2438	2571	2682	2782	2791
			3846	3852	4664	4870	5184
			5554	5878			
MnlI	!NNNNNNNGAGG	31	541	661	804	878	1116
			1147	1257	1312	2041	2080
			2101	2134	2251	2360	2416
			2605	2638	2741	3206	3537
			3815	3821	3858	3861	3873
			3913	3977	4113	4470	4900
			5803				
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	2	2658	4145			
MseI	T!TAA	22	8	697	704	800	1531
			2017	2242	2698	2764	2825
			2946	2967	2978	2990	3001
			3018	3116	3387	5206	5220
			5225	5277			
MspI	C!CGG	21	602	785	1792	1980	2572
			3281	3968	4045	4067	4095
			4226	4316	4383	4564	4839
			4847	4939	5413	5603	5629
			5776				
MstI	TGC!GCA	1	4165				
MstII	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175		
MunI	C!AATTG	1	2813				
MvaI	CC!WGG	21	91	284	933	1000	1407
			1675	1962	2175	2223	2319
			2334	2463	3599	3654	3671
			4450	5029	5132	5822	5835
			5956				
MvnI	CG!CG	19	61	782	1371	1540	1933
			2712	2987	3363	3383	3407
			3438	4129	4430	4868	4952
			5015	5084	5357	5938	
NaeI	GCC!GGC	4	786	3282	4565	4848	
NarI	GG!CGCC	1	4063				
NciI	CC!SGG	5	2572	4067	4227	4840	5604
NcoI	C!CATGG	4	361	1990	3792	4495	

NdeI	CA!TATG	1	235					
NdeII	!GATC	28	586	610	1066	1391	1535	
			1556	1605	1973	2362	2512	
			2538	2720	3900	3904	3923	
			4234	4312	4393	4402	4480	
			4856	4872	5231	5243	5321	
			5329	5340	5415			
NgoMI	G!CCGGC	4	784	3280	4563	4846		
NheI	G!CTAGC	2	592	1737				
NlaIII	CATG!	28	305	365	827	1110	1463	
			1784	1878	1994	2030	2036	
			2048	2126	2192	2272	2483	
			3493	3633	3705	3796	3937	
			4282	4468	4499	4525	4881	
			5265	5985	6036			
NlaIV	GGN!NCC	21	468	816	1059	1651	1975	
			2054	2114	2505	3218	3239	
			3251	3442	3603	3675	4064	
			4099	4947	5026	5071	5914	
			5953					
NotI	GC!GGCCGC	1	2707					
NruI	TCG!CGA	0						
NsiI	ATGCA!T	3	3635	3707	6038			
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	2030	3633	3705	4468	5985	
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	4745				
NspBII	CMG!CKG	7	882	942	2451	3561	4169	
			5398	5643				
NspII	GDGCH!C	20	621	819	910	1087	1162	
			1249	1507	1590	2055	2082	
			2115	2692	3254	4009	4102	
			4176	4366	4428	5138	5671	
NspIII	C!YCGRG	1	614					
NspIV	G!GNCC	18	84	277	863	1058	1103	
			1169	1578	1901	2148	2391	
			2483	2504	3170	4579	5024	
			5070	5128	5161			
NunII	GG!CGCC	1	4063					
PacI	TTAAT!TAA	0						
Paer71	C!TCGAG	1	614					
PaiI	GG!CC	35	85	278	1104	1170	1326	
			1579	1791	1946	1952	2149	
			2392	2427	2461	2484	2506	
			2616	2658	2709	3029	3171	
			3826	3832	3841	3884	3971	
			4145	4536	4563	5072	5129	
5162	5507	5941	5959	5970				
PflMI	CCANNNN!NTGG	0						
PleI	GAGTCNNNN!	4	956	2286	3114	3546		
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	599	2708	3122	4728	
			5605					
PmaCI	CAC!GTG	1	1046					
PmeI	GTTT!AAAC	0						
PmlI	CAC!GTG	1	1046					
PpuMI	RG!GWCCY	1	1058					
PshAI	GACNN!NNGTC	1	2631					
PstI	CTGCA!G	0						
PvuI	CGAT!CG	0						
PvuII	CAG!CTG	3	942	3561	4169			
RmaI	C!TAG	10	593	1738	2677	2718	2912	

			3330	3886	4901	5235	5488
RsaI	GT!AC	15	220	245	300	333	384
			541	677	1098	1233	1347
			1680	2043	2193	2445	4369
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	4579				
SacI	GAGCT!C	3	621	1162	1507		
SacII	CCGC!GG	0					
SalI	G!TCGAC	0					
Sau3AI	!GATC	28	586	610	1066	1391	1535
			1556	1605	1973	2362	2512
			2538	2720	3900	3904	3923
			4234	4312	4393	4402	4480
			4856	4872	5231	5243	5321
			5329	5340	5415		
Sau96I	G!GNCC	18	84	277	863	1058	1103
			1169	1578	1901	2148	2391
			2483	2504	3170	4579	5024
			5070	5128	5161		
SauI	CC!TNAGG	3	2257	3543	5175		
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	26	91	284	933	1000	1407
			1675	1962	2175	2223	2319
			2334	2463	2572	3599	3654
			3671	4067	4227	4450	4840
			5029	5132	5604	5822	5835
			5956				
SduI	GDGCH!C	20	621	819	910	1087	1162
			1249	1507	1590	2055	2082
			2115	2692	3254	4009	4102
			4176	4366	4428	5138	5671
SecI	C!CNNGG	27	361	758	841	932	1432
			1474	1674	1947	1990	2086
			2221	2222	2317	3597	3669
			3792	3827	3836	3885	4226
			4495	4900	5027	5028	5130
			5131	5821			
SexI	!CTCGAG	1	613				
SfaNI	GCATCNNNNN!	8	1306	2236	2879	3642	3714
			4362	4426	4701		
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	9	358	1186	2389	2428	2557
			4021	4276	4492	5884	
SfcI	C!TRYAG	4	1760	3398	5525	5716	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	3838				
SfuI	TT!CGAA	2	628	4745			
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	5	863	1058	1901	4579	5024
SmaI	CCC!GGG	0					
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	2078	5667			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	3	3633	3705	4468		
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	2971	3524			
SstI	GAGCT!C	3	621	1162	1507		
SstII	CCGC!GG	0					

SstIII	!ACGT	21	122 444 1512 3177 5279	134 1011 2355 3287	175 1044 2631 4178	258 1188 3122 4365	339 1426 3134 5146
StuI	AGG!CCT	3	1946	2427	3884		
StyI	C!CWWGG	9	361 3792	758 3885	841 4495	1474 4900	1990
StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	18	615 2167 4332 4790	628 2635 4356 5045	1318 3212 4392 5883	1828 3903 4554	2140 4176 4745
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	3	3083	4100	4768		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	5012				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	2	2130	2235			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	4	173	816	3967	4559	
TfiI	G!AWTC	8	922 4792	2128 4829	2605 6007	4548	4682
ThaI	CG!CG	19	61 2712 3438 5015	782 2987 4129 5084	1371 3363 4430 5357	1540 3383 4868 5938	1933 3407 4952
Tsp45I	!GTSAC	6	828 4489	1695	2279	3352	4183
TspEI	!AATT	14	19 2813 3639	630 2877 3711	1706 2955 3803	1721 2981 5221	2699 2992
Tth111I	GACN!NNGTC	3	861	1182	4181		
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	3	696	1746	5390		
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	4498	5358	5397		
TthHB8I	T!CGA	18	615 2167 4332 4790	628 2635 4356 5045	1318 3212 4392 5883	1828 3903 4554	2140 4176 4745
Van91I	CCANNNN!NTGG	0					
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	2717				
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	4338				
XcyI	C!CCGGG	0					
XhoI	C!TCGAG	1	614				
XhoII	R!GATCY	13	586 2538 5243	610 4234 5329	1391 4480 5340	1605 4872	1973 5231
XmaI	C!CCGGG	0					
XmaIII	C!GGCCG	2	2707	3969			
XmnI	GAANN!NNTTC	1	1706				
XorII	CGAT!CG	0					