

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	3	1049	2501	3885		
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	3	1200	1545	1953		
AccII	CG!CG	15	61	2952	2988	3364	3384
			3408	3439	4130	4431	4869
			4953	5016	5085	5358	5939
AccIII	T!CCGGA	1	1325				
AciI	G!CGG	26	371	404	529	768	1080
			1122	3324	3351	3439	3549
			4130	4194	4295	4298	4578
			4633	4731	4869	5016	5156
			5399	5644	5765	5784	5911
			5939				
AciI	C!CGC	37	59	87	99	113	280
			508	590	933	1071	1173
			1591	2026	2131	3379	3382
			3396	3486	3734	3746	3755
			3767	3777	3788	3834	3973
			4036	4538	4583	4649	4675
			4800	4803	4951	5083	5390
			5534	6030			
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			4064	4766	4845		
AfaI	GT!AC	13	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	2297
			2454	2564	4370		
AflI	G!GWCC	4	1699	2515	4580	5025	
AflII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	2	2950	5982			
AgeI	A!CCGGT	2	601	1730			
AhaI	CC!SGG	7	1194	1531	1532	4068	4228
			4841	5605			
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			4064	4766	4845		
AhaIII	TTT!AAA	3	2766	5208	5227		
AluI	AG!CT	25	567	634	661	807	1114
			1408	1597	1615	1714	1761
			1840	1880	2197	2462	2843
			3010	3267	3562	3850	4170
			4628	5425	5682	5728	5818
Alw44I	G!TGCAC	3	700	1726	5668		
AlwI	GGATCNNNN!	9	2707	2716	3932	4243	4489
			4881	5240	5338	5424	
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	1155	2694	4308	4852
			5239	5336			
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1287	5165	5573		
AocI	CC!TNAGG	3	879	3544	5176		
AocII	GDGCH!C	22	677	704	737	1314	1410
			1530	1662	1730	1893	1932
			2083	2124	2384	2509	3255
			4010	4103	4177	4367	4429
			5139	5672			
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	4166				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197

			4064	4766	4845		
ApaI	GGGCC!C	0					
ApaLI	G!TGCAC	3	700	1726	5668		
ApoI	R!AATTY	5	1704	2102	2878	2982	2993
ApyI	CC!WGG	25	91	284	797	845	941
			956	1085	1373	1418	1868
			1925	2117	2433	2444	2503
			2513	3600	3655	3672	4451
			5030	5133	5823	5836	5957
AquI	C!YCGRG	3	1338	1530	1653		
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	1777				
Asp718I	G!GTACC	0					
AspHI	GWGCW!C	7	704	1410	1730	1932	4177
			4367	5672			
AspI	GACN!NNGTC	1	4182				
AsuI	G!GNCC	15	84	277	770	1013	1105
			1126	1699	2515	2602	3171
			4580	5025	5071	5129	5162
AsuII	TT!CGAA	1	4746				
AvaI	C!YCGRG	3	1338	1530	1653		
AvaII	G!GWCC	4	1699	2515	4580	5025	
AvaIII	ATGCA!T	3	3636	3708	6039		
AviII	TGC!GCA	1	4166				
AvrI	!CYCGRG	3	1337	1529	1652		
AvrII	C!CTAGG	2	3886	4901			
AxyI	CC!TNAGG	3	879	3544	5176		
BalI	TGG!CCA	6	1280	1371	1443	2150	2447
			4146				
BamHI	G!GATCC	1	2699				
BanI	G!GYRCC	10	466	674	734	1583	2119
			2379	2428	3217	4063	4098
BanII	GRGCY!C	7	1410	1893	2083	2509	3255
			4429	5139			
BanIII	AT!CGAT	1	3904				
BbeI	GGCGC!C	1	4067				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			4064	4766	4845		
BbrPI	CAC!GTG	1	1525				
BbsI	!GTCTTC	1	1733				
BbsI	!GAAGAC	3	913	1146	1214		
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	10	831	1273	1624	2370	2852
			4137	4179	4700	5153	5653
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	12	950	1624	2273	2317	2605
			3346	4011	4195	4288	5354
			5560	5563			
BbvII	GAAGACNN!	3	921	1154	1222		
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	1	1727				
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	832	976	1027	1093	1441
			4490	4977			
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	3206	4024	5483		
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!GCANNNNNNTGC	0					
BclI	T!GATCA	1	2721				
BcnI	CC!SGG	7	1194	1531	1532	4068	4228
			4841	5605			
BfaI	C!TAG	9	593	1299	2712	2913	3331

			3887	4902	5236	5489	
BfrI	C!TTAAG	0					
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	1089	2388
			3839				
BglII	A!GATCT	1	1334				
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	1155	2694	4308	4852
			5239	5336			
BinI	GGATCNNNN!	9	2707	2716	3932	4243	4489
			4881	5240	5338	5424	
BlnI	C!CTAGG	2	3886	4901			
BmyI	GDGCH!C	22	677	704	737	1314	1410
			1530	1662	1730	1893	1932
			2083	2124	2384	2509	3255
			4010	4103	4177	4367	4429
			5139	5672			
BpmI	!CTCCAG	2	952	4861			
BpmI	!CTGGAG	3	1840	1924	4882		
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	2474				
BsaAI	YAC!GTR	5	341	1525	2566	3180	4368
BsaBI	GATNN!NNATC	2	2726	3923			
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			4064	4766	4845		
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	1241	2433	5053		
BsaJI	C!CNNGG	29	361	612	708	843	844
			939	1529	1530	1654	1866
			1923	2266	2299	2448	2502
			3598	3670	3793	3828	3837
			3886	4227	4496	4901	5028
			5029	5131	5132	5822	
BseAI	T!CCGGA	1	1325				
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	0					
BsiEI	CGRY!CG	3	606	3973	5648		
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	28	50	731	844	1010	1076
			1696	1801	2267	2371	2449
			2629	3076	3402	3794	4045
			4589	4870	4902	4903	5034
			5069	5119	5120	5151	5504
			5783	5949	5967		
BslI	CCNNNNN!NNGG	28	50	731	844	1010	1076
			1696	1801	2267	2371	2449
			2629	3076	3402	3794	4045
			4589	4870	4902	4903	5034
			5069	5119	5120	5151	5504
			5783	5949	5967		
BsmAI	!GTCTC	2	429	1808			
BsmAI	!GAGAC	7	1246	1504	2438	3493	3911
			4930	5058			
BsmI	GAATGCN!	1	2815				
BsmI	G!CATTC	1	2908				
Bsp1286I	GDGCH!C	22	677	704	737	1314	1410
			1530	1662	1730	1893	1932
			2083	2124	2384	2509	3255
			4010	4103	4177	4367	4429
			5139	5672			
BspDI	AT!CGAT	1	3904				

BspEI	T!CCGGA	1	1325					
BspHI	T!CATGA	2	3490	5262				
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	4332	4782				
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	3951					
BspMII	T!CCGGA	1	1325					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	39	91	213	245	284	377	
			401	658	1089	1398	1590	
			2034	2156	2180	2336	2388	
			2475	2546	3291	3321	3348	
			3390	3392	3631	3703	3754	
			3833	3839	4055	4139	4162	
			4301	4307	4424	4507	4774	
			4961	5165	5364	5936		
BsrFI	R!CCGGY	6	601	1730	3281	4383	4564	
			4847					
BsrI	ACTGGN!	9	1224	1311	1585	1780	2392	
			2564	4008	4209	5455		
BsrI	C!CAGT	7	296	1723	2365	3093	3771	
			5567	5580				
BssHII	G!CGCGC	0						
Bst1107I	GTA!TAC	0						
BstBI	TT!CGAA	1	4746					
BstEII	G!GTNACC	0						
BstI	G!GATCC	1	2699					
BstNI	CC!WGG	25	91	284	797	845	941	
			956	1085	1373	1418	1868	
			1925	2117	2433	2444	2503	
			2513	3600	3655	3672	4451	
			5030	5133	5823	5836	5957	
BstPI	G!GTNACC	0						
BstUI	CG!CG	15	61	2952	2988	3364	3384	
			3408	3439	4130	4431	4869	
			4953	5016	5085	5358	5939	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	3	1439	1763	2245			
BstYI	R!GATCY	12	586	1160	1334	2699	2708	
			4235	4481	4873	5232	5244	
			5330	5341				
Bsu36I	CC!TNAGG	3	879	3544	5176			
CbiI	TT!CGAA	1	4746					
CcrI	C!TCGAG	1	1338					
CelII	GC!TNAGC	1	2474					
CfoI	GCG!C	24	598	1514	2004	2358	3330	
			3338	3364	3386	3395	3408	
			3439	4058	4066	4130	4167	
			4433	4693	4869	4955	5358	
			5467	5641	5741	5808		
Cfr10I	R!CCGGY	6	601	1730	3281	4383	4564	
			4847					
Cfr13I	G!GNCC	15	84	277	770	1013	1105	
			1126	1699	2515	2602	3171	
			4580	5025	5071	5129	5162	
Cfr9I	C!CCGGG	1	1530					
CfrI	Y!GGCCR	9	1278	1369	1441	2148	2445	
			3970	4144	4535	4562		
ClaI	AT!CGAT	1	3904					
CpoI	CG!GWCCG	1	4580					
Csp45I	TT!CGAA	1	4746					
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	123	43	85	94	278	567	

			634	661	724	771	800
			807	885	951	963	1014
			1041	1049	1083	1106	1114
			1128	1238	1274	1280	1371
			1376	1408	1435	1443	1535
			1597	1615	1714	1718	1743
			1761	1840	1880	1891	1964
			2037	2081	2150	2183	2197
			2233	2237	2282	2391	2416
			2447	2462	2489	2501	2507
			2603	2618	2733	2843	3010
			3030	3172	3253	3267	3281
			3562	3603	3675	3798	3827
			3833	3842	3850	3873	3885
			3891	3972	3989	3997	4024
			4049	4133	4142	4146	4170
			4208	4284	4301	4320	4383
			4427	4437	4454	4537	4564
			4568	4605	4628	4644	4824
			4851	4912	5034	5073	5130
			5137	5144	5163	5174	5425
			5454	5497	5508	5573	5652
			5677	5682	5728	5818	5916
			5942	5960	5971		
CvnI	CC!TNAGG	3	879	3544	5176		
DdeI	C!TNAG	17	621	879	1176	1331	1608
			1813	2066	2175	2474	2496
			2695	3544	3846	4727	5176
			5299	5708			
DpnI	GA!TC	26	588	986	1136	1162	1336
			1682	2213	2701	2710	2723
			3903	3907	3926	4237	4315
			4396	4405	4483	4859	4875
			5234	5246	5324	5332	5343
			5418				
DpnII	!GATC	26	586	984	1134	1160	1334
			1680	2211	2699	2708	2721
			3901	3905	3924	4235	4313
			4394	4403	4481	4857	4873
			5232	5244	5322	5330	5341
			5416				
DraI	TTT!AAA	3	2766	5208	5227		
DraII	RG!GNCCY	1	5162				
DraIII	CACNNN!GTG	2	1270	3180			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	3135	4091	5880		
DsaI	C!CRYGG	6	361	612	2266	2299	3793
			4496				
DsaV	!CCNGG	32	89	282	795	843	939
			954	1083	1192	1371	1416
			1529	1530	1866	1923	2115
			2431	2442	2501	2511	3598
			3653	3670	4066	4226	4449
			4839	5028	5131	5603	5821
			5834	5955			
EaeI	Y!GGCCR	9	1278	1369	1441	2148	2445
			3970	4144	4535	4562	
EagI	C!GGCCG	1	3970				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	1	1597				

EarI	!GAAGAG	4	628	3535	4412	4622		
Ecl136II	GAG!CTC	1	1408					
EclXI	C!GGCCG	1	3970					
Eco105I	TAC!GTA	1	341					
Eco31I	GGTCTCN!	0						
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	1241	2433	5053			
Eco47I	G!GWCC	4	1699	2515	4580	5025		
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	1	3970					
Eco57I	!CTGAAG	3	1108	4188	4620			
Eco57I	!CTTCAG	3	1497	1735	5454			
Eco81I	CC!TNAGG	3	879	3544	5176			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	2	2447	2627				
EcoO109I	RG!GNCCY	1	5162					
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	2	1704	2102				
EcoRII	!CCWGG	25	89	282	795	843	939	
			954	1083	1371	1416	1866	
			1923	2115	2431	2442	2501	
			2511	3598	3653	3670	4449	
			5028	5131	5821	5834	5955	
EcoRV	GAT!ATC	1	1996					
EcoT14I	C!CWWGG	8	361	612	2266	2448	3793	
			3886	4496	4901			
EcoT22I	ATGCA!T	3	3636	3708	6039			
EcoT38I	GRGCY!C	7	1410	1893	2083	2509	3255	
			4429	5139				
EheI	GGC!GCC	1	4065					
Esp3I	CGTCTCN!	1	1814					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	1	1499					
EspI	GC!TNAGC	1	2474					
FbaI	T!GATCA	1	2721					
FinI	!GTCCC	4	3594	3666	3730	5025		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	4200	4732	
			4841					
Fnu4HI	GC!NGC	39	769	820	964	1081	1262	
			1613	1638	2287	2331	2359	
			2619	2841	3360	3382	3396	
			3834	3973	4025	4036	4126	
			4131	4168	4209	4296	4299	
			4302	4538	4634	4675	4689	
			4803	5142	5157	5368	5574	
			5577	5642	5785	5940		
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	5	2590	3931	4388	4413	4867	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	10	691	779	836	991	1346	
			1415	1889	2120	2348	3737	
FspI	TGC!GCA	1	4166					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	3	3964	4529	4556			
GdiIII	CGGCCRN!	1	3976					
GsuI	!CTCCAG	2	952	4861				
GsuI	!CTGGAG	3	1840	1924	4882			
HaeI	WGG!CCW	13	1049	1280	1371	1443	1964	
			2150	2447	2501	3885	4146	
			5508	5960	5971			
HaeII	RGCGC!Y	7	599	1515	2005	3331	3339	
			4067	5742				
HaeIII	GG!CC	34	85	278	771	1014	1049	
			1083	1106	1128	1238	1280	
			1371	1443	1964	2150	2447	

			2501	2603	3030	3172	3827
			3833	3842	3885	3972	4146
			4537	4564	5073	5130	5163
			5508	5942	5960	5971	
HapII	C!CGG	22	602	1194	1326	1531	1731
			2706	3282	3969	4046	4068
			4096	4227	4317	4384	4565
			4840	4848	4940	5414	5604
			5630	5777			
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	4774	4853		
HgaI	!NNNNNNNNNGCGTC	4	1186	3397	5292	5870	
HgiAI	GWGCW!C	7	704	1410	1730	1932	4177
			4367	5672			
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	5394				
HhaI	GCG!C	24	598	1514	2004	2358	3330
			3338	3364	3386	3395	3408
			3439	4058	4066	4130	4167
			4433	4693	4869	4955	5358
			5467	5641	5741	5808	
HinII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			4064	4766	4845		
HinPII	G!CGC	24	596	1512	2002	2356	3328
			3336	3362	3384	3393	3406
			3437	4056	4064	4128	4165
			4431	4691	4867	4953	5356
			5465	5639	5739	5806	
HincII	GTY!RAC	2	2092	2827			
HindIII	A!AGCTT	0					
HinfI	G!ANTC	17	411	750	900	1227	1329
			1481	2654	3107	3129	3539
			4549	4683	4735	4793	4830
			5612	6008			
HpaI	GTT!AAC	1	2827				
HpaII	C!CGG	22	602	1194	1326	1531	1731
			2706	3282	3969	4046	4068
			4096	4227	4317	4384	4565
			4840	4848	4940	5414	5604
			5630	5777			
HphI	GGTGANNNNNNNN!	8	377	1006	2260	2315	2582
			2684	5135	5251		
HphI	!NNNNNNNTCACC	6	895	1780	1900	2206	3181
			4242				
KasI	G!GCGCC	1	4063				
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	1	1604				
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	624	3531	4408	4618	
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	9	593	1299	2712	2913	3331
			3887	4902	5236	5489	
MaeII	A!CGT	21	123	135	176	259	340
			445	978	1254	1365	1524
			1807	2307	2565	3124	3136
			3179	3289	4180	4367	5148
			5281				
MaeIII	!GTNAC	16	62	149	498	901	1454
			2255	2303	2852	3353	3365
			4184	4490	5180	5446	5562
			5625				
MamI	GATNN!NNATC	2	2726	3923			

MboI	!GATC	26	586 1680 3901 4394 5232 5416	984 2211 3905 4403 5244	1134 2699 3924 4481 5322	1160 2708 4235 4857 5330	1334 2721 4313 4873 5341
MboII	GAAGANNNNNNNN!	13	641 1643 4425	926 2621 4635	1039 2690 5254	1159 3320	1227 3548
MboII	!NNNNNNNTCTTC	7	1489 5082	1591 5325	1727	4715	4882
McrI	!CGRYCG	3	602	3969	5644		
MfeI	!CAATTG	1	2813				
MflI	R!GATCY	12	586 4235 5330	1160 4481 5341	1334 4873	2699 5232	2708 5244
MluI	A!CGCGT	1	2950				
MmeI	!TCCRAC	2	1006	3131			
MmeI	!GTYGGA	3	1695	5607	5791		
MnlI	CCTCNNNNNNN!	22	783 1304 2154 3847 5555	962 1801 2271 3853 5879	977 1916 2427 4665	1060 2000 2783 4871	1193 2059 2792 5185
MnlI	!NNNNNNNGAGG	36	541 873 1465 2574 2667 3816 3914 5804	663 982 1648 2592 2679 3822 3978	702 1038 1953 2631 2742 3859 4114	723 1227 2490 2634 3207 3862 4471	756 1260 2565 2661 3538 3874 4901
MroI	T!CCGGA	1	1325				
MscI	TGG!CCA	6	1280 4146	1371	1443	2150	2447
MseI	T!TAA	19	8 2765 2991 5207	639 2826 3002 5221	864 2947 3019 5226	1320 2968 3117 5278	2022 2979 3388
MspI	C!CGG	22	602 2706 4096 4840 5630	1194 3282 4227 4848 5777	1326 3969 4317 4940	1531 4046 4384 5414	1731 4068 4565 5604
MstI	TGC!GCA	1	4166				
MstII	CC!TNAGG	3	879	3544	5176		
MunI	C!AATTG	1	2814				
MvaI	CC!WGG	25	91 956 1925 2513 5030	284 1085 2117 3600 5133	797 1373 2433 3655 5823	845 1418 2444 3672 5836	941 1868 2503 4451 5957
MvnI	CG!CG	15	61 3408 4953	2952 3439 5016	2988 4130 5085	3364 4431 5358	3384 4869 5939
NaeI	GCC!GGC	3	3283	4566	4849		
NarI	GG!CGCC	1	4064				
NciI	CC!SGG	7	1194 4841	1531 5605	1532	4068	4228

NcoI	C!CATGG	5	361	612	2266	3793	4496
NdeI	CA!TATG	2	235	2155			
NdeII	!GATC	26	586	984	1134	1160	1334
			1680	2211	2699	2708	2721
			3901	3905	3924	4235	4313
			4394	4403	4481	4857	4873
			5232	5244	5322	5330	5341
			5416				
NgoMI	G!CCGGC	3	3281	4564	4847		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	29	305	365	616	652	658
			670	748	814	894	1105
			1804	1951	2192	2270	2281
			2473	3494	3634	3706	3797
			3938	4283	4469	4500	4526
			4882	5266	5986	6037	
NlaIV	GGN!NCC	25	468	676	736	1127	1554
			1585	2080	2121	2313	2381
			2430	2701	3219	3240	3252
			3443	3604	3676	4065	4100
			4948	5027	5072	5915	5954
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	3636	3708	6039		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	6	652	2473	3634	3706	4469
			5986				
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	4746				
NspBII	CMG!CKG	6	1073	1880	3562	4170	5399
			5644				
NspII	GDGCH!C	22	677	704	737	1314	1410
			1530	1662	1730	1893	1932
			2083	2124	2384	2509	3255
			4010	4103	4177	4367	4429
			5139	5672			
NspIII	C!YCGRG	3	1338	1530	1653		
NspIV	G!GNCC	15	84	277	770	1013	1105
			1126	1699	2515	2602	3171
			4580	5025	5071	5129	5162
NunII	GG!CGCC	1	4064				
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	1338				
PalI	GG!CC	34	85	278	771	1014	1049
			1083	1106	1128	1238	1280
			1371	1443	1964	2150	2447
			2501	2603	3030	3172	3827
			3833	3842	3885	3972	4146
			4537	4564	5073	5130	5163
			5508	5942	5960	5971	
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	2371				
PleI	GAGTCNNNN!	3	908	3115	3547		
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	1323	1475	3123	4729
			5606				
PmaCI	CAC!GTG	1	1525				
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	1	1525				
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	2	1253	1977			
PstI	CTGCA!G	0					
PvuI	CGAT!CG	0					

PvuII	CAG!CTG	3	1880	3562	4170			
RmaI	C!TAG	9	593	1299	2712	2913	3331	
			3887	4902	5236	5489		
RsaI	GT!AC	13	220	245	300	333	384	
			541	665	815	1067	2297	
			2454	2564	4370			
RsrI	G!AATTC	2	1704	2102				
RsrII	CG!GWCCG	1	4580					
SacI	GAGCT!C	1	1410					
SacII	CCGC!GG	0						
SalI	G!TCGAC	0						
Sau3AI	!GATC	26	586	984	1134	1160	1334	
			1680	2211	2699	2708	2721	
			3901	3905	3924	4235	4313	
			4394	4403	4481	4857	4873	
			5232	5244	5322	5330	5341	
			5416					
Sau96I	G!GNCC	15	84	277	770	1013	1105	
			1126	1699	2515	2602	3171	
			4580	5025	5071	5129	5162	
SauI	CC!TNAGG	3	879	3544	5176			
ScaI	AGT!ACT	0						
ScrFI	CC!NGG	32	91	284	797	845	941	
			956	1085	1194	1373	1418	
			1531	1532	1868	1925	2117	
			2433	2444	2503	2513	3600	
			3655	3672	4068	4228	4451	
			4841	5030	5133	5605	5823	
			5836	5957				
SduI	GDGCH!C	22	677	704	737	1314	1410	
			1530	1662	1730	1893	1932	
			2083	2124	2384	2509	3255	
			4010	4103	4177	4367	4429	
			5139	5672				
SecI	C!CNNGG	29	361	612	708	843	844	
			939	1529	1530	1654	1866	
			1923	2266	2299	2448	2502	
			3598	3670	3793	3828	3837	
			3886	4227	4496	4901	5028	
			5029	5131	5132	5822		
SexI	!CTCGAG	1	1337					
SfaNI	GCATCNNNNN!	12	858	1362	1437	2142	2370	
			2412	2880	3643	3715	4363	
			4427	4702				
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	10	358	1011	1050	1179	1437	
			1624	4022	4277	4493	5885	
SfcI	C!TRYAG	5	1881	2202	3399	5526	5717	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	3839					
SfuI	TT!CGAA	1	4746					
SgrAI	CR!CCGGYG	0						
SinI	G!GWCC	4	1699	2515	4580	5025		
SmaI	CCC!GGG	1	1532					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	3	700	1726	5668			
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	4	2473	3634	3706	4469		
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						

Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	2972	3525				
SstI	GAGCT!C	1	1410					
SstII	CCGC!GG	0						
SstIII	!ACGT	21	122	134	175	258	339	
			444	977	1253	1364	1523	
			1806	2306	2564	3123	3135	
			3178	3288	4179	4366	5147	
			5280					
StuI	AGG!CCT	3	1049	2501	3885			
StyI	C!CWWGG	8	361	612	2266	2448	3793	
			3886	4496	4901			
StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	1	2457					
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	17	762	789	1257	1339	1992	
			1998	3213	3904	4177	4333	
			4357	4393	4555	4746	4791	
			5046	5884				
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	4	1716	3084	4101	4769		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	5013					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	3	752	857	1928			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	4	173	2558	3968	4560		
TfiI	G!AWTC	8	750	1227	2654	4549	4683	
			4793	4830	6008			
ThaI	CG!CG	15	61	2952	2988	3364	3384	
			3408	3439	4130	4431	4869	
			4953	5016	5085	5358	5939	
Tsp45I	!GTSAC	7	901	1454	2255	2303	3353	
			4184	4490				
TspEI	!AATT	13	19	1321	1704	2102	2814	
			2878	2956	2982	2993	3640	
			3712	3804	5222			
Tth111I	GACN!NNGTC	1	4182					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	2	1535	5391				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	5	1529	2211	4499	5359	5398	
TthHB8I	T!CGA	17	762	789	1257	1339	1992	
			1998	3213	3904	4177	4333	
			4357	4393	4555	4746	4791	
			5046	5884				
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	2371					
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	2711					
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	1	4339					
XcyI	C!CCGGG	1	1530					
XhoI	C!TCGAG	1	1338					
XhoII	R!GATCY	12	586	1160	1334	2699	2708	
			4235	4481	4873	5232	5244	
			5330	5341				
XmaI	C!CCGGG	1	1530					
XmaIII	C!GGCCG	1	3970					
XmnI	GAANN!NNTTC	1	1777					
XorII	CGAT!CG	0						