

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	2	3490	5713			
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	1719				
AccI	GT!MKAC	2	1200	3331			
AccII	CG!CG	16	61	4007	4780	4816	5192
			5212	5236	5267	5958	6259
			6697	6781	6844	6913	7186
			7767				
AccIII	T!CCGGA	2	1325	2668			
AciI	G!CGG	28	371	404	529	768	1080
			1122	3256	3856	5152	5179
			5267	5377	5958	6022	6123
			6126	6406	6461	6559	6697
			6844	6984	7227	7472	7593
			7612	7739	7767		
AciI	C!CGC	37	59	87	99	113	280
			508	590	933	1071	1173
			3954	4096	4178	5207	5210
			5224	5314	5562	5574	5583
			5595	5605	5616	5662	5801
			5864	6366	6411	6477	6503
			6628	6631	6779	6911	7218
			7362	7858			
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			5892	6594	6673		
AfaI	GT!AC	23	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	1408
			1721	2090	2235	2845	2967
			3061	3370	3549	3726	4190
			4361	4388	6198		
AflI	G!GWCC	7	1210	1828	2893	3510	4093
			6408	6853			
AflII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	3	2702	4778	7810		
AgeI	A!CCGGT	1	601				
AhaI	CC!SGG	8	1194	1427	1428	4129	5896
			6056	6669	7433		
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			5892	6594	6673		
AhaIII	TTT!AAA	4	1770	4594	7036	7055	
AluI	AG!CT	39	567	634	661	807	1114
			1349	2133	2152	2181	2300
			2444	2464	2681	2794	2839
			2889	2926	3074	3391	3470
			3632	3908	4032	4142	4175
			4330	4348	4501	4671	4838
			5095	5390	5678	5998	6456
			7253	7510	7556	7646	
Alw44I	G!TGCAC	4	700	2304	2645	7496	
AlwI	GGATCNNNN!	11	3466	3651	4535	4544	5760
			6071	6317	6709	7068	7166
			7252				
AlwI	!NNNNNGATCC	11	581	1155	1352	1866	2068
			3175	4522	6136	6680	7067
			7164				
AlwNI	CAGNNN!CTG	6	1287	2507	3745	4306	6993

			7401				
AocI	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	
AocII	GDGCH!C	21	677	704	737	1314	2122
			2308	2649	2841	3716	3905
			3988	4197	4332	5083	5838
			5931	6005	6195	6257	6967
			7500				
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	5994				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			5892	6594	6673		
ApaI	GGGCC!C	1	3905				
ApaLI	G!TGCAC	4	700	2304	2645	7496	
ApoI	R!AATTY	11	1667	1713	1771	2063	2586
			2655	2882	4513	4706	4810
			4821				
ApyI	CC!WGG	34	91	284	797	845	941
			956	1085	1637	1832	2216
			2897	3209	3340	3424	3445
			3492	3566	3624	3658	3836
			3899	3981	4091	4322	4489
			5428	5483	5500	6279	6858
			6961	7651	7664	7785	
AquI	C!YCGRG	1	1426				
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	2	8	2006			
AsnI	AT!TAAT	2	8	2006			
Asp700I	GAANN!NNTTC	0					
Asp718I	G!GTACC	1	1719				
AspHI	GWGCW!C	8	704	2308	2649	2841	4332
			6005	6195	7500		
AspI	GACN!NNGTC	3	1599	4109	6010		
AsuI	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1210	1431	1494	1828
			2162	2893	3510	3901	3902
			4093	4297	4351	4491	4999
			6408	6853	6899	6957	6990
AsuII	TT!CGAA	1	6574				
AvaI	C!YCGRG	1	1426				
AvaII	G!GWCC	7	1210	1828	2893	3510	4093
			6408	6853			
AvaIII	ATGCA!T	5	1900	3192	5464	5536	7867
AviII	TGC!GCA	1	5994				
AvrI	!CYCGRG	1	1425				
AvrII	C!CTAGG	2	5714	6729			
AxyI	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	
BalI	TGG!CCA	3	1280	2468	5974		
BamHI	G!GATCC	1	4527				
BanI	G!GYRCC	7	466	674	734	1719	5045
			5891	5926			
BanII	GRGCH!C	7	2841	3905	3988	4332	5083
			6257	6967			
BanIII	AT!CGAT	2	4455	5732			
BbeI	GGCGC!C	1	5895				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			5892	6594	6673		
BbrPI	CAC!GTG	0					
BbsI	!GTCTTC	0					
BbsI	!GAAGAC	3	913	2260	3052		

BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	17	831	1273	1355	1358	1488
			3406	3624	3703	3882	4011
			4390	4680	5965	6007	6528
			6981	7481			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	15	950	1617	2603	2968	3378
			4242	4396	4488	5174	5839
			6023	6116	7182	7388	7391
BbvII	GAAGACNN!	3	921	2268	3060		
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	8	832	976	1027	1093	4098
			4422	6318	6805		
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	4490	5034	5852	7311	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	1	1961				
BclI	T!GATCA	3	2773	4476	4549		
BcnI	CC!SGG	8	1194	1427	1428	4129	5896
			6056	6669	7433		
BfaI	C!TAG	17	593	1299	1676	1850	1928
			1973	2948	2985	3327	4235
			4540	4741	5159	5715	6730
			7064	7317			
BfrI	C!TTAAG	0					
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	1089	3487
			5667				
BglII	A!GATCT	1	1334				
BinI	!NNNNNGATCC	11	581	1155	1352	1866	2068
			3175	4522	6136	6680	7067
			7164				
BinI	GGATCNNNN!	11	3466	3651	4535	4544	5760
			6071	6317	6709	7068	7166
			7252				
BlnI	C!CTAGG	2	5714	6729			
BmyI	GDGCH!C	21	677	704	737	1314	2122
			2308	2649	2841	3716	3905
			3988	4197	4332	5083	5838
			5931	6005	6195	6257	6967
			7500				
BpmI	!CTCCAG	7	952	1685	2081	3107	3861
			3895	6689			
BpmI	!CTGGAG	3	3376	3980	6710		
Bpu1102I	GC!TNAGC	2	2927	4326			
BsaAI	YAC!GTR	4	341	4192	5008	6196	
BsaBI	GATNN!NNATC	3	2226	4554	5751		
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			5892	6594	6673		
BsaI	GGTCTCN!	1	3899				
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1241	6881			
BsaJI	C!CNNGG	37	361	612	708	843	844
			939	1402	1425	1426	1427
			1434	2122	2650	3208	3338
			3444	3506	3603	3623	3898
			3979	4023	4197	5426	5498
			5621	5656	5665	5714	6055
			6324	6729	6856	6857	6959
			6960	7650			
BseAI	T!CCGGA	2	1325	2668			
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	2	1630	2712			

BsiEI	CGRY!CG	3	606	5801	7476		
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	35	50	731	844	1010	1076
			1219	1587	1642	2171	3049
			3209	3312	3507	3519	3980
			3994	3995	4381	4904	5230
			5622	5873	6417	6698	6730
			6731	6862	6897	6947	6948
			6979	7332	7611	7777	7795
BsII	CCNNNNN!NNGG	35	50	731	844	1010	1076
			1219	1587	1642	2171	3049
			3209	3312	3507	3519	3980
			3994	3995	4381	4904	5230
			5622	5873	6417	6698	6730
			6731	6862	6897	6947	6948
			6979	7332	7611	7777	7795
BsmAI	!GTCTC	3	429	2503	3893		
BsmAI	!GAGAC	5	1246	5321	5739	6758	6886
BsmI	GAATGCN!	2	2111	4643			
BsmI	G!CATTC	1	4736				
Bsp1286I	GDGCH!C	21	677	704	737	1314	2122
			2308	2649	2841	3716	3905
			3988	4197	4332	5083	5838
			5931	6005	6195	6257	6967
			7500				
BspDI	AT!CGAT	2	4455	5732			
BspEI	T!CCGGA	2	1325	2668			
BspHI	T!CATGA	3	4365	5318	7090		
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	1731	6160	6610		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	3	1777	3730	5779		
BspMII	T!CCGGA	2	1325	2668			
BspWI	GCNNNNN!NNGC	42	91	213	245	284	377
			401	658	1089	3265	3487
			3745	4008	4017	4177	4261
			4354	4415	4430	4498	4507
			5119	5149	5176	5218	5220
			5459	5531	5582	5661	5667
			5883	5967	5990	6129	6135
			6252	6335	6602	6789	6993
			7192	7764			
BsrFI	R!CCGGY	5	601	5109	6211	6392	6675
BsrI	ACTGGN!	10	1224	1311	1414	1631	2391
			2613	3381	5836	6037	7283
BsrI	C!CAGT	12	296	1744	2084	2819	3513
			4158	4259	4483	4921	5599
			7395	7408			
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	1	6574				
BstEII	G!GTNACC	2	3494	3911			
BstI	G!GATCC	1	4527				
BstNI	CC!WGG	34	91	284	797	845	941
			956	1085	1637	1832	2216
			2897	3209	3340	3424	3445
			3492	3566	3624	3658	3836
			3899	3981	4091	4322	4489
			5428	5483	5500	6279	6858
			6961	7651	7664	7785	
BstPI	G!GTNACC	2	3494	3911			

BstUI	CG!CG	16	61	4007	4780	4816	5192
			5212	5236	5267	5958	6259
			6697	6781	6844	6913	7186
			7767				
BstXI	CCANNNNN!NTGG	3	1491	1695	3572		
BstYI	R!GATCY	15	586	1160	1334	1871	2073
			3180	4527	4536	6063	6309
			6701	7060	7072	7158	7169
Bsu36I	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	
CbiI	TT!CGAA	1	6574				
CcrI	C!TCGAG	0					
CelII	GC!TNAGC	2	2927	4326			
CfoI	GCG!C	23	598	2616	4222	5158	5166
			5192	5214	5223	5236	5267
			5886	5894	5958	5995	6261
			6521	6697	6783	7186	7295
			7469	7569	7636		
Cfr10I	R!CCGGY	5	601	5109	6211	6392	6675
Cfr13I	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1210	1431	1494	1828
			2162	2893	3510	3901	3902
			4093	4297	4351	4491	4999
			6408	6853	6899	6957	6990
Cfr9I	C!CCGGG	1	1426				
CfrI	Y!GGCCR	7	1278	2466	4083	5798	5972
			6363	6390			
ClaI	AT!CGAT	2	4455	5732			
CpoI	CG!GWCCG	1	6408				
Csp45I	TT!CGAA	1	6574				
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	165	43	85	94	278	567
			634	661	724	771	800
			807	885	951	963	1014
			1041	1049	1083	1106	1114
			1128	1238	1274	1280	1349
			1433	1483	1496	1580	1630
			1988	2133	2152	2163	2181
			2300	2314	2360	2399	2422
			2444	2464	2468	2681	2687
			2753	2794	2839	2889	2900
			2926	3036	3074	3107	3202
			3259	3297	3391	3470	3481
			3490	3504	3553	3576	3602
			3632	3694	3814	3859	3903
			3908	3931	3970	3986	4002
			4011	4020	4032	4057	4071
			4085	4132	4142	4171	4175
			4215	4298	4325	4330	4348
			4352	4374	4409	4424	4463
			4482	4492	4501	4510	4561
			4671	4838	4858	5000	5081
			5095	5109	5390	5431	5503
			5626	5655	5661	5670	5678
			5701	5713	5719	5800	5817
			5825	5852	5877	5961	5970
			5974	5998	6036	6112	6129
			6148	6211	6255	6265	6282
			6365	6392	6396	6433	6456
			6472	6652	6679	6740	6862

			6901	6958	6965	6972	6991
			7002	7253	7282	7325	7336
			7401	7480	7505	7510	7556
			7646	7744	7770	7788	7799
CvnI	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	
DdeI	C!TNAG	25	621	879	1176	1331	1598
			1614	1709	1752	2310	2719
			2927	3139	3365	3451	3537
			3672	4223	4326	4497	5372
			5674	6555	7004	7127	7536
DpnI	GA!TC	38	588	986	1136	1162	1336
			1359	1821	1873	2075	2775
			2863	3182	3460	3645	3804
			3948	4052	4458	4478	4529
			4538	4551	5731	5735	5754
			6065	6143	6224	6233	6311
			6687	6703	7062	7074	7152
			7160	7171	7246		
DpnII	!GATC	38	586	984	1134	1160	1334
			1357	1819	1871	2073	2773
			2861	3180	3458	3643	3802
			3946	4050	4456	4476	4527
			4536	4549	5729	5733	5752
			6063	6141	6222	6231	6309
			6685	6701	7060	7072	7150
			7158	7169	7244		
DraI	TTT!AAA	4	1770	4594	7036	7055	
DraII	RG!GNCCY	2	3901	6990			
DraIII	CACNNN!GTG	4	1270	1567	2788	5008	
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	4963	5919	7708		
DsaI	C!CRYGG	8	361	612	1434	3603	4023
			4197	5621	6324		
DsaV	!CCNGG	42	89	282	795	843	939
			954	1083	1192	1425	1426
			1635	1830	2214	2895	3207
			3338	3422	3443	3490	3564
			3622	3656	3834	3897	3979
			4089	4127	4320	4487	5426
			5481	5498	5894	6054	6277
			6667	6856	6959	7431	7649
			7662	7783			
EaeI	Y!GGCCR	7	1278	2466	4083	5798	5972
			6363	6390			
EagI	C!GGCCG	1	5798				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	5	628	1962	5363	6240	6450
Ecl136II	GAG!CTC	2	2839	4330			
EclXI	C!GGCCG	1	5798				
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	1	3899				
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1241	6881			
Eco47I	G!GWCC	7	1210	1828	2893	3510	4093
			6408	6853			
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	1	5798				
Eco57I	!CTGAAG	4	1108	2290	6016	6448	
Eco57I	!CTTCAG	1	7282				
Eco81I	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	

EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	4379					
EcoO109I	RG!GNCCY	2	3901	6990				
EcoO65I	G!GTNACC	2	3494	3911				
EcoRI	G!AATTC	2	1713	4513				
EcoRII	!CCWGG	34	89	282	795	843	939	
			954	1083	1635	1830	2214	
			2895	3207	3338	3422	3443	
			3490	3564	3622	3656	3834	
			3897	3979	4089	4320	4487	
			5426	5481	5498	6277	6856	
			6959	7649	7662	7783		
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWWGG	12	361	612	1434	2122	2650	
			3506	3603	4197	5621	5714	
			6324	6729				
EcoT22I	ATGCA!T	5	1900	3192	5464	5536	7867	
EcoT38I	GRGCY!C	7	2841	3905	3988	4332	5083	
			6257	6967				
EheI	GGC!GCC	1	5893					
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	2	2927	4326				
FbaI	T!GATCA	3	2773	4476	4549			
FinI	!GTCCC	4	5422	5494	5558	6853		
FinI	!GGGAC	7	161	312	480	3446	6028	
			6560	6669				
Fnu4HI	GC!NGC	52	769	820	964	1081	1262	
			1344	1347	1477	1631	2617	
			2982	3257	3392	3395	3613	
			3692	3857	3871	3954	4000	
			4256	4379	4410	4502	4669	
			5188	5210	5224	5662	5801	
			5853	5864	5954	5959	5996	
			6037	6124	6127	6130	6366	
			6462	6503	6517	6631	6970	
			6985	7196	7402	7405	7470	
			7613	7768				
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	12	1426	2293	3115	3169	3734	
			4259	4442	4460	5759	6216	
			6241	6695				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	9	691	779	836	991	1668	
			2320	2763	2894	5565		
FspI	TGC!GCA	1	5994					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	3	5792	6357	6384			
GdiII	CGGCCRN!	2	4089	5804				
GsuI	!CTCCAG	7	952	1685	2081	3107	3861	
			3895	6689				
GsuI	!CTGGAG	3	3376	3980	6710			
HaeI	WGG!CCW	13	1049	1280	1580	1988	2422	
			2468	2900	3490	5713	5974	
			7336	7788	7799			
HaeII	RGCGC!Y	7	599	2617	4223	5159	5167	
			5895	7570				
HaeIII	GG!CC	41	85	278	771	1014	1049	
			1083	1106	1128	1238	1280	
			1433	1496	1580	1988	2163	
			2422	2468	2900	3490	3903	
			4085	4298	4352	4492	4858	
			5000	5655	5661	5670	5713	

			5800	5974	6365	6392	6901
			6958	6991	7336	7770	7788
			7799				
HapII	C!CGG	24	602	1194	1326	1427	1507
			2669	4128	4534	5110	5797
			5874	5896	5924	6055	6145
			6212	6393	6668	6676	6768
			7242	7432	7458	7605	
HgaI	GACGCNNNNN!	4	527	1405	6602	6681	
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	5	1186	2753	5225	7120	7698
HgiAI	GWGCW!C	8	704	2308	2649	2841	4332
			6005	6195	7500		
HgiEII	!ACCNNNNNNNGGT	1	7222				
HhaI	GCG!C	23	598	2616	4222	5158	5166
			5192	5214	5223	5236	5267
			5886	5894	5958	5995	6261
			6521	6697	6783	7186	7295
			7469	7569	7636		
HinII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			5892	6594	6673		
HinPII	G!CGC	23	596	2614	4220	5156	5164
			5190	5212	5221	5234	5265
			5884	5892	5956	5993	6259
			6519	6695	6781	7184	7293
			7467	7567	7634		
HincII	GTY!RAC	1	4655				
HindIII	A!AGCTT	2	3072	3630			
HinfI	G!ANTC	29	411	750	900	1227	1329
			1369	1443	1596	1976	2175
			2665	3113	3419	3449	3532
			3653	3707	3831	4250	4935
			4957	5367	6377	6511	6563
			6621	6658	7440	7836	
HpaI	GTT!AAC	1	4655				
HpaII	C!CGG	24	602	1194	1326	1427	1507
			2669	4128	4534	5110	5797
			5874	5896	5924	6055	6145
			6212	6393	6668	6676	6768
			7242	7432	7458	7605	
HphI	GGTGANNNNNNNN!	11	377	1006	1801	2401	2447
			2636	3038	3263	4147	6963
			7079				
HphI	!NNNNNNNTCACC	4	895	2204	5009	6070	
KasI	G!GCGCC	1	5891				
KpnI	GGTAC!C	1	1723				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	5	624	1958	5359	6236	6446
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	17	593	1299	1676	1850	1928
			1973	2948	2985	3327	4235
			4540	4741	5159	5715	6730
			7064	7317			
MaeII	A!CGT	20	123	135	176	259	340
			445	978	1254	1490	2991
			4191	4362	4952	4964	5007
			5117	6008	6195	6976	7109
MaeIII	!GTNAC	21	62	149	498	901	1559
			2323	3026	3087	3433	3494
			3911	4123	4680	5181	5193

			6012 7453	6318	7008	7274	7390
MamI	GATNN!NNATC	3	2226	4554	5751		
MboI	!GATC	38	586 1357 2861 3946 4536 6063 6685 7158	984 1819 3180 4050 4549 6141 6701 7169	1134 1871 3458 4456 5729 6222 7060 7244	1160 2073 3643 4476 5733 6231 7072	1334 2773 3802 4527 5752 6309 7150
MboII	GAAGANNNNNNNN!	21	641 1918 2558 4060 7082	926 1975 2561 5148	1039 2060 3065 5376	1558 2273 3809 6253	1703 2305 3812 6463
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	6543	6710	6910	7153	
McrI	!CGRYCG	3	602	5797	7472		
MfeI	!CAATTG	2	2156	4641			
MflI	R!GATCY	15	586 3180 6701	1160 4527 7060	1334 4536 7072	1871 6063 7158	2073 6309 7169
MluI	A!CGCGT	1	4778				
MmeI	!TCCRAC	6	1006 4959	1912	2009	2205	3125
MmeI	!GTYGGA	3	3236	7435	7619		
MnlI	CCTCNNNNNNN!	35	783 1412 2728 3148 3546 4086 6493	962 1695 2790 3279 3681 4611 6699	977 2048 2911 3291 3984 4620 7013	1193 2087 2915 3299 4013 5675 7383	1304 2325 2921 3483 4083 5681 7707
MnlI	!NNNNNNNGAGG	44	541 873 1525 2160 3696 3859 4570 5687 5942	663 982 1608 3372 3721 3876 5035 5690 6299	702 1038 1611 3375 3756 3883 5366 5702 6729	723 1227 1746 3393 3761 4176 5644 5742 7632	756 1260 1882 3448 3816 4200 5650 5806
MroI	T!CCGGA	2	1325	2668			
MscI	TGG!CCA	3	1280	2468	5974		
MseI	T!TAA	27	8 1946 3354 4775 4847 7054	639 2006 3773 4796 4945 7106	864 2226 4335 4807 5216	1320 2339 4593 4819 7035	1769 2756 4654 4830 7049
MspI	C!CGG	24	602 2669 5874 6212 7242	1194 4128 5896 6393 7432	1326 4534 5924 6668 7458	1427 5110 6055 6676 7605	1507 5797 6145 6768
MstI	TGC!GCA	1	5994				
MstII	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	
MunI	C!AATTG	2	2157	4642			
MvaI	CC!WGG	34	91	284	797	845	941

			956	1085	1637	1832	2216
			2897	3209	3340	3424	3445
			3492	3566	3624	3658	3836
			3899	3981	4091	4322	4489
			5428	5483	5500	6279	6858
			6961	7651	7664	7785	
MvnI	CG!CG	16	61	4007	4780	4816	5192
			5212	5236	5267	5958	6259
			6697	6781	6844	6913	7186
			7767				
NaeI	GCC!GGC	3	5111	6394	6677		
NarI	GG!CGCC	1	5892				
NciI	CC!SGG	8	1194	1427	1428	4129	5896
			6056	6669	7433		
NcoI	C!CATGG	7	361	612	1434	3603	4197
			5621	6324			
NdeI	CA!TATG	2	235	3543			
NdeII	!GATC	38	586	984	1134	1160	1334
			1357	1819	1871	2073	2773
			2861	3180	3458	3643	3802
			3946	4050	4456	4476	4527
			4536	4549	5729	5733	5752
			6063	6141	6222	6231	6309
			6685	6701	7060	7072	7150
			7158	7169	7244		
NgoMI	G!CCGGC	3	5109	6392	6675		
NheI	G!CTAGC	2	592	4234			
NlaIII	CATG!	40	305	365	616	652	658
			670	748	814	894	1105
			1438	1514	1645	2665	2706
			2836	3052	3194	3268	3593
			3607	3690	3703	3763	3953
			4201	4369	5322	5462	5534
			5625	5766	6111	6297	6328
			6354	6710	7094	7814	7865
NlaIV	GGN!NCC	26	468	676	736	1127	1432
			1721	2398	3108	3260	3662
			3903	3985	4529	5047	5068
			5080	5271	5432	5504	5893
			5928	6776	6855	6900	7743
			7782				
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	1	4007				
NsiI	ATGCA!T	5	1900	3192	5464	5536	7867
Nsp(7524)I	RCATG!Y	6	652	2706	5462	5534	6297
			7814				
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	6574				
NspBII	CMG!CKG	6	1073	3908	5390	5998	7227
			7472				
NspII	GDGCH!C	21	677	704	737	1314	2122
			2308	2649	2841	3716	3905
			3988	4197	4332	5083	5838
			5931	6005	6195	6257	6967
			7500				
NspIII	C!YCGRG	1	1426				
NspIV	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1210	1431	1494	1828
			2162	2893	3510	3901	3902
			4093	4297	4351	4491	4999

			6408	6853	6899	6957	6990
NunII	GG!CGCC	1	5892				
PacI	TTAAT!TAA	0					
PaeR71	C!TCGAG	0					
PalI	GG!CC	41	85	278	771	1014	1049
			1083	1106	1128	1238	1280
			1433	1496	1580	1988	2163
			2422	2468	2900	3490	3903
			4085	4298	4352	4492	4858
			5000	5655	5661	5670	5713
			5800	5974	6365	6392	6901
			6958	6991	7336	7770	7788
			7799				
PflMI	CCANNNN!NTGG	2	1219	3312			
PleI	GAGTCNNNN!	8	908	1451	2673	3121	3540
			4258	4943	5375		
PleI	!NNNNNGACTC	7	405	1323	1590	3443	4951
			6557	7434			
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	2	1253	3891			
PstI	CTGCA!G	4	1611	3396	4380	4522	
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	3	3908	5390	5998		
RmaI	C!TAG	17	593	1299	1676	1850	1928
			1973	2948	2985	3327	4235
			4540	4741	5159	5715	6730
			7064	7317			
RsaI	GT!AC	23	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	1408
			1721	2090	2235	2845	2967
			3061	3370	3549	3726	4190
			4361	4388	6198		
RsrI	G!AATTC	2	1713	4513			
RsrII	CG!GWCCG	1	6408				
SacI	GAGCT!C	2	2841	4332			
SacII	CCGC!GG	0					
SalI	G!TCGAC	0					
Sau3AI	!GATC	38	586	984	1134	1160	1334
			1357	1819	1871	2073	2773
			2861	3180	3458	3643	3802
			3946	4050	4456	4476	4527
			4536	4549	5729	5733	5752
			6063	6141	6222	6231	6309
			6685	6701	7060	7072	7150
			7158	7169	7244		
Sau96I	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1210	1431	1494	1828
			2162	2893	3510	3901	3902
			4093	4297	4351	4491	4999
			6408	6853	6899	6957	6990
SauI	CC!TNAGG	4	879	3672	5372	7004	
ScaI	AGT!ACT	1	3061				
ScrFI	CC!NGG	42	91	284	797	845	941
			956	1085	1194	1427	1428
			1637	1832	2216	2897	3209
			3340	3424	3445	3492	3566

			3624	3658	3836	3899	3981
			4091	4129	4322	4489	5428
			5483	5500	5896	6056	6279
			6669	6858	6961	7433	7651
			7664	7785			
SduI	GDGCH!C	21	677	704	737	1314	2122
			2308	2649	2841	3716	3905
			3988	4197	4332	5083	5838
			5931	6005	6195	6257	6967
			7500				
SecI	C!CNNGG	37	361	612	708	843	844
			939	1402	1425	1426	1427
			1434	2122	2650	3208	3338
			3444	3506	3603	3623	3898
			3979	4023	4197	5426	5498
			5621	5656	5665	5714	6055
			6324	6729	6856	6857	6959
			6960	7650			
SexI	!CTCGAG	0					
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	858	4708	5471	5543	6191
			6255	6530			
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	11	358	1011	1050	1179	1507
			3177	4420	5850	6105	6321
			7713				
SfcI	C!TRYAG	9	1607	2688	3292	3392	4376
			4518	5227	7354	7545	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5667				
SfuI	TT!CGAA	1	6574				
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	7	1210	1828	2893	3510	4093
			6408	6853			
SmaI	CCC!GGG	1	1428				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	4	700	2304	2645	7496	
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	3	5462	5534	6297		
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	4800	5353			
SstI	GAGCT!C	2	2841	4332			
SstII	CCGC!GG	0					
SstIII	!ACGT	20	122	134	175	258	339
			444	977	1253	1489	2990
			4190	4361	4951	4963	5006
			5116	6007	6194	6975	7108
StuI	AGG!CCT	2	3490	5713			
StyI	C!CWWGG	12	361	612	1434	2122	2650
			3506	3603	4197	5621	5714
			6324	6729			
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	2	1710	4183			
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	1	2305				
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	18	762	789	1257	1531	2023
			3667	4455	5041	5732	6005
			6161	6185	6221	6383	6574
			6619	6874	7712		
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	3	4912	5929	6597		

TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	6841					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	3	752	857	4292			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	4	173	3014	5796	6388		
TfiI	G!AWTC	14	750	1227	1369	1976	2175	
			3419	3653	3707	3831	6377	
			6511	6621	6658	7836		
ThaI	CG!CG	16	61	4007	4780	4816	5192	
			5212	5236	5267	5958	6259	
			6697	6781	6844	6913	7186	
			7767					
Tsp45I	!GTSAC	8	901	1559	2323	3026	3433	
			5181	6012	6318			
TspEI	!AATT	25	19	1321	1667	1713	1771	
			1836	2003	2027	2063	2157	
			2586	2601	2655	2882	3020	
			4513	4642	4706	4784	4810	
			4821	5468	5540	5632	7050	
Tth111I	GACN!NNGTC	3	1599	4109	6010			
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	5	2269	3663	3712	4288	7219	
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	3149	6327	7187	7226		
TthHB8I	T!CGA	18	762	789	1257	1531	2023	
			3667	4455	5041	5732	6005	
			6161	6185	6221	6383	6574	
			6619	6874	7712			
Van91I	CCANNNN!NTGG	2	1219	3312				
VspI	AT!TAAT	2	8	2006				
XbaI	T!CTAGA	1	4539					
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	2	2010	6167				
XcyI	C!CCGGG	1	1426					
XhoI	C!TCGAG	0						
XhoII	R!GATCY	15	586	1160	1334	1871	2073	
			3180	4527	4536	6063	6309	
			6701	7060	7072	7158	7169	
XmaI	C!CCGGG	1	1426					
XmaIII	C!GGCCG	1	5798					
XmnI	GAANN!NNTTC	0						
XorII	CGAT!CG	0						