

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2964				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	1	1200				
AccII	CG!CG	16	61	1412	2031	2067	2443
			2463	2487	2518	3209	3510
			3948	4032	4095	4164	4437
			5018				
AccIII	T!CCGGA	1	1325				
AciI	G!CGG	29	371	404	529	768	1080
			1122	1391	1412	1759	2403
			2430	2518	2628	3209	3273
			3374	3377	3657	3712	3810
			3948	4095	4235	4478	4723
			4844	4863	4990	5018	
AciI	C!CGC	35	59	87	99	113	280
			508	590	933	1071	1173
			1452	2458	2461	2475	2565
			2813	2825	2834	2846	2856
			2867	2913	3052	3115	3617
			3662	3728	3754	3879	3882
			4030	4162	4469	4613	5109
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			3143	3845	3924		
AfaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	1621
			1772 3449				
AflI	G!GWCC	4	1210	1398	3659	4104	
AflIII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	2	2029	5061			
AgeI	A!CCGGT	2	601	1518			
AhaI	CC!SGG	9	1194	1360	1461	1462	1577
			3147	3307	3920	4684	
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			3143	3845	3924		
AhaIII	TTT!AAA	3	1845	4287	4306		
AluI	AG!CT	19	567	634	661	807	1114
			1343	1349	1490	1922	2089
			2346	2641	2929	3249	3707
			4504	4761	4807	4897	
Alw44I	G!TGCAC	2	700	4747			
AlwI	GGATCNNNN!	10	1620	1786	1795	3011	3322
			3568	3960	4319	4417	4503
AlwI	!NNNNNGATCC	8	581	1155	1567	1773	3387
			3931	4318	4415		
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1287	4244	4652		
AocI	CC!TNAGG	3	879	2623	4255		
AocII	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1345
			1631	1642	2334	3089	3182
			3256	3446	3508	4218	4751
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	3245				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			3143	3845	3924		
ApaI	GGGCC!C	0					
ApaLI	G!TGCAC	2	700	4747			

ApoI	R!AATTY	4	1601	1957	2061	2072		
ApyI	CC!WGG	17	91	284	797	845	941	
			956	1085	1505	2679	2734	
			2751	3530	4109	4212	4902	
			4915	5036				
AquI	C!YCGRG	2	1338	1460				
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	1469					
Asp718I	G!GTACC	0						
AspHI	GWGCW!C	6	704	1345	1631	3256	3446	
			4751					
AspI	GACN!NNGTC	1	3261					
AsuI	G!GNCC	16	84	277	770	1013	1105	
			1126	1210	1398	1449	1555	
			2250	3659	4104	4150	4208	
			4241					
AsuII	TT!CGAA	1	3825					
AvaI	C!YCGRG	2	1338	1460				
AvaII	G!GWCC	4	1210	1398	3659	4104		
AvaIII	ATGCA!T	3	2715	2787	5118			
AviII	TGC!GCA	1	3245					
AvrI	!CYCGRG	2	1337	1459				
AvrII	C!CTAGG	2	2965	3980				
AxyI	CC!TNAGG	3	879	2623	4255			
BalI	TGG!CCA	2	1280	3225				
BamHI	G!GATCC	1	1778					
BanI	G!GYRCC	6	466	674	734	2296	3142	
			3177					
BanII	GRGCY!C	5	1345	1642	2334	3508	4218	
BanIII	AT!CGAT	1	2983					
BbeI	GGCGC!C	1	3146					
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197	
			3143	3845	3924			
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	2	913	1464				
BbvI	GCAGCNNNNNNNNN!	8	831	1273	1931	3216	3258	
			3779	4232	4732			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	950	1575	2425	3090	3274	
			3367	4433	4639	4642		
BbvII	GAAGACNN!	2	921	1472				
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	6	832	976	1027	1093	3569	
			4056					
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1440	2285	3103	4562		
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	2	1722	1800				
BcnI	CC!SGG	9	1194	1360	1461	1462	1577	
			3147	3307	3920	4684		
BfaI	C!TAG	10	593	1299	1682	1791	1992	
			2410	2966	3981	4315	4568	
BfrI	C!TTAAG	0						
BglI	GCCNNNN!NGGC	5	91	213	284	1089	2918	
BglII	A!GATCT	1	1334					
BinI	!NNNNNGATCC	8	581	1155	1567	1773	3387	
			3931	4318	4415			

BinI	GGATCNNNN!	10	1620	1786	1795	3011	3322
			3568	3960	4319	4417	4503
BlnI	C!CTAGG	2	2965	3980			
BmyI	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1345
			1631	1642	2334	3089	3182
			3256	3446	3508	4218	4751
BpmI	!CTCCAG	2	952	3940			
BpmI	!CTGGAG	1	3961				
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	3	341	2259	3447		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	1805	3002			
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197
			3143	3845	3924		
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1241	4132			
BsaJI	C!CNNGG	24	361	612	708	843	844
			939	1353	1459	1460	1711
			2677	2749	2872	2907	2916
			2965	3306	3575	3980	4107
			4108	4210	4211	4901	
BseAI	T!CCGGA	1	1325				
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	0					
BsiEI	CGRY!CG	3	606	3052	4727		
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	28	50	731	844	1010	1076
			1219	1359	1390	1446	1461
			1693	2155	2481	2873	3124
			3668	3949	3981	3982	4113
			4148	4198	4199	4230	4583
			4862	5028	5046		
BslI	CCNNNNN!NNGG	28	50	731	844	1010	1076
			1219	1359	1390	1446	1461
			1693	2155	2481	2873	3124
			3668	3949	3981	3982	4113
			4148	4198	4199	4230	4583
			4862	5028	5046		
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	1246	2572	2990	4009	4137
BsmI	GAATGCN!	1	1894				
BsmI	G!CATTC	1	1987				
Bsp1286I	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1345
			1631	1642	2334	3089	3182
			3256	3446	3508	4218	4751
BspDI	AT!CGAT	1	2983				
BspEI	T!CCGGA	1	1325				
BspHI	T!CATGA	2	2569	4341			
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	1764	3411	3861		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	3030				
BspMII	T!CCGGA	1	1325				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	32	91	213	245	284	377
			401	658	1089	1355	1687
			2370	2400	2427	2469	2471
			2710	2782	2833	2912	2918
			3134	3218	3241	3380	3386
			3503	3586	3853	4040	4244
			4443	5015			
BsrFI	R!CCGGY	6	601	1518	2360	3462	3643

			3926					
BsrI	ACTGGN!	5	1224	1311	3087	3288	4534	
BsrI	C!CAGT	6	296	1768	2172	2850	4646	
			4659					
BssHII	G!CGCGC	0						
Bst1107I	GTA!TAC	0						
BstBI	TT!CGAA	1	3825					
BstEII	G!GTNACC	0						
BstI	G!GATCC	1	1778					
BstNI	CC!WGG	17	91	284	797	845	941	
			956	1085	1505	2679	2734	
			2751	3530	4109	4212	4902	
			4915	5036				
BstPI	G!GTNACC	0						
BstUI	CG!CG	16	61	1412	2031	2067	2443	
			2463	2487	2518	3209	3510	
			3948	4032	4095	4164	4437	
			5018					
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0						
BstYI	R!GATCY	13	586	1160	1334	1612	1778	
			1787	3314	3560	3952	4311	
			4323	4409	4420			
Bsu36I	CC!TNAGG	3	879	2623	4255			
CbiI	TT!CGAA	1	3825					
CcrI	C!TCGAG	1	1338					
CelII	GC!TNAGC	0						
CfoI	GCG!C	21	598	2409	2417	2443	2465	
			2474	2487	2518	3137	3145	
			3209	3246	3512	3772	3948	
			4034	4437	4546	4720	4820	
			4887					
Cfr10I	R!CCGGY	6	601	1518	2360	3462	3643	
			3926					
Cfr13I	G!GNCC	16	84	277	770	1013	1105	
			1126	1210	1398	1449	1555	
			2250	3659	4104	4150	4208	
			4241					
Cfr9I	C!CCGGG	1	1460					
CfrI	Y!GGCCR	7	1278	1356	1413	3049	3223	
			3614	3641				
ClaI	AT!CGAT	1	2983					
CpoI	CG!GWCCG	1	3659					
Csp45I	TT!CGAA	1	3825					
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	102	43	85	94	278	567	
			634	661	724	771	800	
			807	885	951	963	1014	
			1041	1049	1083	1106	1114	
			1128	1238	1274	1280	1343	
			1349	1358	1383	1415	1425	
			1451	1490	1543	1557	1640	
			1748	1812	1922	2089	2109	
			2251	2332	2346	2360	2641	
			2682	2754	2877	2906	2912	
			2921	2929	2952	2964	2970	
			3051	3068	3076	3103	3128	
			3212	3221	3225	3249	3287	
			3363	3380	3399	3462	3506	
			3516	3533	3616	3643	3647	

			3684	3707	3723	3903	3930
			3991	4113	4152	4209	4216
			4223	4242	4253	4504	4533
			4576	4587	4652	4731	4756
			4761	4807	4897	4995	5021
			5039	5050			
CvnI	CC!TNAGG	3	879	2623	4255		
DdeI	C!TNAG	12	621	879	1176	1331	1491
			1774	2623	2925	3806	4255
			4378	4787			
DpnI	GA!TC	27	588	986	1136	1162	1336
			1574	1614	1724	1780	1789
			1802	2982	2986	3005	3316
			3394	3475	3484	3562	3938
			3954	4313	4325	4403	4411
			4422	4497			
DpnII	!GATC	27	586	984	1134	1160	1334
			1572	1612	1722	1778	1787
			1800	2980	2984	3003	3314
			3392	3473	3482	3560	3936
			3952	4311	4323	4401	4409
			4420	4495			
DraI	TTT!AAA	3	1845	4287	4306		
DraII	RG!GNCCY	2	1398	4241			
DraIII	CACNNN!GTG	2	1270	2259			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	2214	3170	4959		
DsaI	C!CRYGG	6	361	612	1353	1711	2872
			3575				
DsaV	!CCNGG	26	89	282	795	843	939
			954	1083	1192	1358	1459
			1460	1503	1575	2677	2732
			2749	3145	3305	3528	3918
			4107	4210	4682	4900	4913
			5034				
EaeI	Y!GGCCR	7	1278	1356	1413	3049	3223
			3614	3641			
EagI	C!GGCCG	1	3049				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	628	2614	3491	3701	
Ecl136II	GAG!CTC	1	1343				
EclXI	C!GGCCG	1	3049				
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1241	4132			
Eco47I	G!GWCC	4	1210	1398	3659	4104	
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	1	3049				
Eco57I	!CTGAAG	3	1108	3267	3699		
Eco57I	!CTTCAG	1	4533				
Eco81I	CC!TNAGG	3	879	2623	4255		
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	2	1398	4241			
EcoO65I	G!GTNACC	0					
EcoRI	G!AATTC	0					
EcoRII	!CCWGG	17	89	282	795	843	939
			954	1083	1503	2677	2732
			2749	3528	4107	4210	4900
			4913	5034			

EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWWGG	7	361	612	1353	2872	2965	
			3575	3980				
EcoT22I	ATGCA!T	3	2715	2787	5118			
EcoT38I	GRGCY!C	5	1345	1642	2334	3508	4218	
EheI	GGC!GCC	1	3144					
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	0						
FbaI	T!GATCA	2	1722	1800				
FinI	!GTCCC	5	1456	2673	2745	2809	4104	
FinI	!GGGAC	8	161	312	480	1396	1577	
			3279	3811	3920			
Fnu4HI	GC!NGC	37	769	820	964	1081	1262	
			1413	1452	1589	1760	1920	
			2439	2461	2475	2913	3052	
			3104	3115	3205	3210	3247	
			3288	3375	3378	3381	3617	
			3713	3754	3768	3882	4221	
			4236	4447	4653	4656	4721	
			4864	5019				
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	4	3010	3467	3492	3946		
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	691	779	836	991	2816	
FspI	TGC!GCA	1	3245					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	1350	3043	3608	3635		
GdiII	CGGCCRN!	2	1419	3055				
GsuI	!CTCCAG	2	952	3940				
GsuI	!CTGGAG	1	3961					
HaeI	WGG!CCW	8	1049	1280	1748	2964	3225	
			4587	5039	5050			
HaeII	RGCGC!Y	5	599	2410	2418	3146	4821	
HaeIII	GG!CC	32	85	278	771	1014	1049	
			1083	1106	1128	1238	1280	
			1358	1415	1451	1557	1748	
			2109	2251	2906	2912	2921	
			2964	3051	3225	3616	3643	
			4152	4209	4242	4587	5021	
			5039	5050				
HapII	C!CGG	25	602	1194	1326	1359	1461	
			1519	1576	1632	1785	2361	
			3048	3125	3147	3175	3306	
			3396	3463	3644	3919	3927	
			4019	4493	4683	4709	4856	
HgaI	GACGCNNNNN!	5	527	1418	1687	3853	3932	
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	1186	2476	4371	4949		
HgiAI	GWGCW!C	6	704	1345	1631	3256	3446	
			4751					
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4473					
HhaI	GCG!C	21	598	2409	2417	2443	2465	
			2474	2487	2518	3137	3145	
			3209	3246	3512	3772	3948	
			4034	4437	4546	4720	4820	
			4887					
HinII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1197	
			3143	3845	3924			
HinPII	G!CGC	21	596	2407	2415	2441	2463	
			2472	2485	2516	3135	3143	
			3207	3244	3510	3770	3946	
			4032	4435	4544	4718	4818	

			4885					
HincII	GTY!RAC	1	1906					
HindIII	A!AGCTT	1	1347					
HinfI	G!ANTC	17	411	750	900	1227	1329	
			1433	1580	2186	2208	2618	
			3628	3762	3814	3872	3909	
			4691	5087				
HpaI	GTT!AAC	1	1906					
HpaII	C!CGG	25	602	1194	1326	1359	1461	
			1519	1576	1632	1785	2361	
			3048	3125	3147	3175	3306	
			3396	3463	3644	3919	3927	
			4019	4493	4683	4709	4856	
HphI	GGTGANNNNNNNN!	4	377	1006	4214	4330		
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	895	1654	1745	2260	3321	
KasI	G!GCGCC	1	3142					
KpnI	GGTAC!C	0						
Ksp632I	CTCTTCN!	0						
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	624	2610	3487	3697		
KspI	CCGC!GG	0						
MaeI	C!TAG	10	593	1299	1682	1791	1992	
			2410	2966	3981	4315	4568	
MaeII	A!CGT	16	123	135	176	259	340	
			445	978	1254	2203	2215	
			2258	2368	3259	3446	4227	
			4360					
MaeIII	!GTNAC	15	62	149	498	901	1654	
			1660	1931	2432	2444	3263	
			3569	4259	4525	4641	4704	
MamI	GATNN!NNATC	2	1805	3002				
MboI	!GATC	27	586	984	1134	1160	1334	
			1572	1612	1722	1778	1787	
			1800	2980	2984	3003	3314	
			3392	3473	3482	3560	3936	
			3952	4311	4323	4401	4409	
			4420	4495				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	9	641	926	1039	1477	2399	
			2627	3504	3714	4333		
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	1607	3794	3961	4161	4404	
McrI	!CGRYCG	3	602	3048	4723			
MfeI	!CAATTG	1	1892					
MflI	R!GATCY	13	586	1160	1334	1612	1778	
			1787	3314	3560	3952	4311	
			4323	4409	4420			
MluI	A!CGCGT	1	2029					
MmeI	!TCCRAC	2	1006	2210				
MmeI	!GTYGGA	2	4686	4870				
MnlI	CCTCNNNNNNN!	16	783	962	977	1193	1304	
			1450	1759	1862	1871	2926	
			2932	3744	3950	4264	4634	
			4958					
MnlI	!NNNNNNNGAGG	26	541	663	702	723	756	
			873	982	1038	1227	1260	
			1485	1627	1821	2286	2617	
			2895	2901	2938	2941	2953	
			2993	3057	3193	3550	3980	
			4883					
MroI	T!CCGGA	1	1325					
MscI	TGG!CCA	2	1280	3225				

MseI	T!TAA	18	8	639	864	1320	1844
			1905	2026	2047	2058	2070
			2081	2098	2196	2467	4286
			4300	4305	4357		
MspI	C!CGG	25	602	1194	1326	1359	1461
			1519	1576	1632	1785	2361
			3048	3125	3147	3175	3306
			3396	3463	3644	3919	3927
			4019	4493	4683	4709	4856
MstI	TGC!GCA	1	3245				
MstII	CC!TNAGG	3	879	2623	4255		
MunI	C!AATTG	1	1893				
MvaI	CC!WGG	17	91	284	797	845	941
			956	1085	1505	2679	2734
			2751	3530	4109	4212	4902
			4915	5036			
MvnI	CG!CG	16	61	1412	2031	2067	2443
			2463	2487	2518	3209	3510
			3948	4032	4095	4164	4437
			5018				
NaeI	GCC!GGC	3	2362	3645	3928		
NarI	GG!CGCC	1	3143				
NciI	CC!SGG	9	1194	1360	1461	1462	1577
			3147	3307	3920	4684	
NcoI	C!CATGG	5	361	612	1353	2872	3575
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	27	586	984	1134	1160	1334
			1572	1612	1722	1778	1787
			1800	2980	2984	3003	3314
			3392	3473	3482	3560	3936
			3952	4311	4323	4401	4409
			4420	4495			
NgoMI	G!CCGGC	3	2360	3643	3926		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	25	305	365	616	652	658
			670	748	814	894	1105
			1357	1669	2573	2713	2785
			2876	3017	3362	3548	3579
			3605	3961	4345	5065	5116
NlaIV	GGN!NCC	21	468	676	736	1127	1399
			1556	1639	1780	2298	2319
			2331	2522	2683	2755	3144
			3179	4027	4106	4151	4994
			5033				
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2715	2787	5118		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	652	2713	2785	3548	5065
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	3825				
NspBII	CMG!CKG	6	1073	1490	2641	3249	4478
			4723				
NspII	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1345
			1631	1642	2334	3089	3182
			3256	3446	3508	4218	4751
NspIII	C!YCGRG	2	1338	1460			
NspIV	G!GNCC	16	84	277	770	1013	1105
			1126	1210	1398	1449	1555
			2250	3659	4104	4150	4208
			4241				

NunII	GG!CGCC	1	3143					
PacI	TTAAT!TAA	0						
Paer71	C!TCGAG	1	1338					
PalI	GG!CC	32	85	278	771	1014	1049	
			1083	1106	1128	1238	1280	
			1358	1415	1451	1557	1748	
			2109	2251	2906	2912	2921	
			2964	3051	3225	3616	3643	
			4152	4209	4242	4587	5021	
			5039	5050				
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	1219					
PleI	GAGTCNNNN!	3	908	2194	2626			
PleI	!NNNNNGACTC	7	405	1323	1427	1574	2202	
			3808	4685				
PmaCI	CAC!GTG	0						
PmeI	GTTT!AAAC	0						
PmlI	CAC!GTG	0						
PpuMI	RG!GWCCY	1	1398					
PshAI	GACNN!NNGTC	2	1253	1682				
PstI	CTGCA!G	0						
PvuI	CGAT!CG	0						
PvuII	CAG!CTG	3	1490	2641	3249			
RmaI	C!TAG	10	593	1299	1682	1791	1992	
			2410	2966	3981	4315	4568	
RsaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384	
			541	665	815	1067	1621	
			1772	3449				
RsrI	G!AATTC	0						
RsrII	CG!GWCCG	1	3659					
SacI	GAGCT!C	1	1345					
SacII	CCGC!GG	0						
SalI	G!TCGAC	0						
Sau3AI	!GATC	27	586	984	1134	1160	1334	
			1572	1612	1722	1778	1787	
			1800	2980	2984	3003	3314	
			3392	3473	3482	3560	3936	
			3952	4311	4323	4401	4409	
			4420	4495				
Sau96I	G!GNCC	16	84	277	770	1013	1105	
			1126	1210	1398	1449	1555	
			2250	3659	4104	4150	4208	
			4241					
SauI	CC!TNAGG	3	879	2623	4255			
ScaI	AGT!ACT	1	1772					
ScrFI	CC!NGG	26	91	284	797	845	941	
			956	1085	1194	1360	1461	
			1462	1505	1577	2679	2734	
			2751	3147	3307	3530	3920	
			4109	4212	4684	4902	4915	
			5036					
SduI	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1345	
			1631	1642	2334	3089	3182	
			3256	3446	3508	4218	4751	
SecI	C!CNNGG	24	361	612	708	843	844	
			939	1353	1459	1460	1711	
			2677	2749	2872	2907	2916	
			2965	3306	3575	3980	4107	
			4108	4210	4211	4901		
SexI	!CTCGAG	1	1337					

SfaNI	GCATCNNNNN!	7	858 3506	1959 3781	2722	2794	3442
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	8	358 3356	1011 3572	1050 4964	1179	3101
SfcI	C!TRYAG	3	2478	4605	4796		
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2918				
SfuI	TT!CGAA	1	3825				
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	4	1210	1398	3659	4104	
SmaI	CCC!GGG	1	1462				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	700	4747			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	3	2713	2785	3548		
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	2051	2604			
SstI	GAGCT!C	1	1345				
SstII	CCGC!GG	0					
SstIII	!ACGT	16	122 444 2257 4359	134 977 2367	175 1253 3258	258 2202 3445	339 2214 4226
StuI	AGG!CCT	1	2964				
StyI	C!CWWGG	7	361 3575	612 3980	1353	2872	2965
StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	16	762 2292 3472 4963	789 2983 3634	1257 3256 3825	1339 3412 3870	1377 3436 4125
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	2163	3180	3848		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	4092				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	2	752	857			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	3047	3639		
TfiI	G!AWTC	7	750 3909	1227 5087	3628	3762	3872
ThaI	CG!CG	16	61 2463 3948 5018	1412 2487 4032	2031 2518 4095	2067 3209 4164	2443 3510 4437
Tsp45I	!GTSAC	6	901 3569	1654	1660	2432	3263
TspEI	!AATT	12	19 2035 2883	1321 2061 4301	1601 2072	1893 2719	1957 2791
Tth111I	GACN!NNGTC	1	3261				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4470				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3578	4438	4477		
TthHB8I	T!CGA	16	762 2292 3472 4963	789 2983 3634	1257 3256 3825	1339 3412 3870	1377 3436 4125
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	1219				
VspI	AT!TAAT	1	8				

XbaI	T!CTAGA	1	1790					
XcmI	!CCANNNNNNNNNTCG	1	3418					
XcyI	C!CCGGG	1	1460					
XhoI	C!TCGAG	1	1338					
XhoII	R!GATCY	13	586	1160	1334	1612	1778	
			1787	3314	3560	3952	4311	
			4323	4409	4420			
XmaI	C!CCGGG	1	1460					
XmaIII	C!GGCCG	1	3049					
XmnI	GAANN!NNTTC	1	1469					
XorII	CGAT!CG	0						