

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	2	2020	4263			
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	1	2957				
AccII	CG!CG	18	61	661	797	1832	3091
			3366	3742	3762	3786	3817
			4508	4809	5247	5331	5394
			5463	5736	6317		
AccIII	T!CCGGA	1	996				
AciI	G!CGG	31	371	404	529	640	1787
			1976	2255	2525	2837	2879
			3085	3702	3729	3817	3927
			4508	4572	4673	4676	4956
			5011	5109	5247	5394	5534
			5777	6022	6143	6162	6289
AciI	C!CGC	49	59	87	99	113	280
			508	590	648	659	700
			829	832	916	919	985
			988	1030	1830	1995	2029
			2058	2690	2828	2930	3089
			3757	3760	3774	3864	4112
			4124	4133	4145	4155	4166
			4212	4351	4414	4916	4961
			5027	5053	5178	5181	5329
			5461	5768	5912	6408	
AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1924
			2954	4442	5144	5223	
AfaI	GT!AC	13	220	245	300	333	384
			541	1194	1930	2134	2422
			2572	2824	4748		
AflI	G!GWCC	5	1335	2088	2967	4958	5403
AflII	C!TTAAG	1	3324				
AflIII	A!CRYGT	1	6360				
AgeI	A!CCGGT	1	2358				
AhaI	CC!SGG	15	778	785	786	811	838
			1134	1135	1209	1812	1813
			2951	4446	4606	5219	5983
AhaII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1924
			2954	4442	5144	5223	
AhaIII	TTT!AAA	3	3144	5586	5605		
AluI	AG!CT	26	567	619	625	1250	1537
			1574	1710	1719	1731	1845
			1890	2391	2418	2564	2871
			3221	3388	3645	3940	4228
			4548	5006	5803	6060	6106
6196							
Alw44I	G!TGCAC	2	2457	6046			
AlwI	GGATCNNNN!	9	1503	2360	4310	4621	4867
			5259	5618	5716	5802	
AlwI	!NNNNNGATCC	9	581	657	1114	2347	2912
			4686	5230	5617	5714	
AlwNI	CAGNNN!CTG	4	1260	3044	5543	5951	
AocI	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554
AocII	GDGCH!C	29	621	792	900	1157	1216
			1400	1488	1529	1634	1677

			1685	1985	2074	2149	2165
			2318	2346	2434	2461	2494
			3071	3633	4388	4481	4555
			4745	4807	5517	6050	
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	2	1883	4544			
AosII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1924
			2954	4442	5144	5223	
ApaI	GGGCC!C	4	792	1400	1677	1685	
ApaLI	G!TGCAC	2	2457	6046			
ApoI	R!AATTY	4	630	3256	3360	3371	
ApyI	CC!WGG	32	91	284	759	1047	1267
			1481	1490	1657	1670	1679
			1807	1894	1957	2065	2092
			2180	2212	2302	2554	2602
			2698	2713	2842	3978	4033
			4050	4829	5408	5511	6201
			6214	6335			
AquI	C!YCGRG	7	614	784	1133	1391	1604
			1811	2139			
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp700I	GAANN!NNTTC	4	709	748	845	944	
Asp718I	G!GTACC	0					
AspHI	GWGCW!C	8	621	900	2149	2318	2461
			4555	4745	6050		
AspI	GACN!NNGTC	1	4560				
AsuI	G!GNCC	34	84	277	642	715	726
			755	788	789	807	1012
			1020	1335	1396	1397	1673
			1674	1681	1682	1809	1896
			2006	2088	2102	2527	2770
			2862	2883	2967	3549	4958
			5403	5449	5507	5540	
AsuII	TT!CGAA	2	628	5124			
AvaI	C!YCGRG	7	614	784	1133	1391	1604
			1811	2139			
AvaII	G!GWCC	5	1335	2088	2967	4958	5403
AvaIII	ATGCA!T	3	4014	4086	6417		
AviII	TGC!GCA	2	1883	4544			
AvrI	!CYCGRG	7	613	783	1132	1390	1603
			1810	2138			
AvrII	C!CTAGG	2	4264	5279			
AxyI	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554
BalI	TGG!CCA	3	1168	3037	4524		
BamHI	G!GATCC	1	2352				
BanI	G!GYRCC	11	466	780	907	1526	1923
			2071	2431	2491	3595	4441
			4476				
BanII	GRGCV!C	12	621	792	1400	1488	1677
			1685	1985	2165	2346	3633
			4807	5517			
BanIII	AT!CGAT	1	4282				
BbeI	GGCGC!C	2	1927	4445			
BbiII/AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1924
			2954	4442	5144	5223	
BbrPI	CAC!GTG	1	2313				
BbsI	!GTCTTC	0					

BbsI	!GAAGAC	2	840	2670				
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	16	1216	1632	1728	1740	1830	
			1854	1896	1899	2588	3030	
			3230	4515	4557	5078	5531	
			6031					
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	2278	2707	3724	4389	4573	
			4666	5732	5938	5941		
BbvII	GAAGACNN!	2	848	2678				
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	6	2589	2733	2784	2850	4868	
			5355					
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	5	1811	1912	3584	4402	5861	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	15	778	785	786	811	838	
			1134	1135	1209	1812	1813	
			2951	4446	4606	5219	5983	
BfaI	C!TAG	11	593	1837	2339	3056	3097	
			3291	3709	4265	5280	5614	
			5867					
BfrI	C!TTAAG	1	3324					
BglI	GCCNNNN!NGGC	7	91	213	284	815	1395	
			2846	4217				
BglII	A!GATCT	2	610	971				
BinI	!NNNNNGATCC	9	581	657	1114	2347	2912	
			4686	5230	5617	5714		
BinI	GGATCNNNN!	9	1503	2360	4310	4621	4867	
			5259	5618	5716	5802		
BlnI	C!CTAGG	2	4264	5279				
BmyI	GDGCH!C	29	621	792	900	1157	1216	
			1400	1488	1529	1634	1677	
			1685	1985	2074	2149	2165	
			2318	2346	2434	2461	2494	
			3071	3633	4388	4481	4555	
			4745	4807	5517	6050		
BpmI	!CTCCAG	5	1417	1435	1890	2709	5239	
BpmI	!CTGGAG	7	960	1480	1710	1914	1956	
			2064	5260				
Bpu1102I	GC!TNAGC	0						
BsaAI	YAC!GTR	4	341	2313	3558	4746		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	3104	4301				
BsaHI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1924	
			2954	4442	5144	5223		
BsaI	GGTCTCN!	1	681					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	2998	5431				
BsaJI	C!CNNGG	48	361	635	757	758	776	
			784	785	836	1045	1046	
			1133	1208	1231	1265	1392	
			1488	1668	1669	1677	1678	
			1805	1811	1893	1955	2009	
			2063	2140	2210	2300	2369	
			2465	2600	2601	2696	3976	
			4048	4171	4206	4215	4264	
			4605	4874	5279	5406	5407	
			5509	5510	6200			
BseAI	T!CCGGA	1	996					
BsePI	!GCGCGC	1	794					
BsgI	!GTGCAG	1	1608					

BsgI	!CTGCAC	0					
BsiEI	CGRY!CG	6	935	1791	2363	3089	4351
			6026				
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	45	50	672	723	759	784
			871	872	873	936	1164
			1207	1272	1592	1593	1611
			1656	1811	1812	2064	2067
			2068	2179	2305	2488	2601
			2767	2833	2976	3454	3780
			4172	4423	4967	5248	5280
			5281	5412	5447	5497	5498
			5529	5882	6161	6327	6345
BslI	CCNNNNN!NNGG	45	50	672	723	759	784
			871	872	873	936	1164
			1207	1272	1592	1593	1611
			1656	1811	1812	2064	2067
			2068	2179	2305	2488	2601
			2767	2833	2976	3454	3780
			4172	4423	4967	5248	5280
			5281	5412	5447	5497	5498
			5529	5882	6161	6327	6345
BsmAI	!GTCTC	3	429	653	675		
BsmAI	!GAGAC	6	2190	3003	3871	4289	5308
			5436				
BsmI	GAATGCN!	1	3193				
BsmI	G!CATTC	1	3286				
Bsp1286I	GDGCH!C	29	621	792	900	1157	1216
			1400	1488	1529	1634	1677
			1685	1985	2074	2149	2165
			2318	2346	2434	2461	2494
			3071	3633	4388	4481	4555
			4745	4807	5517	6050	
BspDI	AT!CGAT	1	4282				
BspEI	T!CCGGA	1	996				
BspHI	T!CATGA	2	3868	5640			
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	1876	1981	4710	5160	
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	4329				
BspMII	T!CCGGA	1	996				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	49	91	213	245	284	377
			401	694	787	796	815
			895	1395	1543	1608	1617
			1629	1716	1725	1734	1793
			1822	1831	1868	2153	2169
			2415	2846	3669	3699	3726
			3768	3770	4009	4081	4132
			4211	4217	4433	4517	4540
			4679	4685	4802	4885	5152
			5339	5543	5742	6314	
BsrFI	R!CCGGY	7	1638	2099	2358	3659	4761
			4942	5225			
BsrI	ACTGGN!	5	2981	3068	4386	4587	5833
BsrI	C!CAGT	10	296	1162	1190	1350	1438
			1875	3471	4149	5945	5958
BssHII	G!CGCGC	1	795				
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	5124			
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	2352				

BstNI	CC!WGG	32	91	284	759	1047	1267
			1481	1490	1657	1670	1679
			1807	1894	1957	2065	2092
			2180	2212	2302	2554	2602
			2698	2713	2842	3978	4033
			4050	4829	5408	5511	6201
			6214	6335			
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	18	61	661	797	1832	3091
			3366	3742	3762	3786	3817
			4508	4809	5247	5331	5394
			5463	5736	6317		
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	13	586	610	971	1495	2352
			2917	4613	4859	5251	5610
			5622	5708	5719		
Bsu36I	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554
CbiI	TT!CGAA	2	628	5124			
CcrI	C!TCGAG	1	614				
CelII	GC!TNAGC	0					
CfoI	GCG!C	30	598	797	799	957	1664
			1818	1834	1884	1926	2056
			3708	3716	3742	3764	3773
			3786	3817	4436	4444	4508
			4545	4811	5071	5247	5333
			5736	5845	6019	6119	6186
Cfr10I	R!CCGGY	7	1638	2099	2358	3659	4761
			4942	5225			
Cfr13I	G!GNCC	34	84	277	642	715	726
			755	788	789	807	1012
			1020	1335	1396	1397	1673
			1674	1681	1682	1809	1896
			2006	2088	2102	2527	2770
			2862	2883	2967	3549	4958
			5403	5449	5507	5540	
Cfr9I	C!CCGGG	3	784	1133	1811		
CfrI	Y!GGCCR	9	1166	1788	2181	3035	3086
			4348	4522	4913	4940	
ClaI	AT!CGAT	1	4282				
CpoI	CG!GWCCG	1	4958				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	5124			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	158	43	85	94	278	567
			619	625	643	682	688
			716	727	735	756	771
			790	809	1014	1021	1044
			1132	1168	1200	1207	1250
			1257	1276	1282	1289	1311
			1317	1323	1329	1365	1378
			1389	1398	1405	1417	1423
			1465	1486	1537	1556	1574
			1602	1642	1675	1683	1710
			1719	1731	1771	1790	1810
			1821	1825	1845	1890	1898
			1940	1983	2008	2020	2095
			2103	2163	2178	2183	2262
			2291	2344	2391	2418	2481
			2528	2557	2564	2642	2708
			2720	2771	2798	2806	2840

			2863	2871	2885	2995	3031
			3037	3088	3111	3221	3388
			3408	3550	3631	3645	3659
			3940	3981	4053	4176	4205
			4211	4220	4228	4251	4263
			4269	4350	4367	4375	4402
			4427	4511	4520	4524	4548
			4586	4662	4679	4698	4761
			4805	4815	4832	4915	4942
			4946	4983	5006	5022	5202
			5229	5290	5412	5451	5508
			5515	5522	5541	5552	5803
			5832	5875	5886	5951	6030
			6055	6060	6106	6196	6294
			6320	6338	6349		
CvnI	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554
DdeI	C!TNAG	20	607	1016	1283	1331	1427
			1448	1643	1754	2002	2159
			2174	2378	2636	2933	3922
			4224	5105	5554	5677	6086
DpnI	GA!TC	29	588	612	664	934	973
			1078	1121	1497	2354	2743
			2893	2919	3101	4281	4285
			4304	4615	4693	4774	4783
			4861	5237	5253	5612	5624
			5702	5710	5721	5796	
DpnII	!GATC	29	586	610	662	932	971
			1076	1119	1495	2352	2741
			2891	2917	3099	4279	4283
			4302	4613	4691	4772	4781
			4859	5235	5251	5610	5622
			5700	5708	5719	5794	
DraI	TTT!AAA	3	3144	5586	5605		
DraII	RG!GNCCY	10	788	1012	1020	1396	1397
			1673	1674	1681	1682	5540
DraIII	CACNNN!GTG	3	1629	3027	3558		
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	3513	4469	6258		
DsaI	C!CRYGG	6	361	635	2009	2369	4171
			4874				
DsaV	!CCNGG	47	89	282	757	776	783
			784	809	836	1045	1132
			1133	1207	1265	1479	1488
			1655	1668	1677	1805	1810
			1811	1892	1955	2063	2090
			2178	2210	2300	2552	2600
			2696	2711	2840	2949	3976
			4031	4048	4444	4604	4827
			5217	5406	5509	5981	6199
			6212	6333			
EaeI	Y!GGCCR	9	1166	1788	2181	3035	3086
			4348	4522	4913	4940	
EagI	C!GGCCG	3	1788	3086	4348		
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	1	1086				
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	2385	3913	4790	5000	
Ecl136II	GAG!CTC	1	619				
EclXI	C!GGCCG	3	1788	3086	4348		
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	1	681				

Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	2998	5431				
Eco47I	G!GWCC	5	1335	2088	2967	4958	5403	
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	3	1788	3086	4348			
Eco57I	!CTGAAG	4	1692	2865	4566	4998		
Eco57I	!CTTCAG	1	5832					
Eco81I	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554	
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	10	788	1012	1020	1396	1397	
			1673	1674	1681	1682	5540	
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	1	630					
EcoRII	!CCWGG	32	89	282	757	1045	1265	
			1479	1488	1655	1668	1677	
			1805	1892	1955	2063	2090	
			2178	2210	2300	2552	2600	
			2696	2711	2840	3976	4031	
			4048	4827	5406	5509	6199	
			6212	6333				
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWGGG	8	361	635	1231	2369	4171	
			4264	4874	5279			
EcoT22I	ATGCA!T	3	4014	4086	6417			
EcoT38I	GRGCY!C	12	621	792	1400	1488	1677	
			1685	1985	2165	2346	3633	
			4807	5517				
EheI	GGC!GCC	2	1925	4443				
Esp3I	CGTCTCN!	1	659					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	0						
FbaI	T!GATCA	0						
FinI	!GTCCC	7	1238	1352	2112	3972	4044	
			4108	5403				
FinI	!GGGAC	7	161	312	480	760	4578	
			5110	5219				
Fnu4HI	GC!NGC	49	641	832	919	988	1205	
			1621	1717	1729	1788	1819	
			1843	1885	1888	2292	2526	
			2577	2721	2838	3019	3086	
			3089	3219	3738	3760	3774	
			4212	4351	4403	4414	4504	
			4509	4546	4587	4674	4677	
			4680	4916	5012	5053	5067	
			5181	5520	5535	5746	5952	
			5955	6020	6163	6318		
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	6	889	1114	4309	4766	4791	
			5245					
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	6	1736	2448	2536	2593	2748	
			4115					
FspI	TGC!GCA	2	1883	4544				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	6	1782	2175	3080	4342	4907	
			4934					
GdiII	CGGCCRN!	3	1794	3092	4354			
GsuI	!CTCCAG	5	1417	1435	1890	2709	5239	
GsuI	!CTGGAG	7	960	1480	1710	1914	1956	
			2064	5260				
HaeI	WGG!CCW	10	1168	2020	2095	2806	3037	
			4263	4524	5886	6338	6349	
HaeII	RGC GC!Y	6	599	1927	3709	3717	4445	

			6120				
HaeIII	GG!CC	48	85	278	643	716	727
			756	790	809	1014	1021
			1168	1398	1675	1683	1790
			1810	1898	2008	2020	2095
			2103	2183	2528	2771	2806
			2840	2863	2885	2995	3037
			3088	3408	3550	4205	4211
			4220	4263	4350	4524	4915
			4942	5451	5508	5541	5886
			6320	6338	6349		
HapII	C!CGG	34	602	685	753	778	785
			810	838	997	1134	1208
			1273	1279	1414	1639	1812
			2100	2359	2951	3660	4347
			4424	4446	4474	4605	4695
			4762	4943	5218	5226	5318
			5792	5982	6008	6155	
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	5152	5231		
HgaI	!NNNNNNNNNGCGTC	4	2943	3775	5670	6248	
HgiAI	GWGCW!C	8	621	900	2149	2318	2461
			4555	4745	6050		
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	5772				
HhaI	GCG!C	30	598	797	799	957	1664
			1818	1834	1884	1926	2056
			3708	3716	3742	3764	3773
			3786	3817	4436	4444	4508
			4545	4811	5071	5247	5333
			5736	5845	6019	6119	6186
HinII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1924
			2954	4442	5144	5223	
HinPII	G!CGC	30	596	795	797	955	1662
			1816	1832	1882	1924	2054
			3706	3714	3740	3762	3771
			3784	3815	4434	4442	4506
			4543	4809	5069	5245	5331
			5734	5843	6017	6117	6184
HincII	GTY!RAC	2	1776	3205			
HindIII	A!AGCTT	1	623				
HinfI	G!ANTC	21	411	605	744	940	1081
			1443	1689	2507	2657	2984
			3093	3485	3507	3917	4927
			5061	5113	5171	5208	5990
			6386				
HpaI	GTT!AAC	1	3205				
HpaII	C!CGG	34	602	685	753	778	785
			810	838	997	1134	1208
			1273	1279	1414	1639	1812
			2100	2359	2951	3660	4347
			4424	4446	4474	4605	4695
			4762	4943	5218	5226	5318
			5792	5982	6008	6155	
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	1068	2763	5513	5629
HphI	!NNNNNNNTCACC	7	1569	1857	2017	2031	2652
			3559	4620			
KasI	G!GCGCC	2	1923	4441			
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	2381	3909	4786	4996	

KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	11	593 3291 5867	1837 3709	2339 4265	3056 5280	3097 5614
MaeII	A!CGT	17	123 445 3514 5526	135 2312 3557 5659	176 2735 3667	259 3011 4558	340 3502 4745
MaeIII	!GTNAC	19	62 1942 3230 5558	149 1966 3731 5824	498 2236 3743 5940	1440 2308 4562 6003	1502 2658 4868
MamI	GATNN!NNATC	2	3104	4301			
MboI	!GATC	29	586 1076 2891 4302 4859 5700	610 1119 2917 4613 5235 5708	662 1495 3099 4691 5251 5719	932 2352 4279 4772 5610 5794	971 2741 4283 4781 5622
MboII	GAAGANNNNNNNN!	10	717 3698	853 3926	2398 4803	2683 5013	2796 5632
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	966	5093	5260	5460	5703
McrI	!CGRYCG	6	931 6022	1787	2359	3085	4347
MfeI	!CAATTG	1	3191				
MflI	R!GATCY	13	586 2917 5622	610 4613 5708	971 4859 5719	1495 5251	2352 5610
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	3	1336	2763	3509		
MmeI	!GTYGGA	3	2320	5985	6169		
MnlI	CCTCNNNNNNN!	30	782 1001 1340 2085 3061 5043	866 1004 1416 2540 3161 5249	872 1101 1571 2719 3170 5563	935 1238 1577 2734 4225 5933	968 1268 1763 2950 4231 6257
MnlI	!NNNNNNNGAGG	46	541 959 1010 1750 2134 2480 2984 4194 4292 6182	884 992 1386 1910 2240 2513 3017 4200 4356	897 995 1585 1928 2267 2630 3120 4237 4492	929 998 1691 1996 2420 2739 3585 4240 4849	956 1002 1697 2060 2459 2795 3916 4252 5279
MroI	T!CCGGA	1	996				
MscI	TGG!CCA	3	1168	3037	4524		
MseI	T!TAA	18	8 3204 3380 5599	2396 3325 3397 5604	2621 3346 3495 5656	3077 3357 3766	3143 3369 5585
MspI	C!CGG	34	602 810 1273 2100 4424 4762	685 838 1279 2359 4446 4943	753 997 1414 2951 4474 5218	778 1134 1639 3660 4605 5226	785 1208 1812 4347 4695 5318

			5792	5982	6008	6155	
MstI	TGC!GCA	2	1883	4544			
MstII	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554
MunI	C!AATTG	1	3192				
MvaI	CC!WGG	32	91	284	759	1047	1267
			1481	1490	1657	1670	1679
			1807	1894	1957	2065	2092
			2180	2212	2302	2554	2602
			2698	2713	2842	3978	4033
			4050	4829	5408	5511	6201
			6214	6335			
MvnI	CG!CG	18	61	661	797	1832	3091
			3366	3742	3762	3786	3817
			4508	4809	5247	5331	5394
			5463	5736	6317		
NaeI	GCC!GGC	3	3661	4944	5227		
NarI	GG!CGCC	2	1924	4442			
NciI	CC!SGG	15	778	785	786	811	838
			1134	1135	1209	1812	1813
			2951	4446	4606	5219	5983
NcoI	C!CATGG	5	361	635	2369	4171	4874
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	29	586	610	662	932	971
			1076	1119	1495	2352	2741
			2891	2917	3099	4279	4283
			4302	4613	4691	4772	4781
			4859	5235	5251	5610	5622
			5700	5708	5719	5794	
NgoMI	G!CCGGC	3	3659	4942	5225		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	31	305	365	639	1110	1306
			1348	1746	2001	2172	2232
			2373	2409	2415	2427	2505
			2571	2651	2862	3872	4012
			4084	4175	4316	4661	4847
			4878	4904	5260	5644	6364
			6415				
NlaIV	GGN!NCC	43	468	644	683	728	782
			789	790	909	1022	1271
			1277	1398	1399	1418	1485
			1528	1557	1674	1675	1676
			1683	1684	1925	1982	2073
			2104	2354	2433	2493	2884
			3597	3618	3630	3821	3982
			4054	4443	4478	5326	5405
			5450	6293	6332		
NotI	GC!GGCCGC	1	3086				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	4014	4086	6417		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	6	2001	2409	4012	4084	4847
			6364				
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	5124			
NspBII	CMG!CKG	7	1719	1845	2830	3940	4548
			5777	6022			
NspII	GDGCH!C	29	621	792	900	1157	1216
			1400	1488	1529	1634	1677
			1685	1985	2074	2149	2165
			2318	2346	2434	2461	2494
			3071	3633	4388	4481	4555

			4745	4807	5517	6050	
NspIII	C!YCGRG	7	614	784	1133	1391	1604
			1811	2139			
NspIV	G!GNCC	34	84	277	642	715	726
			755	788	789	807	1012
			1020	1335	1396	1397	1673
			1674	1681	1682	1809	1896
			2006	2088	2102	2527	2770
			2862	2883	2967	3549	4958
			5403	5449	5507	5540	
NunII	GG!CGCC	2	1924	4442			
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	614				
PalI	GG!CC	48	85	278	643	716	727
			756	790	809	1014	1021
			1168	1398	1675	1683	1790
			1810	1898	2008	2020	2095
			2103	2183	2528	2771	2806
			2840	2863	2885	2995	3037
			3088	3408	3550	4205	4211
			4220	4263	4350	4524	4915
			4942	5451	5508	5541	5886
			6320	6338	6349		
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	2976				
PleI	GAGTCNNNN!	3	2665	3493	3925		
PleI	!NNNNNGACTC	9	405	599	1075	1437	1683
			3087	3501	5107	5984	
PmaCI	CAC!GTG	1	2313				
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	1	2313				
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	1	3010				
PstI	CTGCA!G	1	1206				
PvuI	CGAT!CG	1	935				
PvuII	CAG!CTG	4	1719	1845	3940	4548	
RmaI	C!TAG	11	593	1837	2339	3056	3097
			3291	3709	4265	5280	5614
			5867				
RsaI	GT!AC	13	220	245	300	333	384
			541	1194	1930	2134	2422
			2572	2824	4748		
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	4958				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	0					
SalI	G!TCGAC	0					
Sau3AI	!GATC	29	586	610	662	932	971
			1076	1119	1495	2352	2741
			2891	2917	3099	4279	4283
			4302	4613	4691	4772	4781
			4859	5235	5251	5610	5622
			5700	5708	5719	5794	
Sau96I	G!GNCC	34	84	277	642	715	726
			755	788	789	807	1012
			1020	1335	1396	1397	1673
			1674	1681	1682	1809	1896
			2006	2088	2102	2527	2770
			2862	2883	2967	3549	4958
			5403	5449	5507	5540	

SauI	CC!TNAGG	5	1016	1331	2636	3922	5554
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	47	91	284	759	778	785
			786	811	838	1047	1134
			1135	1209	1267	1481	1490
			1657	1670	1679	1807	1812
			1813	1894	1957	2065	2092
			2180	2212	2302	2554	2602
			2698	2713	2842	2951	3978
			4033	4050	4446	4606	4829
			5219	5408	5511	5983	6201
			6214	6335			
SduI	GDGCH!C	29	621	792	900	1157	1216
			1400	1488	1529	1634	1677
			1685	1985	2074	2149	2165
			2318	2346	2434	2461	2494
			3071	3633	4388	4481	4555
			4745	4807	5517	6050	
SecI	C!CNNGG	48	361	635	757	758	776
			784	785	836	1045	1046
			1133	1208	1231	1265	1392
			1488	1668	1669	1677	1678
			1805	1811	1893	1955	2009
			2063	2140	2210	2300	2369
			2465	2600	2601	2696	3976
			4048	4171	4206	4215	4264
			4605	4874	5279	5406	5407
			5509	5510	6200		
SexI	!CTCGAG	1	613				
SfaNI	GCATC>NNNN!	8	1758	2615	3258	4021	4093
			4741	4805	5080		
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	10	358	876	1783	2768	2807
			2936	4400	4655	4871	6263
SfcI	C!TRYAG	5	1202	1908	3777	5904	6095
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	4217				
SfuI	TT!CGAA	2	628	5124			
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	5	1335	2088	2967	4958	5403
SmaI	CCC!GGG	3	786	1135	1813		
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	2457	6046			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	2001	4012	4084	4847	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	1	1813				
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	3350	3903			
SstI	GAGCT!C	1	621				
SstII	CCGC!GG	0					
SstIII	!ACGT	17	122	134	175	258	339
			444	2311	2734	3010	3501
			3513	3556	3666	4557	4744
			5525	5658			
StuI	AGG!CCT	2	2020	4263			
StyI	C!CWWGG	8	361	635	1231	2369	4171
			4264	4874	5279		
StySJI	!GAGNNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	1	1218				

SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	19	615	628	935	1079	2269	
			2519	2546	3014	3591	4282	
			4555	4711	4735	4771	4933	
			5124	5169	5424	6262		
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	3462	4479	5147			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	2	663	5391				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	3	1399	2509	2614			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	4346	4938			
TfiI	G!AWTC	9	744	940	2507	2984	4927	
			5061	5171	5208	6386		
ThaI	CG!CG	18	61	661	797	1832	3091	
			3366	3742	3762	3786	3817	
			4508	4809	5247	5331	5394	
			5463	5736	6317			
Tsp45I	!GTSAC	7	1440	1502	2308	2658	3731	
			4562	4868				
TspEI	!AATT	13	19	630	1519	3078	3192	
			3256	3334	3360	3371	4018	
			4090	4182	5600			
Tth111I	GACN!NNGTC	1	4560					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	2	2143	5769				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	4877	5737	5776			
TthHB8I	T!CGA	19	615	628	935	1079	2269	
			2519	2546	3014	3591	4282	
			4555	4711	4735	4771	4933	
			5124	5169	5424	6262		
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	2976					
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	3096					
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	4717					
XcyI	C!CCGGG	3	784	1133	1811			
XhoI	C!TCGAG	1	614					
XhoII	R!GATCY	13	586	610	971	1495	2352	
			2917	4613	4859	5251	5610	
			5622	5708	5719			
XmaI	C!CCGGG	3	784	1133	1811			
XmaIII	C!GGCCG	3	1788	3086	4348			
XmnI	GAANN!NNTTC	4	709	748	845	944		
XorII	CGAT!CG	1	935					