

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2567				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	646				
AccI	GT!MKAC	1	641				
AccII	CG!CG	16	61	652	1395	1670	2046
			2066	2090	2121	2812	3113
			3551	3635	3698	3767	4040
			4621				
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	28	371	404	529	652	834
			1146	1188	1389	2006	2033
			2121	2231	2812	2876	2977
			2980	3260	3315	3413	3551
			3698	3838	4081	4326	4447
			4466	4593	4621		
AciI	C!CGC	36	59	87	99	113	280
			508	590	650	999	1137
			1239	1393	2061	2064	2078
			2168	2416	2428	2437	2449
			2459	2470	2516	2655	2718
			3220	3265	3331	3357	3482
			3485	3633	3765	4072	4216
			4712				
AcyI	GR!CGYC	7	123	176	259	445	2746
			3448	3527			
AfaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	648	731	881	1133
			1352	3052			
AflI	G!GWCC	3	1276	3262	3707		
AflII	C!TTAAG	1	1628				
AflIII	A!CRYGT	1	4664				
AgeI	A!CCGGT	1	667				
AhaI	CC!SGG	7	658	659	1260	2750	2910
			3523	4287			
AhaII	GR!CGYC	7	123	176	259	445	2746
			3448	3527			
AhaIII	TTT!AAA	3	1448	3890	3909		
AluI	AG!CT	18	567	619	625	700	873
			1180	1383	1525	1692	1949
			2244	2532	2852	3310	4107
			4364	4410	4500		
Alw44I	G!TGCAC	2	766	4350			
AlwI	GGATCNNNN!	8	669	2614	2925	3171	3563
			3922	4020	4106		
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1221	2990	3534
			3921	4018			
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3847	4255			
AocI	CC!TNAGG	3	945	2226	3858		
AocII	GDGCH!C	14	621	658	743	770	803
			1380	1937	2692	2785	2859
			3049	3111	3821	4354	
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	2848				
AosII	GR!CGYC	7	123	176	259	445	2746
			3448	3527			
ApaI	GGGCC!C	1	658				

ApaI	G!TGCAC	2	766	4350				
ApoI	R!AATTY	4	630	1560	1664	1675		
ApyI	CC!WGG	14	91	284	863	911	1007	
			2282	2337	2354	3133	3712	
			3815	4505	4518	4639		
AquI	C!YCGRG	2	614	657				
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	0						
Asp718I	G!GTACC	1	646					
AspHI	GWGCW!C	5	621	770	2859	3049	4354	
AspI	GACN!NNGTC	1	2864					
AsuI	G!GNCC	14	84	277	654	655	836	
			1079	1171	1276	1853	3262	
			3707	3753	3811	3844		
AsuII	TT!CGAA	2	628	3428				
AvaI	C!YCGRG	2	614	657				
AvaII	G!GWCC	3	1276	3262	3707			
AvaIII	ATGCA!T	3	2318	2390	4721			
AviII	TGC!GCA	1	2848					
AvrI	!CYCGRG	2	613	656				
AvrII	C!CTAGG	2	2568	3583				
AxyI	CC!TNAGG	3	945	2226	3858			
BalI	TGG!CCA	3	1164	1346	2828			
BamHI	G!GATCC	1	661					
BanI	G!GYRCC	7	466	646	740	800	1899	
			2745	2780				
BanII	GRGCY!C	5	621	658	1937	3111	3821	
BanIII	AT!CGAT	1	2586					
BbeI	GGCGC!C	1	2749					
BbiII/AcyI	GR!CGYC	7	123	176	259	445	2746	
			3448	3527				
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	1	979					
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	897	1339	1534	2819	2861	
			3382	3835	4335			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	8	1016	2028	2693	2877	2970	
			4036	4242	4245			
BbvII	GAAGACNN!	1	987					
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	5	898	1042	1093	3172	3659	
BcefI	!NNNNNNNNNNNNGCCGT	3	1888	2706	4165			
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	1	702					
BcnI	CC!SGG	7	658	659	1260	2750	2910	
			3523	4287				
BfaI	C!TAG	9	593	1365	1401	1595	2013	
			2569	3584	3918	4171		
BfrI	C!TTAAG	1	1628					
BglI	GCCNNNN!NGGC	5	91	213	284	1155	2521	
BglII	A!GATCT	1	610					
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1221	2990	3534	
			3921	4018				
BinI	GGATCNNNN!	8	669	2614	2925	3171	3563	
			3922	4020	4106			
BlnI	C!CTAGG	2	2568	3583				

BmyI	GDGCH!C	14	621	658	743	770	803
			1380	1937	2692	2785	2859
			3049	3111	3821	4354	
BpmI	!CTCCAG	2	1018	3543			
BpmI	!CTGGAG	1	3564				
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	3	341	1862	3050		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	1408	2605			
BsaHI	GR!CGYC	7	123	176	259	445	2746
			3448	3527			
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1307	3735			
BsaJI	C!CNNGG	23	361	650	657	678	774
			909	910	1005	1159	2280
			2352	2475	2510	2519	2568
			2909	3178	3583	3710	3711
			3813	3814	4504		
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	1	1198				
BsiEI	CGRY!CG	4	672	1393	2655	4330	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	23	50	797	910	1076	1273
			1285	1758	2084	2476	2727
			3271	3552	3584	3585	3716
			3751	3801	3802	3833	4186
			4465	4631	4649		
BslI	CCNNNNN!NNGG	23	50	797	910	1076	1273
			1285	1758	2084	2476	2727
			3271	3552	3584	3585	3716
			3751	3801	3802	3833	4186
			4465	4631	4649		
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	1312	2175	2593	3612	3740
BsmI	GAATGCN!	1	1497				
BsmI	G!CATTC	1	1590				
Bsp1286I	GDGCH!C	14	621	658	743	770	803
			1380	1937	2692	2785	2859
			3049	3111	3821	4354	
BspDI	AT!CGAT	1	2586				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	2172	3944			
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	1206	3014	3464		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2633				
BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	30	91	213	245	284	377
			401	1155	1389	1973	2003
			2030	2072	2074	2313	2385
			2436	2515	2521	2737	2821
			2844	2983	2989	3106	3189
			3456	3643	3847	4046	4618
BsrFI	R!CCGGY	5	667	1963	3065	3246	3529
BsrI	ACTGGN!	5	1290	1377	2690	2891	4137
BsrI	C!CAGT	5	296	1775	2453	4249	4262
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	3428			
BstEII	G!GTNACC	0					

BstI	G!GATCC	1	661					
BstNI	CC!WGG	14	91	284	863	911	1007	
			2282	2337	2354	3133	3712	
			3815	4505	4518	4639		
BstPI	G!GTNACC	0						
BstUI	CG!CG	16	61	652	1395	1670	2046	
			2066	2090	2121	2812	3113	
			3551	3635	3698	3767	4040	
			4621					
BstXI	CCANNNNN!NTGG	1	682					
BstYI	R!GATCY	11	586	610	661	1226	2917	
			3163	3555	3914	3926	4012	
			4023					
Bsu36I	CC!TNAGG	3	945	2226	3858			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3428				
CcrI	C!TCGAG	1	614					
CelII	GC!TNAGC	0						
CfoI	GCG!C	21	598	2012	2020	2046	2068	
			2077	2090	2121	2740	2748	
			2812	2849	3115	3375	3551	
			3637	4040	4149	4323	4423	
			4490					
Cfr10I	R!CCGGY	5	667	1963	3065	3246	3529	
Cfr13I	G!GNCC	14	84	277	654	655	836	
			1079	1171	1276	1853	3262	
			3707	3753	3811	3844		
Cfr9I	C!CCGGG	1	657					
CfrI	Y!GGCCR	7	1162	1344	1390	2652	2826	
			3217	3244				
ClaI	AT!CGAT	1	2586					
CpoI	CG!GWCCG	1	3262					
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3428				
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	98	43	85	94	278	567	
			619	625	656	700	790	
			837	866	873	893	951	
			1017	1029	1080	1107	1115	
			1149	1158	1164	1172	1180	
			1194	1263	1304	1340	1346	
			1383	1392	1415	1525	1692	
			1712	1854	1935	1949	1963	
			2244	2285	2357	2480	2509	
			2515	2524	2532	2555	2567	
			2573	2654	2671	2679	2706	
			2731	2815	2824	2828	2852	
			2890	2966	2983	3002	3065	
			3109	3119	3136	3219	3246	
			3250	3287	3310	3326	3506	
			3533	3594	3716	3755	3812	
			3819	3826	3845	3856	4107	
			4136	4179	4190	4255	4334	
			4359	4364	4410	4500	4598	
			4624	4642	4653			
CvnI	CC!TNAGG	3	945	2226	3858			
DdeI	C!TNAG	10	607	945	1151	1242	2226	
			2528	3409	3858	3981	4390	
DpnI	GA!TC	24	588	612	663	704	818	
			1052	1228	1405	2585	2589	
			2608	2919	2997	3078	3087	

			3165	3541	3557	3916	3928
			4006	4014	4025	4100	
DpnII	!GATC	24	586	610	661	702	816
			1050	1226	1403	2583	2587
			2606	2917	2995	3076	3085
			3163	3539	3555	3914	3926
			4004	4012	4023	4098	
DraI	TTT!AAA	3	1448	3890	3909		
DraII	RG!GNCCY	1	3844				
DraIII	CACNNN!GTG	2	1273	1862			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1817	2773	4562		
DsaI	C!CRYGG	6	361	650	678	1159	2475
			3178				
DsaV	!CCNGG	21	89	282	656	657	861
			909	1005	1258	2280	2335
			2352	2748	2908	3131	3521
			3710	3813	4285	4503	4516
			4637				
EaeI	Y!GGCCR	7	1162	1344	1390	2652	2826
			3217	3244			
EagI	C!GGCCG	2	1390	2652			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	3	2217	3094	3304		
Ecl136II	GAG!CTC	1	619				
EclXI	C!GGCCG	2	1390	2652			
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1307	3735			
Eco47I	G!GWCC	3	1276	3262	3707		
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	2	1390	2652			
Eco57I	!CTGAAG	3	1174	2870	3302		
Eco57I	!CTTCAG	1	4136				
Eco81I	CC!TNAGG	3	945	2226	3858		
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3844				
EcoO65I	G!GTNACC	0					
EcoRI	G!AATTC	1	630				
EcoRII	!CCWGG	14	89	282	861	909	1005
			2280	2335	2352	3131	3710
			3813	4503	4516	4637	
EcoRV	GAT!ATC	0					
EcoT14I	C!CWGGG	7	361	678	1159	2475	2568
			3178	3583			
EcoT22I	ATGCA!T	3	2318	2390	4721		
EcoT38I	GRGCY!C	5	621	658	1937	3111	3821
EheI	GGC!GCC	1	2747				
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	0					
FbaI	T!GATCA	1	702				
FinI	!GTCCC	4	2276	2348	2412	3707	
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	2882	3414
			3523				
Fnu4HI	GC!NGC	35	835	886	1030	1147	1328
			1390	1393	1523	2042	2064
			2078	2516	2655	2707	2718
			2808	2813	2850	2891	2978

			2981	2984	3220	3316	3357
			3371	3485	3824	3839	4050
			4256	4259	4324	4467	4622
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	4	2613	3070	3095	3549	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	757	845	902	1057	2419
FspI	TGC!GCA	1	2848				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	1384	2646	3211	3238	
GdiII	CGGCCRN!	2	1396	2658			
GsuI	!CTCCAG	2	1018	3543			
GsuI	!CTGGAG	1	3564				
HaeI	WGG!CCW	9	1115	1158	1164	1346	2567
			2828	4190	4642	4653	
HaeII	RGCGC!Y	5	599	2013	2021	2749	4424
HaeIII	GG!CC	30	85	278	656	837	1080
			1115	1149	1158	1164	1172
			1304	1346	1392	1712	1854
			2509	2515	2524	2567	2654
			2828	3219	3246	3755	3812
			3845	4190	4624	4642	4653
HapII	C!CGG	20	602	658	668	1260	1964
			2651	2728	2750	2778	2909
			2999	3066	3247	3522	3530
			3622	4096	4286	4312	4459
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3456	3535		
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2079	3974	4552		
HgiAI	GWGCW!C	5	621	770	2859	3049	4354
HgiEII	!ACNNNNNNNGGT	2	676	4076			
HhaI	GCG!C	21	598	2012	2020	2046	2068
			2077	2090	2121	2740	2748
			2812	2849	3115	3375	3551
			3637	4040	4149	4323	4423
			4490				
Hin1I	GR!CGYC	7	123	176	259	445	2746
			3448	3527			
HinP1I	G!CGC	21	596	2010	2018	2044	2066
			2075	2088	2119	2738	2746
			2810	2847	3113	3373	3549
			3635	4038	4147	4321	4421
			4488				
HincII	GTY!RAC	2	642	1509			
HindIII	A!AGCTT	1	623				
HinfI	G!ANTC	15	411	605	966	1293	1397
			1789	1811	2221	3231	3365
			3417	3475	3512	4294	4690
HpaI	GTT!AAC	1	1509				
HpaII	C!CGG	20	602	658	668	1260	1964
			2651	2728	2750	2778	2909
			2999	3066	3247	3522	3530
			3622	4096	4286	4312	4459
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	698	1072	3817	3933
HphI	!NNNNNNNTCACC	4	697	961	1863	2924	
KasI	G!GCGCC	1	2745				
KpnI	GGTAC!C	1	650				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	2213	3090	3300		
KspI	CCGC!GG	1	653				
MaeI	C!TAG	9	593	1365	1401	1595	2013
			2569	3584	3918	4171	
MaeII	A!CGT	16	123	135	176	259	340

			445	1044	1320	1806	1818
			1861	1971	2862	3049	3830
			3963				
MaeIII	!GTNAC	12	62	149	498	1534	2035
			2047	2866	3172	3862	4128
			4244	4307			
MamI	GATNN!NNATC	2	1408	2605			
MboI	!GATC	24	586	610	661	702	816
			1050	1226	1403	2583	2587
			2606	2917	2995	3076	3085
			3163	3539	3555	3914	3926
			4004	4012	4023	4098	
MboII	GAAGANNNNNNNN!	8	826	992	1105	2002	2230
			3107	3317	3936		
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3397	3564	3764	4007	
McrI	!CGRYCG	4	668	1389	2651	4326	
MfeI	!CAATTG	1	1495				
MflI	R!GATCY	11	586	610	661	1226	2917
			3163	3555	3914	3926	4012
			4023				
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	2	1072	1813			
MmeI	!GTYGGA	2	4289	4473			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	15	849	1028	1043	1220	1259
			1370	1465	1474	2529	2535
			3347	3553	3867	4237	4561
MnlI	!NNNNNNNGAGG	24	541	681	729	768	789
			822	939	1104	1147	1293
			1424	1889	2220	2498	2504
			2541	2544	2556	2596	2660
			2796	3153	3583	4486	
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	3	1164	1346	2828		
MseI	T!TAA	16	8	930	1447	1508	1629
			1650	1661	1673	1684	1701
			1799	2070	3889	3903	3908
			3960				
MspI	C!CGG	20	602	658	668	1260	1964
			2651	2728	2750	2778	2909
			2999	3066	3247	3522	3530
			3622	4096	4286	4312	4459
MstI	TGC!GCA	1	2848				
MstII	CC!TNAGG	3	945	2226	3858		
MunI	C!AATTG	1	1496				
MvaI	CC!WGG	14	91	284	863	911	1007
			2282	2337	2354	3133	3712
			3815	4505	4518	4639	
MvnI	CG!CG	16	61	652	1395	1670	2046
			2066	2090	2121	2812	3113
			3551	3635	3698	3767	4040
			4621				
NaeI	GCC!GGC	3	1965	3248	3531		
NarI	GG!CGCC	1	2746				
NciI	CC!SGG	7	658	659	1260	2750	2910
			3523	4287			
NcoI	C!CATGG	5	361	678	1159	2475	3178
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	24	586	610	661	702	816
			1050	1226	1403	2583	2587

			2606	2917	2995	3076	3085
			3163	3539	3555	3914	3926
			4004	4012	4023	4098	
NgoMI	G!CCGGC	3	1963	3246	3529		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	23	305	365	682	718	724
			736	814	880	960	1163
			2176	2316	2388	2479	2620
			2965	3151	3182	3208	3564
			3948	4668	4719		
NlaIV	GGN!NCC	19	468	648	656	663	742
			802	1901	1922	1934	2125
			2286	2358	2747	2782	3630
			3709	3754	4597	4636	
NotI	GC!GGCCGC	1	1390				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2318	2390	4721		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	718	2316	2388	3151	4668
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3428			
NspBII	CMG!CKG	8	652	1139	1146	1383	2244
			2852	4081	4326		
NspII	GDGCH!C	14	621	658	743	770	803
			1380	1937	2692	2785	2859
			3049	3111	3821	4354	
NspIII	C!YCGRG	2	614	657			
NspIV	G!GNCC	14	84	277	654	655	836
			1079	1171	1276	1853	3262
			3707	3753	3811	3844	
NunII	GG!CGCC	1	2746				
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	614				
PalI	GG!CC	30	85	278	656	837	1080
			1115	1149	1158	1164	1172
			1304	1346	1392	1712	1854
			2509	2515	2524	2567	2654
			2828	3219	3246	3755	3812
			3845	4190	4624	4642	4653
PflMI	CCANNNN!NTGG	2	1273	1285			
PleI	GAGTCNNNN!	2	1797	2229			
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	599	1391	1805	3411
			4288				
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1319				
PstI	CTGCA!G	1	639				
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	3	1383	2244	2852		
RmaI	C!TAG	9	593	1365	1401	1595	2013
			2569	3584	3918	4171	
RsaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	648	731	881	1133
			1352	3052			
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	3262				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	1	653				
SalI	G!TCGAC	1	640				

Sau3AI	!GATC	24	586 1050 2606 3163 4004	610 1226 2917 3539 4012	661 1403 2995 3555 4023	702 2583 3076 3914 4098	816 2587 3085 3926
Sau96I	G!GNCC	14	84 1079 3707	277 1171 3753	654 1276 3811	655 1853 3844	836 3262
SauI	CC!TNAGG	3	945	2226	3858		
ScaI	AGT!ACT	1	1352				
ScrFI	CC!NGG	21	91 911 2354 3712 4639	284 1007 2750 3815	658 1260 2910 4287	659 2282 3133 4505	863 2337 3523 4518
SduI	GDGCH!C	14	621 1380 3049	658 1937 3111	743 2692 3821	770 2785 4354	803 2859
SecI	C!CNNGG	23	361 909 2352 2909 3813	650 910 2475 3178 3814	657 1005 2510 3583 4504	678 1159 2519 3710	774 2280 2568 3711
SexI	!CTCGAG	1	613				
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	924 3109	1562 3384	2325	2397	3045
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	9	358 2704	1077 2959	1116 3175	1245 4567	1376
SfcI	C!TRYAG	4	635	2081	4208	4399	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	2	1155	2521			
SfuI	TT!CGAA	2	628	3428			
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	3	1276	3262	3707		
SmaI	CCC!GGG	1	659				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	766	4350			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	3	2316	2388	3151		
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	1654	2207			
SstI	GAGCT!C	1	621				
SstII	CCGC!GG	1	653				
SstIII	!ACGT	16	122 444 1860 3962	134 1043 1970	175 1319 2861	258 1805 3048	339 1817 3829
StuI	AGG!CCT	1	2567				
StyI	C!CWGGG	7	361 3178	678 3583	1159	2475	2568
StySJI	!GAGNNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	2	1200	1350			
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	17	615 1323 3039 3728	628 1895 3075 4566	641 2586 3237	828 2859 3428	855 3015 3473

TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	1766	2783	3451			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3695					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	2	818	923				
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	4	173	674	2650	3242		
TfiI	G!AWTC	7	966	1293	3231	3365	3475	
			3512	4690				
ThaI	CG!CG	16	61	652	1395	1670	2046	
			2066	2090	2121	2812	3113	
			3551	3635	3698	3767	4040	
			4621					
Tsp45I	!GTSAC	3	2035	2866	3172			
TspEI	!AATT	11	19	630	1496	1560	1638	
			1664	1675	2322	2394	2486	
			3904					
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2864					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4073					
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3181	4041	4080			
TthHB8I	T!CGA	17	615	628	641	828	855	
			1323	1895	2586	2859	3015	
			3039	3075	3237	3428	3473	
			3728	4566				
Van91I	CCANNNN!NTGG	2	1273	1285				
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	1400					
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	3021					
XcyI	C!CCGGG	1	657					
XhoI	C!TCGAG	1	614					
XhoII	R!GATCY	11	586	610	661	1226	2917	
			3163	3555	3914	3926	4012	
			4023					
XmaI	C!CCGGG	1	657					
XmaIII	C!GGCCG	2	1390	2652				
XmnI	GAANN!NNTTC	0						
XorII	CGAT!CG	0						