

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2694				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	646				
AccI	GT!MKAC	1	641				
AccII	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287
			1522	1797	2173	2193	2217
			2248	2939	3240	3678	3762
			3825	3894	4167	4748	
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	34	371	404	529	652	696
			768	771	903	942	981
			1188	1409	1415	1461	2133
			2160	2248	2358	2939	3003
			3104	3107	3387	3442	3540
			3678	3825	3965	4208	4453
			4574	4593	4720	4748	
AciI	C!CGC	44	59	87	99	113	280
			508	590	650	705	724
			796	958	1009	1024	1099
			1165	1282	1285	1403	1520
			2188	2191	2205	2295	2543
			2555	2564	2576	2586	2597
			2643	2782	2845	3347	3392
			3458	3484	3609	3612	3760
			3892	4199	4343	4839	
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828
			2873	3575	3654		
AfaI	GT!AC	10	220	245	300	333	384
			541	648	971	1331	3179
AflI	G!GWCC	3	1468	3389	3834		
AflII	C!TTAAG	1	1755				
AflIII	A!CRYGT	1	4791				
AgeI	A!CCGGT	1	667				
AhaI	CC!SGG	7	658	659	1352	2877	3037
			3650	4414			
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828
			2873	3575	3654		
AhaIII	TTT!AAA	3	1575	4017	4036		
AluI	AG!CT	20	567	619	625	760	999
			1005	1158	1200	1315	1652
			1819	2076	2371	2659	2979
			3437	4234	4491	4537	4627
Alw44I	G!TGCAC	1	4477				
AlwI	GGATCNNNN!	11	669	1305	1508	1521	2741
			3052	3298	3690	4049	4147
			4233				
AlwI	!NNNNNGATCC	6	581	656	3117	3661	4048
			4145				
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3974	4382			
AocI	CC!TNAGG	2	2353	3985			
AocII	GDGCH!C	16	621	658	782	821	1055
			1122	1268	1453	2064	2819
			2912	2986	3176	3238	3948
			4481				
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	2975				

AosII	GR!CGYC	8	123 2873	176 3575	259 3654	445	828
ApaI	GGGCC!C	2	658	1268			
ApaLI	G!TGCAC	1	4477				
ApoI	R!AATTY	4	630	1687	1791	1802	
ApyI	CC!WGG	12	91 2481 4645	284 3260 4766	1454 3839	2409 3942	2464 4632
AquI	C!YCGRG	5	614	657	785	1064	1380
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	917				
Asp718I	G!GTACC	1	646				
AspHI	GWGCW!C	6	621 4481	821	1122	2986	3176
AspI	GACN!NNGTC	1	2991				
AsuI	G!GNCC	14	84 1264 3834	277 1265 3880	654 1468 3938	655 1980 3971	793 3389
AsuII	TT!CGAA	2	628	3555			
AvaI	C!YCGRG	5	614	657	785	1064	1380
AvaII	G!GWCC	3	1468	3389	3834		
AvaIII	ATGCA!T	3	2445	2517	4848		
AviII	TGC!GCA	1	2975				
AvrI	!CYCGRG	5	613	656	784	1063	1379
AvrII	C!CTAGG	2	2695	3710			
AxyI	CC!TNAGG	2	2353	3985			
BalI	TGG!CCA	1	2955				
BamHI	G!GATCC	1	661				
BanI	G!GYRCC	10	466 890	646 1052	734 2026	779 2872	827 2907
BanII	GRGCV!C	6	621 3948	658	1268	2064	3238
BanIII	AT!CGAT	1	2713				
BbeI	GGCGC!C	2	831	2876			
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123 2873	176 3575	259 3654	445	828
BbrPI	CAC!GTG	2	862	994			
BbsI	!GTCTTC	0					
BbsI	!GAAGAC	0					
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	9	1113 2988	1167 3509	1493 3962	1661 4462	2946
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	975 3097	1422 4163	2155 4369	2820 4372	3004
BbvII	GAAGACNN!	0					
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	760 3299	889 3786	955	994	1201
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	2015	2833	4292		
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0					
BclI	T!GATCA	0					
BcnI	CC!SGG	7	658 3650	659 4414	1352	2877	3037
BfaI	C!TAG	9	593 2696	1497 3711	1528 4045	1722 4298	2140
BfrI	C!TTAAG	1	1755				
BglI	GCCNNNN!NGGC	4	91	213	284	2648	

BglII	A!GATCT	2	610	1376				
BinI	!NNNNNGATCC	6	581	656	3117	3661	4048	
			4145					
BinI	GGATCNNNN!	11	669	1305	1508	1521	2741	
			3052	3298	3690	4049	4147	
			4233					
BlnI	C!CTAGG	2	2695	3710				
BmyI	GDGCH!C	16	621	658	782	821	1055	
			1122	1268	1453	2064	2819	
			2912	2986	3176	3238	3948	
			4481					
BpmI	!CTCCAG	1	3670					
BpmI	!CTGGAG	1	3691					
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	854					
BsaAI	YAC!GTR	5	341	862	994	1989	3177	
BsaBI	GATNN!NNATC	3	1143	1535	2732			
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828	
			2873	3575	3654			
BsaI	GGTCTCN!	0						
BsaI	!NNNNNGAGACC	1	3862					
BsaJI	C!CNNGG	26	361	650	657	678	708	
			1065	1113	1131	1203	1350	
			1393	1452	2407	2479	2602	
			2637	2646	2695	3036	3305	
			3710	3837	3838	3940	3941	
			4631					
BseAI	T!CCGGA	0						
BsePI	!GCGCGC	0						
BsgI	!GTGCAG	0						
BsgI	!CTGCAC	3	922	988	1123			
BsiEI	CGRY!CG	5	672	1024	1520	2782	4457	
BsiWI	C!GTACG	0						
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	25	50	790	791	865	1015	
			1288	1291	1408	1885	2211	
			2603	2854	3398	3679	3711	
			3712	3843	3878	3928	3929	
			3960	4313	4592	4758	4776	
BslI	CCNNNNN!NNGG	25	50	790	791	865	1015	
			1288	1291	1408	1885	2211	
			2603	2854	3398	3679	3711	
			3712	3843	3878	3928	3929	
			3960	4313	4592	4758	4776	
BsmAI	!GTCTC	1	429					
BsmAI	!GAGAC	4	2302	2720	3739	3867		
BsmI	GAATGCN!	1	1624					
BsmI	G!CATTC	1	1717					
Bsp1286I	GDGCH!C	16	621	658	782	821	1055	
			1122	1268	1453	2064	2819	
			2912	2986	3176	3238	3948	
			4481					
BspDI	AT!CGAT	1	2713					
BspEI	T!CCGGA	0						
BspHI	T!CATGA	2	2299	4071				
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	858	1131	3141	3591		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2760					
BspMII	T!CCGGA	0						
BspWI	GCNNNNN!NNGC	39	91	213	245	284	377	
			401	693	732	777	825	
			1032	1164	1173	1188	1197	

			1415	1487	2100	2130	2157
			2199	2201	2440	2512	2563
			2642	2648	2864	2948	2971
			3110	3116	3233	3316	3583
			3770	3974	4173	4745	
BsrFI	R!CCGGY	10	667	731	1019	1055	1364
			1405	2090	3192	3373	3656
BsrI	ACTGGN!	3	2817	3018	4264		
BsrI	C!CAGT	5	296	1902	2580	4376	4389
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	3555			
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	661				
BstNI	CC!WGG	12	91	284	1454	2409	2464
			2481	3260	3839	3942	4632
			4645	4766			
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287
			1522	1797	2173	2193	2217
			2248	2939	3240	3678	3762
			3825	3894	4167	4748	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	11	586	610	661	1376	3044
			3290	3682	4041	4053	4139
			4150				
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2353	3985			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3555			
CcrI	C!TCGAG	2	614	1380			
CelII	GC!TNAGC	1	854				
CfoI	GCG!C	25	598	830	1182	1235	1420
			2139	2147	2173	2195	2204
			2217	2248	2867	2875	2939
			2976	3242	3502	3678	3764
			4167	4276	4450	4550	4617
Cfr10I	R!CCGGY	10	667	731	1019	1055	1364
			1405	2090	3192	3373	3656
Cfr13I	G!GNCC	14	84	277	654	655	793
			1264	1265	1468	1980	3389
			3834	3880	3938	3971	
Cfr9I	C!CCGGG	1	657				
CfrI	Y!GGCCR	6	1021	1517	2779	2953	3344
			3371				
ClaI	AT!CGAT	1	2713				
CpoI	CG!GWCCG	1	3389				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3555			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	99	43	85	94	278	567
			619	625	656	699	760
			795	843	858	870	876
			906	945	999	1005	1019
			1023	1059	1158	1176	1191
			1200	1215	1266	1315	1392
			1398	1484	1519	1542	1652
			1819	1839	1981	2062	2076
			2090	2371	2412	2484	2607
			2636	2642	2651	2659	2682
			2694	2700	2781	2798	2806
			2833	2858	2942	2951	2955

			2979	3017	3093	3110	3129
			3192	3236	3246	3263	3346
			3373	3377	3414	3437	3453
			3633	3660	3721	3843	3882
			3939	3946	3953	3972	3983
			4234	4263	4306	4317	4382
			4461	4486	4491	4537	4627
			4725	4751	4769	4780	
CvnI	CC!TNAGG	2	2353	3985			
DdeI	C!TNAG	8	607	854	2353	2655	3536
			3985	4108	4517		
DpnI	GA!TC	29	588	612	663	716	1031
			1079	1094	1146	1299	1378
			1502	1515	1532	2712	2716
			2735	3046	3124	3205	3214
			3292	3668	3684	4043	4055
			4133	4141	4152	4227	
DpnII	!GATC	29	586	610	661	714	1029
			1077	1092	1144	1297	1376
			1500	1513	1530	2710	2714
			2733	3044	3122	3203	3212
			3290	3666	3682	4041	4053
			4131	4139	4150	4225	
DraI	TTT!AAA	3	1575	4017	4036		
DraII	RG!GNCCY	3	1264	1265	3971		
DraIII	CACNNN!GTG	1	1989				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1944	2900	4689		
DsaI	C!CRYGG	10	361	650	678	708	1113
			1131	1203	1393	2602	3305
DsaV	!CCNGG	19	89	282	656	657	1350
			1452	2407	2462	2479	2875
			3035	3258	3648	3837	3940
			4412	4630	4643	4764	
EaeI	Y!GGCCR	6	1021	1517	2779	2953	3344
			3371				
EagI	C!GGCCG	3	1021	1517	2779		
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	813	2344	3221	3431	
Ecl136II	GAG!CTC	1	619				
EclXI	C!GGCCG	3	1021	1517	2779		
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	1	3862				
Eco47I	G!GWCC	3	1468	3389	3834		
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	3	1021	1517	2779		
Eco57I	!CTGAAG	2	2997	3429			
Eco57I	!CTTCAG	4	837	999	1170	4263	
Eco81I	CC!TNAGG	2	2353	3985			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	3	1264	1265	3971		
EcoO65I	G!GTNACC	0					
EcoRI	G!AATTC	1	630				
EcoRII	!CCWGG	12	89	282	1452	2407	2462
			2479	3258	3837	3940	4630
			4643	4764			
EcoRV	GAT!ATC	1	1387				
EcoT14I	C!CWGG	9	361	678	708	1131	1393

			2602	2695	3305	3710	
EcoT22I	ATGCA!T	3	2445	2517	4848		
EcoT38I	GRGCV!C	6	621	658	1268	2064	3238
			3948				
EheI	GGC!GCC	2	829	2874			
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	1	854				
FbaI	T!GATCA	0					
FinI	!GTCCC	4	2403	2475	2539	3834	
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	3009	3541
			3650				
Fnu4HI	GC!NGC	45	697	724	769	796	904
			943	982	989	1024	1102
			1156	1189	1285	1416	1436
			1482	1520	1650	2169	2191
			2205	2643	2782	2834	2845
			2935	2940	2977	3018	3105
			3108	3111	3347	3443	3484
			3498	3612	3951	3966	4177
			4383	4386	4451	4594	4749
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	8	1163	1367	1436	1477	2740
			3197	3222	3676		
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	4	1082	1223	1235	2546	
FspI	TGC!GCA	1	2975				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	1015	1511	2773	3338	3365
GdiII	CGGCCRN!	3	1027	1523	2785		
GsuI	!CTCCAG	1	3670				
GsuI	!CTGGAG	1	3691				
HaeI	WGG!CCW	5	2694	2955	4317	4769	4780
HaeII	RGCVC!Y	7	599	831	1236	2140	2148
			2876	4551			
HaeIII	GG!CC	26	85	278	656	699	795
			1019	1023	1266	1519	1839
			1981	2636	2642	2651	2694
			2781	2955	3346	3373	3882
			3939	3972	4317	4751	4769
			4780				
HapII	C!CGG	25	602	658	668	732	1020
			1056	1352	1365	1406	2091
			2778	2855	2877	2905	3036
			3126	3193	3374	3649	3657
			3749	4223	4413	4439	4586
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3583	3662		
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2206	4101	4679		
HgiAI	GWGCW!C	6	621	821	1122	2986	3176
			4481				
HgiEII	!ACCNNNNNNNGGT	1	4203				
HhaI	GCG!C	25	598	830	1182	1235	1420
			2139	2147	2173	2195	2204
			2217	2248	2867	2875	2939
			2976	3242	3502	3678	3764
			4167	4276	4450	4550	4617
HinI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828
			2873	3575	3654		
HinPII	G!CGC	25	596	828	1180	1233	1418
			2137	2145	2171	2193	2202
			2215	2246	2865	2873	2937
			2974	3240	3500	3676	3762

			4165	4274	4448	4548	4615
HincII	GTY!RAC	2	642	1636			
HindIII	A!AGCTT	1	623				
HinfI	G!ANTC	13	411	605	1524	1916	1938
			2348	3358	3492	3544	3602
			3639	4421	4817		
HpaI	GTT!AAC	1	1636				
HpaII	C!CGG	25	602	658	668	732	1020
			1056	1352	1365	1406	2091
			2778	2855	2877	2905	3036
			3126	3193	3374	3649	3657
			3749	4223	4413	4439	4586
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	1057	1379	3944	4060
HphI	!NNNNNNNTCACC	6	721	1075	1153	1466	1990
			3051				
KasI	G!GCGCC	2	827	2872			
KpnI	GGTAC!C	1	650				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	809	2340	3217	3427	
KspI	CCGC!GG	1	653				
MaeI	C!TAG	9	593	1497	1528	1722	2140
			2696	3711	4045	4298	
MaeII	A!CGT	16	123	135	176	259	340
			445	861	993	1933	1945
			1988	2098	2989	3176	3957
			4090				
MaeIII	!GTNAC	13	62	149	498	1472	1661
			2162	2174	2993	3299	3989
			4255	4371	4434		
MamI	GATNN!NNATC	3	1143	1535	2732		
MboI	!GATC	29	586	610	661	714	1029
			1077	1092	1144	1297	1376
			1500	1513	1530	2710	2714
			2733	3044	3122	3203	3212
			3290	3666	3682	4041	4053
			4131	4139	4150	4225	
MboII	GAAGANNNNNNNN!	7	826	1382	2129	2357	3234
			3444	4063			
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	1072	3524	3691	3891	4134
McrI	!CGRYCG	5	668	1020	1516	2778	4453
MfeI	!CAATTG	1	1622				
MflI	R!GATCY	11	586	610	661	1376	3044
			3290	3682	4041	4053	4139
			4150				
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1940				
MmeI	!GTYGGA	2	4416	4600			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	9	1592	1601	2656	2662	3474
			3680	3994	4364	4688	
MnlI	!NNNNNNNGAGG	21	541	768	966	1008	1059
			1284	1287	1551	2016	2347
			2625	2631	2668	2671	2683
			2723	2787	2923	3280	3710
			4613				
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	1	2955				
MseI	T!TAA	15	8	1574	1635	1756	1777
			1788	1800	1811	1828	1926
			2197	4016	4030	4035	4087

MspI	C!CGG	25	602	658	668	732	1020
			1056	1352	1365	1406	2091
			2778	2855	2877	2905	3036
			3126	3193	3374	3649	3657
			3749	4223	4413	4439	4586
MstI	TGC!GCA	1	2975				
MstII	CC!TNAGG	2	2353	3985			
MunI	C!AATTG	1	1623				
MvaI	CC!WGG	12	91	284	1454	2409	2464
			2481	3260	3839	3942	4632
			4645	4766			
MvnI	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287
			1522	1797	2173	2193	2217
			2248	2939	3240	3678	3762
			3825	3894	4167	4748	
NaeI	GCC!GGC	5	1021	1407	2092	3375	3658
NarI	GG!CGCC	2	828	2873			
NciI	CC!SGG	7	658	659	1352	2877	3037
			3650	4414			
NcoI	C!CATGG	7	361	678	708	1131	1393
			2602	3305			
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	29	586	610	661	714	1029
			1077	1092	1144	1297	1376
			1500	1513	1530	2710	2714
			2733	3044	3122	3203	3212
			3290	3666	3682	4041	4053
			4131	4139	4150	4225	
NgoMI	G!CCGGC	5	1019	1405	2090	3373	3656
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	23	305	365	682	712	802
			1135	1222	1273	1397	1444
			2303	2443	2515	2606	2747
			3092	3278	3309	3335	3691
			4075	4795	4846		
NlaIV	GGN!NCC	25	468	648	656	663	736
			781	829	892	1054	1265
			1266	1267	2028	2049	2061
			2252	2413	2485	2874	2909
			3757	3836	3881	4724	4763
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2445	2517	4848		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	1222	2443	2515	3278	4795
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3555			
NspBII	CMG!CKG	6	652	903	2371	2979	4208
			4453				
NspII	GDGCH!C	16	621	658	782	821	1055
			1122	1268	1453	2064	2819
			2912	2986	3176	3238	3948
			4481				
NspIII	C!YCGRG	5	614	657	785	1064	1380
NspIV	G!GNCC	14	84	277	654	655	793
			1264	1265	1468	1980	3389
			3834	3880	3938	3971	
NunII	GG!CGCC	2	828	2873			
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	2	614	1380			
PalI	GG!CC	26	85	278	656	699	795

			1019	1023	1266	1519	1839
			1981	2636	2642	2651	2694
			2781	2955	3346	3373	3882
			3939	3972	4317	4751	4769
			4780				
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	865				
PleI	GAGTCNNNN!	2	1924	2356			
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	599	1518	1932	3538
			4415				
PmaCI	CAC!GTG	2	862	994			
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	2	862	994			
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	3	639	1257	1483		
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	2371	2979			
RmaI	C!TAG	9	593	1497	1528	1722	2140
			2696	3711	4045	4298	
RsaI	GT!AC	10	220	245	300	333	384
			541	648	971	1331	3179
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	3389				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	1	653				
SalI	G!TCGAC	1	640				
Sau3AI	!GATC	29	586	610	661	714	1029
			1077	1092	1144	1297	1376
			1500	1513	1530	2710	2714
			2733	3044	3122	3203	3212
			3290	3666	3682	4041	4053
			4131	4139	4150	4225	
Sau96I	G!GNCC	14	84	277	654	655	793
			1264	1265	1468	1980	3389
			3834	3880	3938	3971	
SauI	CC!TNAGG	2	2353	3985			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	19	91	284	658	659	1352
			1454	2409	2464	2481	2877
			3037	3260	3650	3839	3942
			4414	4632	4645	4766	
SduI	GDGCH!C	16	621	658	782	821	1055
			1122	1268	1453	2064	2819
			2912	2986	3176	3238	3948
			4481				
SecI	C!CNNGG	26	361	650	657	678	708
			1065	1113	1131	1203	1350
			1393	1452	2407	2479	2602
			2637	2646	2695	3036	3305
			3710	3837	3838	3940	3941
			4631				
SexI	!CTCGAG	2	613	1379			
SfaNI	GCATCNNNNN!	10	735	969	1257	1329	1689
			2452	2524	3172	3236	3511
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358	1345	1351	2831	3086
			3302	4694			
SfcI	C!TRYAG	7	635	1195	1253	1479	2208
			4335	4526			
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2648				

SfuI	TT!CGAA	2	628	3555				
SgrAI	CR!CCGGYG	1	1405					
SinI	G!GWCC	3	1468	3389	3834			
SmaI	CCC!GGG	1	659					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	1	4477					
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	2443	2515	3278			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	1781	2334				
SstI	GAGCT!C	1	621					
SstII	CCGC!GG	1	653					
SstIII	!ACGT	16	122	134	175	258	339	
			444	860	992	1932	1944	
			1987	2097	2988	3175	3956	
			4089					
StuI	AGG!CCT	1	2694					
StyI	C!CWWGG	9	361	678	708	1131	1393	
			2602	2695	3305	3710		
StySJI	!GAGNNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	18	615	628	641	717	756	
			963	1381	2022	2713	2986	
			3142	3166	3202	3364	3555	
			3600	3855	4693			
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	1893	2910	3578			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3822					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	0						
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2777	3369			
TfiI	G!AWTC	5	3358	3492	3602	3639	4817	
ThaI	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287	
			1522	1797	2173	2193	2217	
			2248	2939	3240	3678	3762	
			3825	3894	4167	4748		
Tsp45I	!GTSAC	4	1472	2162	2993	3299		
TspEI	!AATT	11	19	630	1623	1687	1765	
			1791	1802	2449	2521	2613	
			4031					
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2991					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4200					
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3308	4168	4207			
TthHB8I	T!CGA	18	615	628	641	717	756	
			963	1381	2022	2713	2986	
			3142	3166	3202	3364	3555	
			3600	3855	4693			
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	865					
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	1527					
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	2	950	3148				
XcyI	C!CCGGG	1	657					
XhoI	C!TCGAG	2	614	1380				
XhoII	R!GATCY	11	586	610	661	1376	3044	
			3290	3682	4041	4053	4139	
			4150					
XmaI	C!CCGGG	1	657					

XmaIII	C!GGCCG	3	1021	1517	2779
XmnI	GAANN!NNTTC	1	917		
XorII	CGAT!CG	0			