

BanI	G!GYRCC	6	466 2794	754	814	1913	2759
BanII	GRGCY!C	3	1951	3125	3835		
BanIII	AT!CGAT	1	2600				
BbeI	GGCGC!C	1	2763				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123 2760	176 3462	259 3541	445	610
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	911 3396	1353 3849	1548 4349	2833	2875
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	11	602 2707 4259	605 2891	608 2984	1030 4050	2042 4256
BbvII	GAAGACNN!	1	1001				
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	6	912 3673	1056	1107	1173	3186
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	1902	2720	4179		
BclI	T!GATCA	1	716				
BcnI	CC!SGG	6	645 4301	1274	2764	2924	3537
BglI	GCCNNNN!NGGC	5	91	213	284	1169	2535
BglII	A!GATCT	0					
BinI	!NNNNNGATCC	8	581 3548	666 3935	682 4032	1235	3004
BinI	GGATCNNNN!	8	695 3936	2628 4034	2939 4120	3185	3577
BsePI	!GCGCGC	1	662				
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	1326	2189	2607	3626	3754
BsmI	GAATGCN!	1	1511				
BsmI	G!CATTC	1	1604				
Bsp1286I	GDGCH!C	12	757 2706 3835	784 2799 4368	817 2873	1394 3063	1951 3125
BspHI	T!CATGA	2	2186	3958			
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	1220	3028	3478		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2647				
BspMII	T!CCGGA	0					
BsrI	ACTGGN!	5	1304	1391	2704	2905	4151
BsrI	C!CAGT	6	296 4276	655	1789	2467	4263
BssHII	G!CGCGC	1	663				
BstBI	TT!CGAA	1	3442				
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	687				
BstNI	CC!WGG	14	91 2296 3829	284 2351 4519	877 2368 4532	925 3147 4653	1021 3726
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	18	61 1684 2826 3781	663 2060 3127 4054	665 2080 3565 4635	1118 2104 3649	1409 2135 3712
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	11	586 3177 4037	671 3569	687 3928	1240 3940	2931 4026
Bsu36I	CC!TNAGG	3	959	2240	3872		
CcrI	C!TCGAG	0					

CfoI	GCG!C	22	665 2082 2762 3565 4437	667 2091 2826 3651 4504	2026 2104 2863 4054	2034 2135 3129 4163	2060 2754 3389 4337
Cfr10I	R!CCGGY	5	693	1977	3079	3260	3543
Cfr13I	G!GNCC	13	84 1185 3767	277 1290 3825	642 1867 3858	850 3276	1093 3721
CfrI	Y!GGCCR	6	1358 3258	1404	2666	2840	3231
ClaI	AT!CGAT	1	2600				
CviJI	RG!CY	99	43 629 741 907 1121 1186 1354 1706 1977 2523 2581 2720 2866 3079 3260 3520 3826 4121 4348 4612	85 638 804 965 1129 1194 1360 1726 2258 2529 2587 2745 2904 3123 3264 3547 3833 4150 4373 4638	94 643 851 1031 1163 1208 1406 1868 2299 2538 2668 2829 2980 3133 3301 3608 3840 4193 4378 4656	278 651 880 1043 1172 1277 1429 1949 2371 2546 2685 2838 2997 3150 3324 3730 3859 4204 4424 4667	567 714 887 1094 1178 1318 1539 1963 2494 2569 2693 2842 3016 3233 3340 3769 3870 4269 4514
CvnI	CC!TNAGG	3	959	2240	3872		
DdeI	C!TNAG	9	959 3423	1165 3872	1256 3995	2240 4404	2542
DpnI	GA!TC	24	588 1066 2622 3179 4020	673 1242 2933 3555 4028	689 1419 3011 3571 4039	718 2599 3092 3930 4114	832 2603 3101 3942
DraI	TTT!AAA	3	1462	3904	3923		
DraII	RG!GNCCY	1	3858				
DraIII	CACNNN!GTG	2	1287	1876			
DsaI	C!CRYGG	3	361	2489	3192		
EaeI	Y!GGCCR	6	1358 3258	1404	2666	2840	3231
EagI	C!GGCCG	2	1404	2666			
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	3	2231	3108	3318		
EclXI	C!GGCCG	2	1404	2666			
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1321	3749			
Eco47I	G!GWCC	3	1290	3276	3721		
Eco47III	AGC!GCT	0					
Eco52I	C!GGCCG	2	1404	2666			
Eco57I	!CTGAAG	3	1188	2884	3316		
Eco57I	!CTTCAG	1	4150				
Eco81I	CC!TNAGG	3	959	2240	3872		

EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3858					
EcoRI	G!AATTC	0						
EcoRII	!CCWGG	14	89	282	875	923	1019	
			2294	2349	2366	3145	3724	
			3827	4517	4530	4651		
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWGG	5	361	2489	2582	3192	3597	
EcoT22I	ATGCA!T	3	2332	2404	4735			
EcoT38I	GRGCY!C	3	1951	3125	3835			
EheI	GGC!GCC	1	2761					
EspI	GC!TNAGC	0						
FinI	!GTCCC	4	2290	2362	2426	3721		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	2896	3428	
			3537					
Fnu4HI	GC!NGC	42	613	616	619	622	649	
			661	849	900	1044	1119	
			1161	1342	1404	1407	1537	
			2056	2078	2092	2530	2669	
			2721	2732	2822	2827	2864	
			2905	2992	2995	2998	3234	
			3330	3371	3385	3499	3838	
			3853	4064	4270	4273	4338	
			4481	4636				
FokI	GGATGNNNNNNNN!	4	2627	3084	3109	3563		
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	771	859	916	1071	2433	
FspI	TGC!GCA	1	2862					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	1398	2660	3225	3252		
GdiII	CGGCCRN!	2	1410	2672				
GsuI	!CTCCAG	1	3557					
GsuI	!CTGGAG	1	3578					
HaeI	WGG!CCW	8	1129	1172	1360	2581	2842	
			4204	4656	4667			
HaeII	RGCGC!Y	4	2027	2035	2763	4438		
HaeIII	GG!CC	29	85	278	643	851	1094	
			1129	1163	1172	1186	1318	
			1360	1406	1726	1868	2523	
			2529	2538	2581	2668	2842	
			3233	3260	3769	3826	3859	
			4204	4638	4656	4667		
HapII	C!CGG	19	645	694	1274	1978	2665	
			2742	2764	2792	2923	3013	
			3080	3261	3536	3544	3636	
			4110	4300	4326	4473		
HgaI	GACGCNNNNN!	4	527	618	3470	3549		
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	3	2093	3988	4566			
HgiAI	GWGCW!C	4	784	2873	3063	4368		
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4090					
HhaI	GCG!C	22	665	667	2026	2034	2060	
			2082	2091	2104	2135	2754	
			2762	2826	2863	3129	3389	
			3565	3651	4054	4163	4337	
			4437	4504				
Hin1I	GR!CGYC	8	123	176	259	445	610	
			2760	3462	3541			
HinP1I	G!CGC	22	663	665	2024	2032	2058	
			2080	2089	2102	2133	2752	
			2760	2824	2861	3127	3387	
			3563	3649	4052	4161	4335	

			4435	4502				
HincII	GTY!RAC	1	1523					
HindIII	A!AGCTT	0						
HinfI	G!ANTC	14	411	980	1307	1411	1803	
			1825	2235	3245	3379	3431	
			3489	3526	4308	4704		
HpaI	GTT!AAC	1	1523					
HpaII	C!CGG	19	645	694	1274	1978	2665	
			2742	2764	2792	2923	3013	
			3080	3261	3536	3544	3636	
			4110	4300	4326	4473		
HphI	GGTGANNNNNNNN!	4	377	1086	3831	3947		
HphI	!NNNNNNNTCACC	3	975	1877	2938			
KpnI	GGTAC!C	0						
Ksp632I	CTCTTCN!	0						
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	2227	3104	3314			
MaeI	C!TAG	9	593	1379	1415	1609	2027	
			2583	3598	3932	4185		
MaeII	A!CGT	16	123	135	176	259	340	
			445	1058	1334	1820	1832	
			1875	1985	2876	3063	3844	
			3977					
MaeIII	!GTNAC	12	62	149	498	1548	2049	
			2061	2880	3186	3876	4142	
			4258	4321				
MboI	!GATC	24	586	671	687	716	830	
			1064	1240	1417	2597	2601	
			2620	2931	3009	3090	3099	
			3177	3553	3569	3928	3940	
			4018	4026	4037	4112		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	8	840	1006	1119	2016	2244	
			3121	3331	3950			
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3411	3578	3778	4021		
MfeI	!CAATTG	1	1509					
MflI	R!GATCY	11	586	671	687	1240	2931	
			3177	3569	3928	3940	4026	
			4037					
MluI	A!CGCGT	0						
MmeI	!TCCRAC	2	1086	1827				
MmeI	!GTYGGA	2	4303	4487				
MnlI	CCTCNNNNNNN!	12	863	1273	1384	1479	1488	
			2543	2549	3361	3567	3881	
			4251	4575				
MnlI	!NNNNNNNGAGG	23	541	743	782	803	836	
			953	1118	1161	1307	1438	
			1903	2234	2512	2518	2555	
			2558	2570	2610	2674	2810	
			3167	3597	4500			
MroI	T!CCGGA	0						
MseI	T!TAA	16	8	944	1461	1522	1643	
			1664	1675	1687	1698	1715	
			1813	2084	3903	3917	3922	
			3974					
MspI	C!CGG	19	645	694	1274	1978	2665	
			2742	2764	2792	2923	3013	
			3080	3261	3536	3544	3636	
			4110	4300	4326	4473		
MstI	TGC!GCA	1	2862					
MstII	CC!TNAGG	3	959	2240	3872			

MvaI	CC!WGG	14	91 2296 3829	284 2351 4519	877 2368 4532	925 3147 4653	1021 3726
NaeI	GCC!GGC	3	1979	3262	3545		
NarI	GG!CGCC	1	2760				
NciI	CC!SGG	6	645 4301	1274	2764	2924	3537
NcoI	C!CATGG	3	361	2489	3192		
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	24	586 1064 2620 3177 4018	671 1240 2931 3553 4026	687 1417 3009 3569 4037	716 2597 3090 3928 4112	830 2601 3099 3940
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	23	305 738 2190 2979 3962	365 750 2330 3165 4682	600 828 2402 3196 4733	708 894 2493 3222	732 974 2634 3578
NlaIV	GGN!NCC	18	468 1915 2372 3768	652 1936 2761 4611	689 1948 2796 4650	756 2139 3644	816 2300 3723
NotI	GC!GGCCGC	1	1404				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2332	2404	4735		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	6	600 4682	732	2330	2402	3165
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	3442				
NspBII	CMG!CKG	6	615 4340	1153	2258	2866	4095
NspII	GDGCH!C	12	757 2706 3835	784 2799 4368	817 2873	1394 3063	1951 3125
NspIII	C!YCGRG	0					
NspIV	G!GNCC	13	84 1185 3767	277 1290 3825	642 1867 3858	850 3276	1093 3721
NunII	GG!CGCC	1	2760				
Paer71	C!TCGAG	0					
PalI	GG!CC	29	85 1129 1360 2529 3233 4204	278 1163 1406 2538 3260 4638	643 1172 1726 2581 3769 4656	851 1186 1868 2668 3826 4667	1094 1318 2523 2842 3859
PflMI	CCANNNN!NTGG	3	681	1287	1299		
PleI	GAGTCNNNN!	2	1811	2243			
PleI	!NNNNNGACTC	5	405	1405	1819	3425	4302
PmaCI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PstI	CTGCA!G	0					
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	2258	2866			
RsaI	GT!AC	11	220 541 3066	245 745	300 895	333 1147	384 1366
RsrI	G!AATTC	0					

RsrII	CG!GWCCG	1	3276					
SacI	GAGCT!C	0						
SacII	CCGC!GG	0						
SalI	G!TCGAC	0						
Sau3AI	!GATC	24	586	671	687	716	830	
			1064	1240	1417	2597	2601	
			2620	2931	3009	3090	3099	
			3177	3553	3569	3928	3940	
			4018	4026	4037	4112		
Sau96I	G!GNCC	13	84	277	642	850	1093	
			1185	1290	1867	3276	3721	
			3767	3825	3858			
SauI	CC!TNAGG	3	959	2240	3872			
ScaI	AGT!ACT	1	1366					
ScrFI	CC!NGG	20	91	284	645	877	925	
			1021	1274	2296	2351	2368	
			2764	2924	3147	3537	3726	
			3829	4301	4519	4532	4653	
SduI	GDGCH!C	12	757	784	817	1394	1951	
			2706	2799	2873	3063	3125	
			3835	4368				
SecI	C!CNNGG	19	361	788	923	924	1019	
			2294	2366	2489	2524	2533	
			2582	2923	3192	3597	3724	
			3725	3827	3828	4518		
SexI	!CTCGAG	0						
SfaNI	GCATCNNNNN!	8	938	1055	1576	2339	2411	
			3059	3123	3398			
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	9	358	1091	1130	1259	1390	
			2718	2973	3189	4581		
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	2	1169	2535				
SinI	G!GWCC	3	1290	3276	3721			
SmaI	CCC!GGG	0						
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	2330	2402	3165			
SplI	C!GTACG	0						
SspI	AAT!ATT	2	1668	2221				
SstI	GAGCT!C	0						
SstII	CCGC!GG	0						
SstIII	!ACGT	16	122	134	175	258	339	
			444	1057	1333	1819	1831	
			1874	1984	2875	3062	3843	
			3976					
StuI	AGG!CCT	1	2581					
StyI	C!CWGG	5	361	2489	2582	3192	3597	
StySJI	!GAGNNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	1	1364					
TaqI	T!CGA	14	842	869	1337	1909	2600	
			2873	3029	3053	3089	3251	
			3442	3487	3742	4580		
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	3	1780	2797	3465			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3709					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	2	832	937				
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2664	3256			
ThaI	CG!CG	18	61	663	665	1118	1409	
			1684	2060	2080	2104	2135	
			2826	3127	3565	3649	3712	

			3781	4054	4635		
Tsp45I	!GTSAC	3	2049	2880	3186		
TspEI	!AATT	10	19	1510	1574	1652	1678
			1689	2336	2408	2500	3918
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2878				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4087				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3195	4055	4094		
TthHB8I	T!CGA	14	842	869	1337	1909	2600
			2873	3029	3053	3089	3251
			3442	3487	3742	4580	
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	1414				
XcyI	C!CCGGG	0					
XhoI	C!TCGAG	0					
XhoII	R!GATCY	11	586	671	687	1240	2931
			3177	3569	3928	3940	4026
			4037				
XmaI	C!CCGGG	0					
XmaIII	C!GGCCG	2	1404	2666			
XmnI	GAANN!NNTTC	0					
XorII	CGAT!CG	0					