

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	2	1049	3660			
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	2	1200	1374			
AccII	CG!CG	19	61	1364	1409	1692	1932
			2727	2763	3139	3159	3183
			3214	3905	4206	4644	4728
			4791	4860	5133	5714	
AccIII	T!CCGGA	1	1325				
AciI	G!CGG	32	371	404	529	768	1080
			1122	1409	1932	1960	2104
			2247	2370	3099	3126	3214
			3324	3905	3969	4070	4073
			4353	4408	4506	4644	4791
			4931	5174	5419	5540	5559
			5686	5714			
AciI	C!CGC	39	59	87	99	113	280
			508	590	933	1071	1173
			1362	1690	2110	2212	2458
			3154	3157	3171	3261	3509
			3521	3530	3542	3552	3563
			3609	3748	3811	4313	4358
			4424	4450	4575	4578	4726
			4858	5165	5309	5805	
AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197
			1453	3839	4541	4620	
AfaI	GT!AC	17	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	1550
			1742	1772	1786	2225	2261
			2354	4145			
AflI	G!GWCC	4	1879	1894	4355	4800	
AflIII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	2	2725	5757			
AgeI	A!CCGGT	1	601				
AhaI	CC!SGG	8	1194	1426	1427	1892	3843
			4003	4616	5380		
AhaII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197
			1453	3839	4541	4620	
AhaIII	TTT!AAA	3	2541	4983	5002		
AluI	AG!CT	23	567	634	661	807	1114
			1343	1624	1941	1990	2043
			2061	2068	2618	2785	3042
			3337	3625	3945	4403	5200
			5457	5503	5593		
Alw44I	G!TGCAC	2	700	5443			
AlwI	GGATCNNNN!	11	2372	2420	2482	2491	3707
			4018	4264	4656	5015	5113
			5199				
AlwI	!NNNNNGATCC	8	581	1155	1912	2469	4083
			4627	5014	5111		
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1287	4940	5348		
AocI	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951	
AocII	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1563
			1647	1836	3030	3785	3878
			3952	4142	4204	4914	5447
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				

AosI	TGC!GCA	1	3941					
AosII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197	
			1453	3839	4541	4620		
ApaI	GGGCC!C	0						
ApaLI	G!TGCAC	2	700	5443				
ApoI	R!AATTY	3	2653	2757	2768			
ApyI	CC!WGG	27	91	284	797	845	941	
			956	1085	1459	1466	1754	
			1883	2006	2051	2081	2144	
			2265	2303	2381	3375	3430	
			3447	4226	4805	4908	5598	
			5611	5732				
AquI	C!YCGRG	3	1338	1425	1637			
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	0						
Asp718I	G!GTACC	0						
AspHI	GWGCW!C	6	704	1563	1647	3952	4142	
			5447					
AspI	GACN!NNGTC	2	1817	3957				
AsuI	G!GNCC	18	84	277	770	1013	1105	
			1126	1428	1516	1666	1879	
			1894	2441	2946	4355	4800	
			4846	4904	4937			
AsuII	TT!CGAA	1	4521					
AvaI	C!YCGRG	3	1338	1425	1637			
AvaII	G!GWCC	4	1879	1894	4355	4800		
AvaIII	ATGCA!T	3	3411	3483	5814			
AviII	TGC!GCA	1	3941					
AvrI	!CYCGRG	3	1337	1424	1636			
AvrII	C!CTAGG	2	3661	4676				
AxyI	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951		
BalI	TGG!CCA	3	1280	2027	3921			
BamHI	G!GATCC	1	2474					
BanI	G!GYRCC	11	466	674	734	1452	1461	
			1602	2249	2305	2992	3838	
			3873					
BanII	GRGCY!C	3	3030	4204	4914			
BanIII	AT!CGAT	1	3679					
BbeI	GGCGC!C	2	1456	3842				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197	
			1453	3839	4541	4620		
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	1	1432					
BbsI	!GAAGAC	3	913	1146	1214			
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	831	1273	2627	3912	3954	
			4475	4928	5428			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	13	950	1611	1641	2020	2055	
			2099	3121	3786	3970	4063	
			5129	5335	5338			
BbvII	GAAGACNN!	3	921	1154	1222			
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	1	1426					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	11	832	976	1027	1093	1396	
			1579	1968	2046	2092	4265	
			4752					
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	5	1416	1768	2981	3799	5258	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	1	1842					

BclI	T!GATCA	1	2496					
BcnI	CC!SGG	8	1194	1426	1427	1892	3843	
			4003	4616	5380			
BfaI	C!TAG	10	593	1299	2470	2487	2688	
			3106	3662	4677	5011	5264	
BfrI	C!TTAAG	0						
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	1089	1427	
			3614					
BglII	A!GATCT	1	1334					
BinI	!NNNNNGATCC	8	581	1155	1912	2469	4083	
			4627	5014	5111			
BinI	GGATCNNNN!	11	2372	2420	2482	2491	3707	
			4018	4264	4656	5015	5113	
			5199					
BlnI	C!CTAGG	2	3661	4676				
BmyI	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1563	
			1647	1836	3030	3785	3878	
			3952	4142	4204	4914	5447	
BpmI	!CTCCAG	2	952	4636				
BpmI	!CTGGAG	2	2050	4657				
Bpu1102I	GC!TNAGC	0						
BsaAI	YAC!GTR	3	341	2955	4143			
BsaBI	GATNN!NNATC	4	2327	2411	2501	3698		
BsaHI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197	
			1453	3839	4541	4620		
BsaI	GGTCTCN!	0						
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	1241	1712	4828			
BsaJI	C!CNNGG	34	361	612	708	843	844	
			939	1424	1425	1457	1465	
			1638	1662	1680	1950	2004	
			2028	2049	2143	2263	2301	
			3373	3445	3568	3603	3612	
			3661	4002	4271	4676	4803	
			4804	4906	4907	5597		
BseAI	T!CCGGA	1	1325					
BsePI	!GCGCGC	0						
BsgI	!GTGCAG	0						
BsgI	!CTGCAC	0						
BsiEI	CGRY!CG	4	606	1956	3748	5423		
BsiWI	C!GTACG	0						
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	26	50	731	844	1010	1076	
			1449	1815	1876	2149	2851	
			3177	3569	3820	4364	4645	
			4677	4678	4809	4844	4894	
			4895	4926	5279	5558	5724	
			5742					
BslI	CCNNNNN!NNGG	26	50	731	844	1010	1076	
			1449	1815	1876	2149	2851	
			3177	3569	3820	4364	4645	
			4677	4678	4809	4844	4894	
			4895	4926	5279	5558	5724	
			5742					
BsmAI	!GTCTC	1	429					
BsmAI	!GAGAC	6	1246	1717	3268	3686	4705	
			4833					
BsmI	GAATGCN!	1	2590					
BsmI	G!CATTC	1	2683					
Bsp1286I	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1563	
			1647	1836	3030	3785	3878	

			3952	4142	4204	4914	5447
BspDI	AT!CGAT	1	3679				
BspEI	T!CCGGA	1	1325				
BspHI	T!CATGA	4	1911	2190	3265	5037	
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	4107	4557			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	3726				
BspMII	T!CCGGA	1	1325				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	40	91	213	245	284	377
			401	658	1089	1401	1406
			1410	1427	1459	1530	1651
			1754	1938	2033	3066	3096
			3123	3165	3167	3406	3478
			3529	3608	3614	3830	3914
			3937	4076	4082	4199	4282
			4549	4736	4940	5139	5711
BsrFI	R!CCGGY	6	601	1400	3056	4158	4339
			4622				
BsrI	ACTGGN!	7	1224	1311	1583	1795	3783
			3984	5230			
BsrI	C!CAGT	5	296	2868	3546	5342	5355
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	1	4521				
BstEII	G!GTNACC	1	1819				
BstI	G!GATCC	1	2474				
BstNI	CC!WGG	27	91	284	797	845	941
			956	1085	1459	1466	1754
			1883	2006	2051	2081	2144
			2265	2303	2381	3375	3430
			3447	4226	4805	4908	5598
			5611	5732			
BstPI	G!GTNACC	1	1819				
BstUI	CG!CG	19	61	1364	1409	1692	1932
			2727	2763	3139	3159	3183
			3214	3905	4206	4644	4728
			4791	4860	5133	5714	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	13	586	1160	1334	1917	2474
			2483	4010	4256	4648	5007
			5019	5105	5116		
Bsu36I	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951	
CbiI	TT!CGAA	1	4521				
CcrI	C!TCGAG	1	1338				
CelII	GC!TNAGC	0					
CfoI	GCG!C	25	598	1366	1455	1932	2349
			3105	3113	3139	3161	3170
			3183	3214	3833	3841	3905
			3942	4208	4468	4644	4730
			5133	5242	5416	5516	5583
Cfr10I	R!CCGGY	6	601	1400	3056	4158	4339
			4622				
Cfr13I	G!GNCC	18	84	277	770	1013	1105
			1126	1428	1516	1666	1879
			1894	2441	2946	4355	4800
			4846	4904	4937		
Cfr9I	C!CCGGG	1	1425				
CfrI	Y!GGCCR	10	1278	1780	1888	1953	2025
			2077	3745	3919	4310	4337
ClaI	AT!CGAT	1	3679				

CpoI	CG!GWCCG	1	4355				
Csp45I	TT!CGAA	1	4521				
CspI	CG!GSCCG	1	1428				
CviJI	RG!CY	119	43	85	94	278	567
			634	661	724	771	800
			807	885	951	963	1014
			1041	1049	1083	1106	1114
			1128	1238	1274	1280	1343
			1383	1400	1404	1430	1517
			1624	1634	1667	1685	1736
			1757	1782	1886	1890	1935
			1941	1955	1990	2027	2033
			2043	2061	2068	2079	2134
			2373	2384	2442	2508	2618
			2785	2805	2947	3028	3042
			3056	3337	3378	3450	3573
			3602	3608	3617	3625	3648
			3660	3666	3747	3764	3772
			3799	3824	3908	3917	3921
			3945	3983	4059	4076	4095
			4158	4202	4212	4229	4312
			4339	4343	4380	4403	4419
			4599	4626	4687	4809	4848
			4905	4912	4919	4938	4949
			5200	5229	5272	5283	5348
			5427	5452	5457	5503	5593
			5691	5717	5735	5746	
CvnI	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951	
DdeI	C!TNAG	12	621	879	1176	1331	2118
			2343	3319	3621	4502	4951
			5074	5483			
DpnI	GA!TC	31	588	986	1136	1162	1336
			1709	1919	2294	2324	2330
			2366	2414	2476	2485	2498
			3678	3682	3701	4012	4090
			4171	4180	4258	4634	4650
			5009	5021	5099	5107	5118
			5193				
DpnII	!GATC	31	586	984	1134	1160	1334
			1707	1917	2292	2322	2328
			2364	2412	2474	2483	2496
			3676	3680	3699	4010	4088
			4169	4178	4256	4632	4648
			5007	5019	5097	5105	5116
			5191				
DraI	TTT!AAA	3	2541	4983	5002		
DraII	RG!GNCCY	3	1666	1894	4937		
DraIII	CACNNN!GTG	4	1270	1651	1831	2955	
DrdI	GACNNNN!NNGTC	4	2081	2910	3866	5655	
DsaI	C!CRYGG	6	361	612	1950	2028	3568
			4271				
DsaV	!CCNGG	35	89	282	795	843	939
			954	1083	1192	1424	1425
			1457	1464	1752	1881	1890
			2004	2049	2079	2142	2263
			2301	2379	3373	3428	3445
			3841	4001	4224	4614	4803
			4906	5378	5596	5609	5730
EaeI	Y!GGCCR	10	1278	1780	1888	1953	2025

			2077	3745	3919	4310	4337
EagI	C!GGCCG	2	1953	3745			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	1	2125				
EarI	!GAAGAG	5	628	2055	3310	4187	4397
Ecl136II	GAG!CTC	0					
EclXI	C!GGCCG	2	1953	3745			
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	1241	1712	4828		
Eco47I	G!GWCC	4	1879	1894	4355	4800	
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	2	1953	3745			
Eco57I	!CTGAAG	4	1108	1543	3963	4395	
Eco57I	!CTTCAG	1	5229				
Eco81I	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951	
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	3	1666	1894	4937		
EcoO65I	G!GTNACC	1	1819				
EcoRI	G!AATTC	0					
EcoRII	!CCWGG	27	89	282	795	843	939
			954	1083	1457	1464	1752
			1881	2004	2049	2079	2142
			2263	2301	2379	3373	3428
			3445	4224	4803	4906	5596
			5609	5730			
EcoRV	GAT!ATC	1	1357				
EcoT14I	C!CWWGG	7	361	612	1680	3568	3661
			4271	4676			
EcoT22I	ATGCA!T	3	3411	3483	5814		
EcoT38I	GRGCY!C	3	3030	4204	4914		
EheI	GGC!GCC	2	1454	3840			
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	0					
FbaI	T!GATCA	1	2496				
FinI	!GTCCC	4	3369	3441	3505	4800	
FinI	!GGGAC	8	161	312	480	1580	1892
			3975	4507	4616		
Fnu4HI	GC!NGC	42	769	820	964	1081	1262
			1362	1625	1655	1933	2034
			2069	2113	2248	2371	2616
			3135	3157	3171	3609	3748
			3800	3811	3901	3906	3943
			3984	4071	4074	4077	4313
			4409	4450	4464	4578	4917
			4932	5143	5349	5352	5417
			5560	5715			
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	6	1361	2293	3706	4163	4188
			4642				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	10	691	779	836	991	1520
			1853	2150	2195	2363	3512
FspI	TGC!GCA	1	3941				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	6	1774	1882	1947	3739	4304
			4331				
GdiII	CGGCCRN!	3	1959	2083	3751		
GsuI	!CTCCAG	2	952	4636			
GsuI	!CTGGAG	2	2050	4657			
HaeI	WGG!CCW	10	1049	1280	1685	2027	2384

			3660	3921	5283	5735	5746
HaeII	RGCGC!Y	6	599	1456	3106	3114	3842
			5517				
HaeIII	GG!CC	39	85	278	771	1014	1049
			1083	1106	1128	1238	1280
			1400	1430	1517	1667	1685
			1782	1890	1955	2027	2079
			2384	2442	2805	2947	3602
			3608	3617	3660	3747	3921
			4312	4339	4848	4905	4938
			5283	5717	5735	5746	
HapII	C!CGG	26	602	1194	1326	1386	1401
			1426	1809	1891	2439	2481
			3057	3744	3821	3843	3871
			4002	4092	4159	4340	4615
			4623	4715	5189	5379	5405
			5552				
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	4549	4628		
HgaI	!NNNNNNNNNGCGTC	5	1186	1862	3172	5067	5645
HgiAI	GWGCW!C	6	704	1563	1647	3952	4142
			5447				
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	5169				
HhaI	GCG!C	25	598	1366	1455	1932	2349
			3105	3113	3139	3161	3170
			3183	3214	3833	3841	3905
			3942	4208	4468	4644	4730
			5133	5242	5416	5516	5583
HinII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197
			1453	3839	4541	4620	
HinPII	G!CGC	25	596	1364	1453	1930	2347
			3103	3111	3137	3159	3168
			3181	3212	3831	3839	3903
			3940	4206	4466	4642	4728
			5131	5240	5414	5514	5581
HincII	GTY!RAC	2	1375	2602			
HindIII	A!AGCTT	0					
HinfI	G!ANTC	19	411	750	900	1227	1329
			1496	1805	2153	2435	2882
			2904	3314	4324	4458	4510
			4568	4605	5387	5783	
HpaI	GTT!AAC	1	2602				
HpaII	C!CGG	26	602	1194	1326	1386	1401
			1426	1809	1891	2439	2481
			3057	3744	3821	3843	3871
			4002	4092	4159	4340	4615
			4623	4715	5189	5379	5405
			5552				
HphI	GGTGANNNNNNN!	5	377	1006	1823	4910	5026
HphI	!NNNNNNNTCACC	9	895	1531	1564	1813	1915
			1936	2080	2956	4017	
KasI	G!GCGCC	2	1452	3838			
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	1	2132				
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	5	624	2051	3306	4183	4393
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	10	593	1299	2470	2487	2688
			3106	3662	4677	5011	5264
MaeII	A!CGT	19	123	135	176	259	340
			445	978	1254	1743	1998

			2202	2899	2911	2954	3064
			3955	4142	4923	5056	
MaeIII	!GTNAC	18	62	149	498	901	1570
			1811	1819	1973	2198	2627
			3128	3140	3959	4265	4955
			5221	5337	5400		
MamI	GATNN!NNATC	4	2327	2411	2501	3698	
MboI	!GATC	31	586	984	1134	1160	1334
			1707	1917	2292	2322	2328
			2364	2412	2474	2483	2496
			3676	3680	3699	4010	4088
			4169	4178	4256	4632	4648
			5007	5019	5097	5105	5116
			5191				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	14	641	926	1039	1159	1227
			1708	1927	2068	2332	3095
			3323	4200	4410	5029	
MboII	!NNNNNNNTCTTC	6	1426	2119	4490	4657	4857
			5100				
McrI	!CGRYCG	4	602	1952	3744	5419	
MfeI	!CAATTG	1	2588				
MflI	R!GATCY	13	586	1160	1334	1917	2474
			2483	4010	4256	4648	5007
			5019	5105	5116		
MluI	A!CGCGT	1	2725				
MmeI	!TCCRAC	2	1006	2906			
MmeI	!GTYGGA	2	5382	5566			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	25	783	962	977	1060	1193
			1304	1450	1547	1786	1865
			1919	1931	2056	2349	2395
			2455	2558	2567	3622	3628
			4440	4646	4960	5330	5654
MnlI	!NNNNNNNGAGG	30	541	663	702	723	756
			873	982	1038	1227	1260
			1506	1522	1632	1656	1836
			2112	2517	2982	3313	3591
			3597	3634	3637	3649	3689
			3753	3889	4246	4676	5579
MroI	T!CCGGA	1	1325				
MscI	TGG!CCA	3	1280	2027	3921		
MseI	T!TAA	19	8	639	864	1320	1980
			2540	2601	2722	2743	2754
			2766	2777	2794	2892	3163
			4982	4996	5001	5053	
MspI	C!CGG	26	602	1194	1326	1386	1401
			1426	1809	1891	2439	2481
			3057	3744	3821	3843	3871
			4002	4092	4159	4340	4615
			4623	4715	5189	5379	5405
			5552				
MstI	TGC!GCA	1	3941				
MstII	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951	
MunI	C!AATTG	1	2589				
MvaI	CC!WGG	27	91	284	797	845	941
			956	1085	1459	1466	1754
			1883	2006	2051	2081	2144
			2265	2303	2381	3375	3430
			3447	4226	4805	4908	5598
			5611	5732			

MvnI	CG!CG	19	61	1364	1409	1692	1932
			2727	2763	3139	3159	3183
			3214	3905	4206	4644	4728
			4791	4860	5133	5714	
NaeI	GCC!GGC	4	1402	3058	4341	4624	
NarI	GG!CGCC	2	1453	3839			
NciI	CC!SGG	8	1194	1426	1427	1892	3843
			4003	4616	5380		
NcoI	C!CATGG	4	361	612	3568	4271	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	31	586	984	1134	1160	1334
			1707	1917	2292	2322	2328
			2364	2412	2474	2483	2496
			3676	3680	3699	4010	4088
			4169	4178	4256	4632	4648
			5007	5019	5097	5105	5116
			5191				
NgoMI	G!CCGGC	4	1400	3056	4339	4622	
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	33	305	365	616	652	658
			670	748	814	894	1105
			1393	1486	1591	1714	1741
			1865	1915	2152	2194	2260
			3269	3409	3481	3572	3713
			4058	4244	4275	4301	4657
			5041	5761	5812		
NlaIV	GGN!NCC	30	468	676	736	1127	1384
			1454	1463	1604	1635	1668
			1895	2108	2251	2307	2374
			2443	2476	2994	3015	3027
			3218	3379	3451	3840	3875
			4723	4802	4847	5690	5729
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	3411	3483	5814		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	6	652	1393	3409	3481	4244
			5761				
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	4521				
NspBII	CMG!CKG	6	1073	2112	3337	3945	5174
			5419				
NspII	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1563
			1647	1836	3030	3785	3878
			3952	4142	4204	4914	5447
NspIII	C!YCGRG	3	1338	1425	1637		
NspIV	G!GNCC	18	84	277	770	1013	1105
			1126	1428	1516	1666	1879
			1894	2441	2946	4355	4800
			4846	4904	4937		
NunII	GG!CGCC	2	1453	3839			
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	1338				
PalI	GG!CC	39	85	278	771	1014	1049
			1083	1106	1128	1238	1280
			1400	1430	1517	1667	1685
			1782	1890	1955	2027	2079
			2384	2442	2805	2947	3602
			3608	3617	3660	3747	3921
			4312	4339	4848	4905	4938
			5283	5717	5735	5746	

PflMI	CCANNNN!NTGG	0					
PleI	GAGTCNNNN!	5	908	2161	2443	2890	3322
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	1323	1799	2898	4504
			5381				
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	1	1894				
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1253				
PstI	CTGCA!G	0					
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	3337	3945			
RmaI	C!TAG	10	593	1299	2470	2487	2688
			3106	3662	4677	5011	5264
RsaI	GT!AC	17	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	1550
			1742	1772	1786	2225	2261
			2354	4145			
RsrI	G!AATTC	0					
RsrII	CG!GWCCG	1	4355				
SacI	GAGCT!C	0					
SacII	CCGC!GG	0					
SalI	G!TCGAC	1	1373				
Sau3AI	!GATC	31	586	984	1134	1160	1334
			1707	1917	2292	2322	2328
			2364	2412	2474	2483	2496
			3676	3680	3699	4010	4088
			4169	4178	4256	4632	4648
			5007	5019	5097	5105	5116
			5191				
Sau96I	G!GNCC	18	84	277	770	1013	1105
			1126	1428	1516	1666	1879
			1894	2441	2946	4355	4800
			4846	4904	4937		
SauI	CC!TNAGG	4	879	2118	3319	4951	
ScaI	AGT!ACT	1	2354				
ScrFI	CC!NGG	35	91	284	797	845	941
			956	1085	1194	1426	1427
			1459	1466	1754	1883	1892
			2006	2051	2081	2144	2265
			2303	2381	3375	3430	3447
			3843	4003	4226	4616	4805
			4908	5380	5598	5611	5732
SduI	GDGCH!C	15	677	704	737	1314	1563
			1647	1836	3030	3785	3878
			3952	4142	4204	4914	5447
SecI	C!CNNGG	34	361	612	708	843	844
			939	1424	1425	1457	1465
			1638	1662	1680	1950	2004
			2028	2049	2143	2263	2301
			3373	3445	3568	3603	3612
			3661	4002	4271	4676	4803
			4804	4906	4907	5597	
SexI	!CTCGAG	1	1337				
SfaNI	GCATCNNNNN!	11	858	1542	1575	1803	2172
			2655	3418	3490	4138	4202
			4477				
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	10	358	1011	1050	1179	1408
			2271	3797	4052	4268	5660

SfcI	C!TRYAG	4	1936	3174	5301	5492		
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	3614					
SfuI	TT!CGAA	1	4521					
SgrAI	CR!CCGGYG	0						
SinI	G!GWCC	4	1879	1894	4355	4800		
SmaI	CCC!GGG	1	1427					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	2	700	5443				
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	3409	3481	4244			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	2747	3300				
SstI	GAGCT!C	0						
SstII	CCGC!GG	0						
SstIII	!ACGT	19	122	134	175	258	339	
			444	977	1253	1742	1997	
			2201	2898	2910	2953	3063	
			3954	4141	4922	5055		
StuI	AGG!CCT	2	1049	3660				
StyI	C!CWWGG	7	361	612	1680	3568	3661	
			4271	4676				
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	1	1642					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	18	762	789	1257	1339	1374	
			1557	2013	2988	3679	3952	
			4108	4132	4168	4330	4521	
			4566	4821	5659			
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	1676	2859	3876	4544		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	4788					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	4	752	857	1838	2323		
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	3743	4335			
TfiI	G!AWTC	8	750	1227	1496	4324	4458	
			4568	4605	5783			
ThaI	CG!CG	19	61	1364	1409	1692	1932	
			2727	2763	3139	3159	3183	
			3214	3905	4206	4644	4728	
			4791	4860	5133	5714		
Tsp45I	!GTSAC	9	901	1570	1811	1819	1973	
			2198	3128	3959	4265		
TspEI	!AATT	11	19	1321	2589	2653	2731	
			2757	2768	3415	3487	3579	
			4997					
Tth111I	GACN!NNGTC	2	1817	3957				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	2	2435	5166				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	1703	4274	5134	5173		
TthHB8I	T!CGA	18	762	789	1257	1339	1374	
			1557	2013	2988	3679	3952	
			4108	4132	4168	4330	4521	
			4566	4821	5659			
Van91I	CCANNNN!NTGG	0						
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	2486					
XcmI	!CCANNNNNNNNNTCG	1	4114					
XcyI	C!CCGGG	1	1425					
XhoI	C!TCGAG	1	1338					

XhoII	R!GATCY	13	586	1160	1334	1917	2474
			2483	4010	4256	4648	5007
			5019	5105	5116		
XmaI	C!CCGGG	1	1425				
XmaIII	C!GGCCG	2	1953	3745			
XmnI	GAANN!NNTTC	0					
XorII	CGAT!CG	0					