

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	2	1049	4302			
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	1	1200				
AccII	CG!CG	30	61	1381	1395	1429	1438
			1464	1529	1554	1566	1619
			1621	1626	1628	1647	1653
			2029	3369	3405	3781	3801
			3825	3856	4547	4848	5286
			5370	5433	5502	5775	6356
AccIII	T!CCGGA	1	1325				
AccI	G!CGG	34	371	404	529	768	1080
			1122	1381	1401	1438	1484
			1566	1688	2393	2599	3741
			3768	3856	3966	4547	4611
			4712	4715	4995	5050	5148
			5286	5433	5573	5816	6061
			6182	6201	6328	6356	
AccI	C!CGC	42	59	87	99	113	280
			508	590	933	1071	1173
			1376	1379	1393	1415	1645
			2242	2658	2716	3796	3799
			3813	3903	4151	4163	4172
			4184	4194	4205	4251	4390
			4453	4955	5000	5066	5092
			5217	5220	5368	5500	5807
			5951	6447			
AccI	GR!CGYC	10	123	176	259	445	1197
			1743	2053	4481	5183	5262
AfaI	GT!AC	15	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	1490
			2072	2580	2584	2983	4787
AflI	G!GWCC	2	4997	5442			
AflII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	2	3367	6399			
AgeI	A!CCGGT	1	601				
AhaI	CC!SGG	5	1194	4485	4645	5258	6022
AhaII	GR!CGYC	10	123	176	259	445	1197
			1743	2053	4481	5183	5262
AhaIII	TTT!AAA	4	2992	3183	5625	5644	
AluI	AG!CT	37	567	634	661	807	1114
			1343	1349	1459	1468	1537
			1576	1609	1660	1672	1702
			1756	1796	1886	2077	2143
			2272	2422	2440	2521	3035
			3099	3260	3427	3684	3979
			4267	4587	5045	5842	6099
			6145	6235			
Alw44I	G!TGCAC	2	700	6085			
AlwI	GGATCNNNN!	13	1854	1863	2412	2748	3124
			3133	4349	4660	4906	5298
			5657	5755	5841		
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	1155	3111	4725	5269
			5656	5753			
AlwNI	CAGNNN!CTG	4	1287	2669	5582	5990	
AocI	CC!TNAGG	3	879	3961	5593		

AocII	GDGCH!C	17	677	704	737	1314	1345
			1424	1470	1578	2921	3672
			4427	4520	4594	4784	4846
			5556	6089			
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	2	1505	4583			
AosII	GR!CGYC	10	123	176	259	445	1197
			1743	2053	4481	5183	5262
ApaI	GGGCC!C	0					
ApaLI	G!TGCAC	2	700	6085			
ApoI	R!AATY	5	2708	2950	3295	3399	3410
ApyI	CC!WGG	20	91	284	797	845	941
			956	1085	1445	1511	2221
			2462	4017	4072	4089	4868
			5447	5550	6240	6253	6374
AquI	C!YCGRG	2	1338	2556			
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp700I	GAANN!NNTTC	2	2313	2439			
Asp718I	G!GTACC	0					
AspHI	GWGCW!C	7	704	1345	1470	1578	4594
			4784	6089			
AspI	GACN!NNGTC	1	4599				
AsuI	G!GNCC	14	84	277	770	1013	1105
			1126	1403	1642	3588	4997
			5442	5488	5546	5579	
AsuII	TT!CGAA	2	1784	5163			
AvaI	C!YCGRG	2	1338	2556			
AvaII	G!GWCC	2	4997	5442			
AvaIII	ATGCA!T	3	4053	4125	6456		
AviII	TGC!GCA	2	1505	4583			
AvrI	!CYCGRG	2	1337	2555			
AvrII	C!CTAGG	2	4303	5318			
AxyI	CC!TNAGG	3	879	3961	5593		
BalI	TGG!CCA	2	1280	4563			
BamHI	G!GATCC	1	3116				
BanI	G!GYRCC	7	466	674	734	1742	3634
			4480	4515			
BanII	GRGCY!C	7	1345	1424	1470	1578	3672
			4846	5556			
BanIII	AT!CGAT	1	4321				
BbeI	GGCGC!C	2	1746	4484			
BbiII/AcyI	GR!CGYC	10	123	176	259	445	1197
			1743	2053	4481	5183	5262
BbrPI	CAC!GTG	0					
BbsI	!GTCTTC	0					
BbsI	!GAAGAC	3	913	1146	1214		
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	16	831	1273	1401	1518	1546
			1784	1805	1901	2425	3044
			3269	4554	4596	5117	5570
			6070				
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	15	950	1446	1518	1524	1647
			1689	1873	2839	3763	4428
			4612	4705	5771	5977	5980
BbvII	GAAGACNN!	3	921	1154	1222		
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	832	976	1027	1093	1656
			4907	5394			

BcefI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	4	1555	3623	4441	5900	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	1	1774				
BcgI	!CGANNNNNNTGC	1	1364				
BclI	T!GATCA	2	2766	3138			
BcnI	CC!SGG	5	1194	4485	4645	5258	6022
BfaI	C!TAG	11	593	1299	2295	2589	3129
			3330	3748	4304	5319	5653
			5906				
BfrI	C!TTAAG	0					
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	1089	1398
			4256				
BglII	A!GATCT	1	1334				
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	1155	3111	4725	5269
			5656	5753			
BinI	GGATCNNNN!	13	1854	1863	2412	2748	3124
			3133	4349	4660	4906	5298
			5657	5755	5841		
BlnI	C!CTAGG	2	4303	5318			
BmyI	GDGCH!C	17	677	704	737	1314	1345
			1424	1470	1578	2921	3672
			4427	4520	4594	4784	4846
			5556	6089			
BpmI	!CTCCAG	3	952	1441	5278		
BpmI	!CTGGAG	4	1510	2143	3035	5299	
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	1418				
BsaAI	YAC!GTR	4	341	2582	3597	4785	
BsaBI	GATNN!NNATC	2	3143	4340			
BsaHI	GR!CGYC	10	123	176	259	445	1197
			1743	2053	4481	5183	5262
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	4	1241	1595	2000	5470	
BsaJI	C!CNNGG	22	361	708	843	844	939
			1379	2220	2460	4015	4087
			4210	4245	4254	4303	4644
			4913	5318	5445	5446	5548
			5549	6239			
BseAI	T!CCGGA	1	1325				
BsePI	!GCGCGC	3	1526	1625	1650		
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	1	1805				
BsiEI	CGRY!CG	4	606	1570	4390	6065	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	31	50	731	844	1010	1076
			1385	1450	1483	1516	1960
			2124	2467	2753	3070	3493
			3819	4211	4462	5006	5287
			5319	5320	5451	5486	5536
			5537	5568	5921	6200	6366
			6384				
BslI	CCNNNNN!NNGG	31	50	731	844	1010	1076
			1385	1450	1483	1516	1960
			2124	2467	2753	3070	3493
			3819	4211	4462	5006	5287
			5319	5320	5451	5486	5536
			5537	5568	5921	6200	6366
			6384				
BsmAI	!GTCTC	2	429	2523			
BsmAI	!GAGAC	9	1246	1513	1600	2005	2780
			3910	4328	5347	5475	

BsmI	GAATGCN!	2	2179	3232			
BsmI	G!CATTC	1	3325				
Bsp1286I	GDGCH!C	17	677	704	737	1314	1345
			1424	1470	1578	2921	3672
			4427	4520	4594	4784	4846
			5556	6089			
BspDI	AT!CGAT	1	4321				
BspEI	T!CCGGA	1	1325				
BspHI	T!CATGA	3	2092	3907	5679		
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	4749	5199			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1531	4368			
BspMII	T!CCGGA	1	1325				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	46	91	213	245	284	377
			401	658	1089	1355	1398
			1401	1428	1435	1465	1537
			1625	1627	1657	1669	1799
			1883	2026	2419	2858	3708
			3738	3765	3807	3809	4048
			4120	4171	4250	4256	4472
			4556	4579	4718	4724	4841
			4924	5191	5378	5582	5781
			6353				
BsrFI	R!CCGGY	7	601	1476	1580	3698	4800
			4981	5264			
BsrI	ACTGGN!	7	1224	1311	2674	2926	4425
			4626	5872			
BsrI	C!CAGT	6	296	1867	3510	4188	5984
			5997				
BssHII	G!CGCGC	3	1527	1626	1651		
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	1784	5163			
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	3116				
BstNI	CC!WGG	20	91	284	797	845	941
			956	1085	1445	1511	2221
			2462	4017	4072	4089	4868
			5447	5550	6240	6253	6374
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	30	61	1381	1395	1429	1438
			1464	1529	1554	1566	1619
			1621	1626	1628	1647	1653
			2029	3369	3405	3781	3801
			3825	3856	4547	4848	5286
			5370	5433	5502	5775	6356
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	13	586	1160	1334	1846	3116
			3125	4652	4898	5290	5649
			5661	5747	5758		
Bsu36I	CC!TNAGG	3	879	3961	5593		
CbiI	TT!CGAA	2	1784	5163			
CcrI	C!TCGAG	1	1338				
CelII	GC!TNAGC	1	1418				
CfoI	GCG!C	38	598	1397	1431	1464	1506
			1529	1531	1554	1566	1594
			1621	1628	1630	1653	1655
			1745	2031	2083	3747	3755
			3781	3803	3812	3825	3856
			4475	4483	4547	4584	4850
			5110	5286	5372	5775	5884

			6058	6158	6225		
Cfr10I	R!CCGGY	7	601 4981	1476 5264	1580	3698	4800
Cfr13I	G!GNCC	14	84 1126 5442	277 1403 5488	770 1642 5546	1013 3588 5579	1105 4997
Cfr9I	C!CCGGG	0					
CfrI	Y!GGCCR	7	1278 4952	1567 4979	1611	4387	4561
ClaI	AT!CGAT	1	4321				
CpoI	CG!GWCCG	1	4997				
Csp45I	TT!CGAA	2	1784	5163			
CspI	CG!GSCCG	1	1642				
CviJI	RG!CY	136	43 634 807 1041 1128 1349 1459 1569 1643 1796 2077 2259 2521 2852 3150 3670 4092 4267 4406 4559 4718 4871 5045 5451 5580 5925 6145 6388	85 661 885 1049 1238 1392 1468 1576 1660 1877 2087 2272 2532 2873 3260 3684 4215 4290 4414 4563 4737 4954 5061 5490 5591 5990 6235	94 724 951 1083 1274 1404 1480 1584 1672 1886 2128 2422 2666 2877 3427 3698 4244 4302 4441 4587 4800 4981 5241 5547 5842 6069 6333	278 771 963 1106 1280 1422 1509 1609 1702 1892 2143 2440 2757 3035 3447 3979 4250 4308 4466 4625 4844 4985 5268 5554 5871 6094 6359	567 800 1014 1114 1343 1441 1537 1613 1756 1953 2241 2459 2832 3099 3589 4020 4259 4389 4550 4701 4854 5022 5329 5561 5914 6099 6377
CvnI	CC!TNAGG	3	879	3961	5593		
DdeI	C!TNAG	17	621 1719 2955 5716	879 1882 3961 6125	1176 1959 4263	1331 2494 5144	1418 2662 5593
DpnI	GA!TC	32	588 1667 2406 3140 4732 5292 5760	986 1734 2742 4320 4813 5651 5835	1136 1751 2768 4324 4822 5663	1162 1848 3118 4343 4900 5741	1336 1857 3127 4654 5276 5749
DpnII	!GATC	32	586 1665 2404 3138 4730 5290	984 1732 2740 4318 4811 5649	1134 1749 2766 4322 4820 5661	1160 1846 3116 4341 4898 5739	1334 1855 3125 4652 5274 5747

			5758	5833				
DraI	TTT!AAA	4	2992	3183	5625	5644		
DraII	RG!GNCCY	1	5579					
DraIII	CACNNN!GTG	3	1270	1814	3597			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	4	2789	3552	4508	6297		
DsaI	C!CRYGG	4	361	1379	4210	4913		
DsaV	!CCNGG	25	89	282	795	843	939	
			954	1083	1192	1443	1509	
			2219	2460	4015	4070	4087	
			4483	4643	4866	5256	5445	
			5548	6020	6238	6251	6372	
EaeI	Y!GGCCR	7	1278	1567	1611	4387	4561	
			4952	4979				
EagI	C!GGCCG	2	1567	4387				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0						
EarI	!CTCTTC	0						
EarI	!GAAGAG	8	628	1990	2506	2601	3010	
			3952	4829	5039			
Ecl136II	GAG!CTC	3	1343	1468	1576			
EclXI	C!GGCCG	2	1567	4387				
Eco105I	TAC!GTA	2	341	2582				
Eco31I	GGTCTCN!	0						
Eco31I	!NNNNNGAGACC	4	1241	1595	2000	5470		
Eco47I	G!GWCC	2	4997	5442				
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	2	1567	4387				
Eco57I	!CTGAAG	6	1108	1849	2821	3005	4605	
			5037					
Eco57I	!CTTCAG	1	5871					
Eco81I	CC!TNAGG	3	879	3961	5593			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	1958					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	5579					
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	0						
EcoRII	!CCWGG	20	89	282	795	843	939	
			954	1083	1443	1509	2219	
			2460	4015	4070	4087	4866	
			5445	5548	6238	6251	6372	
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWWGG	5	361	4210	4303	4913	5318	
EcoT22I	ATGCA!T	3	4053	4125	6456			
EcoT38I	GRGCY!C	7	1345	1424	1470	1578	3672	
			4846	5556				
EheI	GGC!GCC	2	1744	4482				
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	1	1508					
EspI	GC!TNAGC	1	1418					
FbaI	T!GATCA	2	2766	3138				
FinI	!GTCCC	4	4011	4083	4147	5442		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	4617	5149	
			5258					
Fnu4HI	GC!NGC	56	769	820	964	1081	1262	
			1376	1379	1390	1393	1402	
			1415	1439	1460	1507	1532	
			1535	1538	1567	1661	1703	
			1773	1794	1887	1890	2242	
			2414	2853	3033	3258	3777	
			3799	3813	4251	4390	4442	
			4453	4543	4548	4585	4626	

			4713	4716	4719	4955	5051
			5092	5106	5220	5559	5574
			5785	5991	5994	6059	6202
			6357				
FokI	GGATGNNNNNNNNNN!	5	1396	4348	4805	4830	5284
FokI	!NNNNNNNNNNNNNNNCATCC	8	691	779	836	991	2251
			2548	3073	4154		
FspI	TGC!GCA	2	1505	4583			
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	1561	1605	4381	4946	4973
GdiII	CGGCCRN!	2	1573	4393			
GsuI	!CTCCAG	3	952	1441	5278		
GsuI	!CTGGAG	4	1510	2143	3035	5299	
HaeI	WGG!CCW	8	1049	1280	2832	4302	4563
			5925	6377	6388		
HaeII	RGCG!Y	7	599	1595	1746	3748	3756
			4484	6159			
HaeIII	GG!CC	33	85	278	771	1014	1049
			1083	1106	1128	1238	1280
			1404	1569	1584	1613	1643
			2832	3447	3589	4244	4250
			4259	4302	4389	4563	4954
			4981	5490	5547	5580	5925
			6359	6377	6388		
HapII	C!CGG	22	602	1194	1326	1477	1581
			3123	3699	4386	4463	4485
			4513	4644	4734	4801	4982
			5257	5265	5357	5831	6021
			6047	6194			
HgaI	GACGCNNNNN!	5	527	1625	1632	5191	5270
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	5	1186	2042	3814	5709	6287
HgiAI	GWGCW!C	7	704	1345	1470	1578	4594
			4784	6089			
HgiEII	!ACCNNNNNNNGGT	1	5811				
HhaI	GCG!C	38	598	1397	1431	1464	1506
			1529	1531	1554	1566	1594
			1621	1628	1630	1653	1655
			1745	2031	2083	3747	3755
			3781	3803	3812	3825	3856
			4475	4483	4547	4584	4850
			5110	5286	5372	5775	5884
			6058	6158	6225		
HinII	GR!CGYC	10	123	176	259	445	1197
			1743	2053	4481	5183	5262
HinPII	G!CGC	38	596	1395	1429	1462	1504
			1527	1529	1552	1564	1592
			1619	1626	1628	1651	1653
			1743	2029	2081	3745	3753
			3779	3801	3810	3823	3854
			4473	4481	4545	4582	4848
			5108	5284	5370	5773	5882
			6056	6156	6223		
HincII	GTY!RAC	2	2212	3244			
HindIII	A!AGCTT	2	1347	1754			
HinfI	G!ANTC	21	411	750	900	1227	1329
			1727	1939	2045	2291	2314
			2621	3524	3546	3956	4966
			5100	5152	5210	5247	6029
			6425				
HpaI	GTT!AAC	1	3244				

HpaII	C!CGG	22	602 3123 4513 5257 6047	1194 3699 4644 5265 6194	1326 4386 4734 5357	1477 4463 4801 5831	1581 4485 4982 6021
HphI	GGTGANNNNNNNN!	6	377 5668	1006	1555	1826	5552
HphI	!NNNNNNNTCACC	4	895	1570	3598	4659	
KasI	G!GCGCC	2	1742	4480			
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	8	624 3948	1986 4825	2502 5035	2597	3006
KspI	CCGC!GG	1	1382				
MaeI	C!TAG	11	593 3330 5906	1299 3748	2295 4304	2589 5319	3129 5653
MaeII	A!CGT	17	123 445 3553 5565	135 978 3596 5698	176 1254 3706	259 2581 4597	340 3541 4784
MaeIII	!GTNAC	18	62 1814 3770 5863	149 2545 3782 5979	498 2839 4601 6042	901 2866 4907	1543 3269 5597
MamI	GATNN!NNATC	2	3143	4340			
MboI	!GATC	32	586 1665 2404 3138 4730 5290 5758	984 1732 2740 4318 4811 5649 5833	1134 1749 2766 4322 4820 5661	1160 1846 3116 4341 4898 5739	1334 1855 3125 4652 5274 5747
MboII	GAAGANNNNNNNN!	24	641 2003 2630 3020 3965	926 2237 2699 3023 4842	1039 2516 2734 3038 5052	1159 2519 2911 3065 5671	1227 2614 2939 3737
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	2529	5132	5299	5499	5742
McrI	!CGRYCG	4	602	1566	4386	6061	
MfeI	!CAATTG	1	3230				
MflI	R!GATCY	13	586 3125 5661	1160 4652 5747	1334 4898 5758	1846 5290	3116 5649
MluI	A!CGCGT	1	3367				
MmeI	!TCCRAC	2	1006	3548			
MmeI	!GTYGGA	3	1869	6024	6208		
MnlI	CCTCNNNNNNN!	22	783 1304 2671 4264 5972	962 1595 2818 4270 6296	977 1718 2900 5082	1060 1888 3200 5288	1193 2575 3209 5602
MnlI	!NNNNNNNGAGG	47	541 873 1446 1953 2319 2746 3012	663 982 1548 1986 2504 2955 3015	702 1038 1551 2031 2584 2958 3042	723 1227 1824 2117 2597 3006 3159	756 1260 1836 2130 2619 3009 3624

			3955	4233	4239	4276	4279
			4291	4331	4395	4531	4888
			5318	6221			
MroI	T!CCGGA	1	1325				
MscI	TGG!CCA	2	1280	4563			
MseI	T!TAA	22	8	639	864	1320	1737
			1923	2001	2991	3182	3243
			3364	3385	3396	3408	3419
			3436	3534	3805	5624	5638
			5643	5695			
MspI	C!CGG	22	602	1194	1326	1477	1581
			3123	3699	4386	4463	4485
			4513	4644	4734	4801	4982
			5257	5265	5357	5831	6021
			6047	6194			
MstI	TGC!GCA	2	1505	4583			
MstII	CC!TNAGG	3	879	3961	5593		
MunI	C!AATTG	1	3231				
MvaI	CC!WGG	20	91	284	797	845	941
			956	1085	1445	1511	2221
			2462	4017	4072	4089	4868
			5447	5550	6240	6253	6374
MvnI	CG!CG	30	61	1381	1395	1429	1438
			1464	1529	1554	1566	1619
			1621	1626	1628	1647	1653
			2029	3369	3405	3781	3801
			3825	3856	4547	4848	5286
			5370	5433	5502	5775	6356
NaeI	GCC!GGC	3	3700	4983	5266		
NarI	GG!CGCC	2	1743	4481			
NciI	CC!SGG	5	1194	4485	4645	5258	6022
NcoI	C!CATGG	3	361	4210	4913		
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	32	586	984	1134	1160	1334
			1665	1732	1749	1846	1855
			2404	2740	2766	3116	3125
			3138	4318	4322	4341	4652
			4730	4811	4820	4898	5274
			5290	5649	5661	5739	5747
			5758	5833			
NgoMI	G!CCGGC	3	3698	4981	5264		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	31	305	365	652	658	670
			748	814	894	1105	1987
			2024	2096	2114	2162	2248
			2304	2368	2470	3911	4051
			4123	4214	4355	4700	4886
			4917	4943	5299	5683	6403
			6454				
NlaIV	GGN!NCC	22	468	676	736	1127	1405
			1442	1744	3076	3118	3636
			3657	3669	3860	4021	4093
			4482	4517	5365	5444	5489
			6332	6371			
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	4053	4125	6456		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	8	652	1987	2304	2368	4051
			4123	4886	6403		

Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	1784	5163				
NspBII	CMG!CKG	11	1073	1381	1417	1537	1702	
			2422	3035	3979	4587	5816	
			6061					
NspII	GDGCH!C	17	677	704	737	1314	1345	
			1424	1470	1578	2921	3672	
			4427	4520	4594	4784	4846	
			5556	6089				
NspIII	C!YCGRG	2	1338	2556				
NspIV	G!GNCC	14	84	277	770	1013	1105	
			1126	1403	1642	3588	4997	
			5442	5488	5546	5579		
NunII	GG!CGCC	2	1743	4481				
PacI	TTAAT!TAA	0						
Paer71	C!TCGAG	1	1338					
PalI	GG!CC	33	85	278	771	1014	1049	
			1083	1106	1128	1238	1280	
			1404	1569	1584	1613	1643	
			2832	3447	3589	4244	4250	
			4259	4302	4389	4563	4954	
			4981	5490	5547	5580	5925	
			6359	6377	6388			
PflMI	CCANNNN!NTGG	0						
PleI	GAGTCNNNN!	4	908	2299	3532	3964		
PleI	!NNNNNGACTC	5	405	1323	3540	5146	6023	
PmaCI	CAC!GTG	0						
PmeI	GTTT!AAAC	0						
PmlI	CAC!GTG	0						
PpuMI	RG!GWCCY	0						
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1253					
PstI	CTGCA!G	4	1536	1542	1665	1891		
PvuI	CGAT!CG	0						
PvuII	CAG!CTG	6	1537	1702	2422	3035	3979	
			4587					
RmaI	C!TAG	11	593	1299	2295	2589	3129	
			3330	3748	4304	5319	5653	
			5906					
RsaI	GT!AC	15	220	245	300	333	384	
			541	665	815	1067	1490	
			2072	2580	2584	2983	4787	
RsrI	G!AATTC	0						
RsrII	CG!GWCCG	1	4997					
SacI	GAGCT!C	3	1345	1470	1578			
SacII	CCGC!GG	1	1382					
SalI	G!TCGAC	0						
Sau3AI	!GATC	32	586	984	1134	1160	1334	
			1665	1732	1749	1846	1855	
			2404	2740	2766	3116	3125	
			3138	4318	4322	4341	4652	
			4730	4811	4820	4898	5274	
			5290	5649	5661	5739	5747	
			5758	5833				
Sau96I	G!GNCC	14	84	277	770	1013	1105	
			1126	1403	1642	3588	4997	
			5442	5488	5546	5579		
SauI	CC!TNAGG	3	879	3961	5593			
ScaI	AGT!ACT	0						
ScrFI	CC!NGG	25	91	284	797	845	941	
			956	1085	1194	1445	1511	

			2221	2462	4017	4072	4089
			4485	4645	4868	5258	5447
			5550	6022	6240	6253	6374
SduI	GDGCH!C	17	677	704	737	1314	1345
			1424	1470	1578	2921	3672
			4427	4520	4594	4784	4846
			5556	6089			
SecI	C!CNNGG	22	361	708	843	844	939
			1379	2220	2460	4015	4087
			4210	4245	4254	4303	4644
			4913	5318	5445	5446	5548
			5549	6239			
SexI	!CTCGAG	1	1337				
SfaNI	GCATC>NNNNN!	11	858	2570	2655	2691	3095
			3297	4060	4132	4780	4844
			5119				
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	10	358	1011	1050	1179	1780
			2104	4439	4694	4910	6302
SfcI	C!TRYAG	8	1532	1538	1661	1887	2282
			3816	5943	6134		
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	4256				
SfuI	TT!CGAA	2	1784	5163			
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	2	4997	5442			
SmaI	CCC!GGG	0					
SnaBI	TAC!GTA	2	341	2582			
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	700	6085			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	2368	4051	4123	4886	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	3389	3942			
SstI	GAGCT!C	3	1345	1470	1578		
SstII	CCGC!GG	1	1382				
SstIII	!ACGT	17	122	134	175	258	339
			444	977	1253	2580	3540
			3552	3595	3705	4596	4783
			5564	5697			
StuI	AGG!CCT	2	1049	4302			
StyI	C!CWWGG	5	361	4210	4303	4913	5318
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	22	762	789	1257	1339	1352
			1494	1632	1668	1759	1784
			2685	3630	4321	4594	4750
			4774	4810	4972	5163	5208
			5463	6301			
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	1619	3501	4518	5186	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	5430				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	2	752	857			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	4385	4977		
TfiI	G!AWTC	12	750	1227	1727	1939	2045
			2314	2621	4966	5100	5210
			5247	6425			
ThaI	CG!CG	30	61	1381	1395	1429	1438
			1464	1529	1554	1566	1619

			1621	1626	1628	1647	1653
			2029	3369	3405	3781	3801
			3825	3856	4547	4848	5286
			5370	5433	5502	5775	6356
Tsp45I	!GTSAC	8	901	1543	1814	2545	2866
			3770	4601	4907		
TspEI	!AATT	21	19	1321	1780	2058	2250
			2321	2691	2708	2775	2844
			2950	3105	3231	3295	3373
			3399	3410	4057	4129	4221
			5639				
Tth111I	GACN!NNGTC	1	4599				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNNN!	1	5808				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	6	2293	2324	2667	4916	5776
			5815				
TthHB8I	T!CGA	22	762	789	1257	1339	1352
			1494	1632	1668	1759	1784
			2685	3630	4321	4594	4750
			4774	4810	4972	5163	5208
			5463	6301			
Van91I	CCANNNN!NTGG	0					
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	2	2294	3128			
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	3	1655	1746	4756		
XcyI	C!CCGGG	0					
XhoI	C!TCGAG	1	1338				
XhoII	R!GATCY	13	586	1160	1334	1846	3116
			3125	4652	4898	5290	5649
			5661	5747	5758		
XmaI	C!CCGGG	0					
XmaIII	C!GGCCG	2	1567	4387			
XmnI	GAANN!NNTTC	2	2313	2439			
XorII	CGAT!CG	0					