

## pTagGFP-N vector

## Table of restriction sites

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2576				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	646				
AccI	GT!MKAC	1	641				
AccII	CG!CG	19	61	652	768	1005	1323
			1404	1679	2055	2075	2099
			2130	2821	3122	3560	3644
			3707	3776	4049	4630	
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	30	371	404	529	652	684
			768	1005	1197	1200	1398
			2015	2042	2130	2240	2821
			2885	2986	2989	3269	3324
			3422	3560	3707	3847	4090
			4335	4456	4475	4602	4630
AciI	C!CGC	40	59	87	99	113	280
			508	590	650	895	1003
			1042	1180	1293	1309	1321
			1402	2070	2073	2087	2177
			2425	2437	2446	2458	2468
			2479	2525	2664	2727	3229
			3274	3340	3366	3491	3494
			3642	3774	4081	4225	4721
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	786
			2755	3457	3536		
AfaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	648	995	1106	1130
			1388	3061			
AflI	G!GWCC	3	1306	3271	3716		
AflII	C!TTAAG	1	1637				
AflIII	A!CRYGT	2	1125	4673			
AgeI	A!CCGGT	1	667				
AhaI	CC!SGG	6	658	659	2759	2919	3532
			4296				
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	786
			2755	3457	3536		
AhaIII	TTT!AAA	3	1457	3899	3918		
AluI	AG!CT	23	567	619	625	697	730
			802	835	1051	1099	1110
			1210	1384	1534	1701	1958
			2253	2541	2861	3319	4116
			4373	4419	4509		
Alw44I	G!TGCAC	2	743	4359			
AlwI	GGATCNNNN!	8	669	2623	2934	3180	3572
			3931	4029	4115		
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1255	2999	3543
			3930	4027			
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1356	3856	4264		
AocI	CC!TNAGG	2	2235	3867			
AocII	GDGCH!C	17	621	658	717	747	846
			909	1239	1286	1338	1946
			2701	2794	2868	3058	3120
			3830	4363			
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	2857				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	786

			2755	3457	3536			
ApaI	GGGCC!C	1	658					
ApaLI	G!TGCAC	2	743	4359				
ApoI	R!AATTY	4	630	1569	1673	1684		
ApyI	CC!WGG	20	91	284	847	857	959	
			980	1034	1088	1160	1241	
			1340	2291	2346	2363	3142	
			3721	3824	4514	4527	4648	
AquI	C!YCGRG	4	614	657	902	944		
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	923					
Asp718I	G!GTACC	1	646					
AspHI	GWGCW!C	8	621	747	909	1286	1338	
			2868	3058	4363			
AspI	GACN!NNGTC	1	2873					
AsuI	G!GNCC	15	84	277	654	655	849	
			1090	1250	1306	1318	1862	
			3271	3716	3762	3820	3853	
AsuII	TT!CGAA	2	628	3437				
AvaI	C!YCGRG	4	614	657	902	944		
AvaII	G!GWCC	3	1306	3271	3716			
AvaIII	ATGCA!T	3	2327	2399	4730			
AviII	TGC!GCA	1	2857					
AvrI	!CYCGRG	4	613	656	901	943		
AvrII	C!CTAGG	2	2577	3592				
AxyI	CC!TNAGG	2	2235	3867				
BalI	TGG!CCA	1	2837					
BamHI	G!GATCC	1	661					
BanI	G!GYRCC	5	466	646	1908	2754	2789	
BanII	GRGCY!C	5	621	658	1946	3120	3830	
BanIII	AT!CGAT	1	2595					
BbeI	GGCGC!C	1	2758					
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	786	
			2755	3457	3536			
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNN!	7	1219	1543	2828	2870	3391	
			3844	4344				
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	822	1346	2037	2702	2886	
			2979	4045	4251	4254		
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	11	751	763	811	892	1003	
			1093	1171	1264	1387	3181	
			3668					
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	1897	2715	4174			
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	6	658	659	2759	2919	3532	
			4296					
BfaI	C!TAG	8	593	1410	1604	2022	2578	
			3593	3927	4180			
BfrI	C!TTAAG	1	1637					
BglI	GCCNNNN!NGGC	4	91	213	284	2530		
BglII	A!GATCT	1	610					

BinI	!NNNNNGATCC	7	581 3930	656 4027	1255	2999	3543
BinI	GGATCNNNN!	8	669 3931	2623 4029	2934 4115	3180	3572
BlnI	C!CTAGG	2	2577	3592			
BmyI	GDGCH!C	17	621 909 2701 3830	658 1239 2794 4363	717 1286 2868	747 1338 3058	846 1946 3120
BpmI	!CTCCAG	1	3552				
BpmI	!CTGGAG	5	802	1099	1159	1339	3573
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	3	341	1871	3059		
BsaBI	GATNN!NNATC	3	1265	1417	2614		
BsaHI	GR!CGYC	8	123 2755	176 3457	259 3536	445	786
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	1	3744				
BsaJI	C!CNNGG	26	361 945 1240 2519 3592 4513	650 1003 1369 2528 3719	657 1032 2289 2577 3720	845 1087 2361 2918 3822	855 1239 2484 3187 3823
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	1	1204				
BsgI	!CTGCAC	1	819				
BsiEI	CGRY!CG	4	672	1402	2664	4339	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	25	50 1099 2485 3594 3842	684 1315 2736 3725 4195	846 1375 3280 3760 4474	979 1767 3561 3810 4640	1009 2093 3593 3811 4658
BslI	CCNNNNN!NNGG	25	50 1099 2485 3594 3842	684 1315 2736 3725 4195	846 1375 3280 3760 4474	979 1767 3561 3810 4640	1009 2093 3593 3811 4658
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	4	2184	2602	3621	3749	
BsmI	GAATGCN!	1	1506				
BsmI	G!CATTC	1	1599				
Bsp1286I	GDGCH!C	17	621 909 2701 3830	658 1239 2794 4363	717 1286 2868	747 1338 3058	846 1946 3120
BspDI	AT!CGAT	1	2595				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	2181	3953			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	3023	3473			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2642				
BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	38	91 401 841 1359 2083	213 727 885 1982 2322	245 768 894 2012 2394	284 774 1116 2039 2445	377 828 1308 2081 2524

			2530	2746	2830	2853	2992
			2998	3115	3198	3465	3652
			3856	4055	4627		
BsrFI	R!CCGGY	7	667	704	827	1972	3074
			3255	3538			
BsrI	ACTGGN!	3	2699	2900	4146		
BsrI	C!CAGT	6	296	883	1784	2462	4258
			4271				
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	3437			
BstEII	G!GTNACC	1	859				
BstI	G!GATCC	1	661				
BstNI	CC!WGG	20	91	284	847	857	959
			980	1034	1088	1160	1241
			1340	2291	2346	2363	3142
			3721	3824	4514	4527	4648
BstPI	G!GTNACC	1	859				
BstUI	CG!CG	19	61	652	768	1005	1323
			1404	1679	2055	2075	2099
			2130	2821	3122	3560	3644
			3707	3776	4049	4630	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	10	586	610	661	2926	3172
			3564	3923	3935	4021	4032
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2235	3867			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3437			
CcrI	C!TCGAG	1	614				
CelII	GC!TNAGC	0					
CfoI	GCG!C	25	598	768	938	966	1355
			2021	2029	2055	2077	2086
			2099	2130	2749	2757	2821
			2858	3124	3384	3560	3646
			4049	4158	4332	4432	4499
Cfr10I	R!CCGGY	7	667	704	827	1972	3074
			3255	3538			
Cfr13I	G!GNCC	15	84	277	654	655	849
			1090	1250	1306	1318	1862
			3271	3716	3762	3820	3853
Cfr9I	C!CCGGG	1	657				
CfrI	Y!GGCCR	7	748	1212	1399	2661	2835
			3226	3253			
ClaI	AT!CGAT	1	2595				
CpoI	CG!GWCCG	1	3271				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3437			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	94	43	85	94	278	567
			619	625	656	697	730
			750	802	835	850	951
			1051	1092	1099	1110	1119
			1148	1158	1210	1214	1251
			1319	1384	1401	1424	1534
			1701	1721	1863	1944	1958
			1972	2253	2294	2366	2489
			2518	2524	2533	2541	2564
			2576	2582	2663	2680	2688
			2715	2740	2824	2833	2837
			2861	2899	2975	2992	3011
			3074	3118	3128	3145	3228

			3255	3259	3296	3319	3335
			3515	3542	3603	3725	3764
			3821	3828	3835	3854	3865
			4116	4145	4188	4199	4264
			4343	4368	4373	4419	4509
			4607	4633	4651	4662	
CvnI	CC!TNAGG	2	2235	3867			
DdeI	C!TNAG	9	607	1280	1287	2235	2537
			3418	3867	3990	4399	
DpnI	GA!TC	23	588	612	663	725	809
			1262	1414	2594	2598	2617
			2928	3006	3087	3096	3174
			3550	3566	3925	3937	4015
			4023	4034	4109		
DpnII	!GATC	23	586	610	661	723	807
			1260	1412	2592	2596	2615
			2926	3004	3085	3094	3172
			3548	3564	3923	3935	4013
			4021	4032	4107		
DraI	TTT!AAA	3	1457	3899	3918		
DraII	RG!GNCCY	1	3853				
DraIII	CACNNN!GTG	3	1126	1333	1871		
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1826	2782	4571		
DsaI	C!CRYGG	6	361	650	1003	1369	2484
			3187				
DsaV	!CCNGG	26	89	282	656	657	845
			855	957	978	1032	1086
			1158	1239	1338	2289	2344
			2361	2757	2917	3140	3530
			3719	3822	4294	4512	4525
			4646				
EaeI	Y!GGCCR	7	748	1212	1399	2661	2835
			3226	3253			
EagI	C!GGCCG	2	1399	2661			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	1	973				
EarI	!GAAGAG	3	2226	3103	3313		
Ecl136II	GAG!CTC	1	619				
EclXI	C!GGCCG	2	1399	2661			
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	1	3744				
Eco47I	G!GWCC	3	1306	3271	3716		
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	2	1399	2661			
Eco57I	!CTGAAG	3	1051	2879	3311		
Eco57I	!CTTCAG	2	1347	4145			
Eco81I	CC!TNAGG	2	2235	3867			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	977				
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3853				
EcoO65I	G!GTNACC	1	859				
EcoRI	G!AATTC	1	630				
EcoRII	!CCWGG	20	89	282	845	855	957
			978	1032	1086	1158	1239
			1338	2289	2344	2361	3140
			3719	3822	4512	4525	4646
EcoRV	GAT!ATC	0					
EcoT14I	C!CWGGG	5	361	2484	2577	3187	3592
EcoT22I	ATGCA!T	3	2327	2399	4730		

EcoT38I	GRGCTC	5	621	658	1946	3120	3830
EheI	GGC!GCC	1	2756				
Esp3I	CGTCTCN!	0					
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0					
EspI	GC!TNAGC	0					
FbaI	T!GATCA	0					
FinI	!GTCCC	4	2285	2357	2421	3716	
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	2891	3423
			3532				
Fnu4HI	GC!NGC	37	769	836	1006	1198	1201
			1208	1360	1399	1402	1532
			2051	2073	2087	2525	2664
			2716	2727	2817	2822	2859
			2900	2987	2990	2993	3229
			3325	3366	3380	3494	3833
			3848	4059	4265	4268	4333
			4476	4631			
FokI	GGATGNNNNNNNN!	4	2622	3079	3104	3558	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	866	941	956	1070	2428
FspI	TGC!GCA	1	2857				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	1206	1393	2655	3220	3247
GdiII	CGGCCRN!	3	754	1405	2667		
GsuI	!CTCCAG	1	3552				
GsuI	!CTGGAG	5	802	1099	1159	1339	3573
HaeI	WGG!CCW	6	1148	2576	2837	4199	4651
			4662				
HaeII	RGCGC!Y	7	599	939	1356	2022	2030
			2758	4433			
HaeIII	GG!CC	29	85	278	656	750	850
			1092	1148	1158	1214	1251
			1319	1401	1721	1863	2518
			2524	2533	2576	2663	2837
			3228	3255	3764	3821	3854
			4199	4633	4651	4662	
HapII	C!CGG	21	602	658	668	705	828
			1973	2660	2737	2759	2787
			2918	3008	3075	3256	3531
			3539	3631	4105	4295	4321
			4468				
HgaI	GACGCNNNNN!	4	527	794	3465	3544	
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2088	3983	4561		
HgiAI	GWGCW!C	8	621	747	909	1286	1338
			2868	3058	4363		
HgiEII	!ACNNNNNNNGGT	1	4085				
HhaI	GCG!C	25	598	768	938	966	1355
			2021	2029	2055	2077	2086
			2099	2130	2749	2757	2821
			2858	3124	3384	3560	3646
			4049	4158	4332	4432	4499
Hin1I	GR!CGYC	8	123	176	259	445	786
			2755	3457	3536		
HinP1I	G!CGC	25	596	766	936	964	1353
			2019	2027	2053	2075	2084
			2097	2128	2747	2755	2819
			2856	3122	3382	3558	3644
			4047	4156	4330	4430	4497
HincII	GTY!RAC	2	642	1518			
HindIII	A!AGCTT	1	623				
HinfI	G!ANTC	14	411	605	1343	1406	1798

			1820	2230	3240	3374	3426
			3484	3521	4303	4699	
HpaI	GTT!AAC	1	1518				
HpaII	C!CGG	21	602	658	668	705	828
			1973	2660	2737	2759	2787
			2918	3008	3075	3256	3531
			3539	3631	4105	4295	4321
			4468				
HphI	GGTGANNNNNNNN!	7	377	871	1024	1048	1177
			3826	3942			
HphI	!NNNNNNNTCACC	2	1872	2933			
KasI	G!GCGCC	1	2754				
KpnI	GGTAC!C	1	650				
Ksp632I	CTCTTCN!	1	980				
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	2222	3099	3309		
KspI	CCGC!GG	2	653	1006			
MaeI	C!TAG	8	593	1410	1604	2022	2578
			3593	3927	4180		
MaeII	A!CGT	17	123	135	176	259	340
			445	741	1125	1233	1815
			1827	1870	1980	2871	3058
			3839	3972			
MaeIII	!GTNAC	13	62	149	498	859	1543
			2044	2056	2875	3181	3871
			4137	4253	4316		
MamI	GATNN!NNATC	3	1265	1417	2614		
MboI	!GATC	23	586	610	661	723	807
			1260	1412	2592	2596	2615
			2926	3004	3085	3094	3172
			3548	3564	3923	3935	4013
			4021	4032	4107		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	6	925	2011	2239	3116	3326
			3945				
MboII	!NNNNNNNTCTTC	6	919	967	3406	3573	3773
			4016				
McrI	!CGRYCG	4	668	1398	2660	4335	
MfeI	!CAATTG	1	1504				
MflI	R!GATCY	10	586	610	661	2926	3172
			3564	3923	3935	4021	4032
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1822				
MmeI	!GTYGGA	2	4298	4482			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	11	878	983	1474	1483	2538
			2544	3356	3562	3876	4246
			4570				
MnlI	!NNNNNNNGAGG	25	541	684	765	771	939
			1002	1014	1065	1155	1185
			1308	1433	1898	2229	2507
			2513	2550	2553	2565	2605
			2669	2805	3162	3592	4495
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	1	2837				
MseI	T!TAA	15	8	1456	1517	1638	1659
			1670	1682	1693	1710	1808
			2079	3898	3912	3917	3969
MspI	C!CGG	21	602	658	668	705	828
			1973	2660	2737	2759	2787
			2918	3008	3075	3256	3531
			3539	3631	4105	4295	4321

			4468					
MstI	TGC!GCA	1	2857					
MstII	CC!TNAGG	2	2235	3867				
MunI	C!AATTG	1	1505					
MvaI	CC!WGG	20	91	284	847	857	959	
			980	1034	1088	1160	1241	
			1340	2291	2346	2363	3142	
			3721	3824	4514	4527	4648	
MvnI	CG!CG	19	61	652	768	1005	1323	
			1404	1679	2055	2075	2099	
			2130	2821	3122	3560	3644	
			3707	3776	4049	4630		
NaeI	GCC!GGC	4	706	1974	3257	3540		
NarI	GG!CGCC	1	2755					
NciI	CC!SGG	6	658	659	2759	2919	3532	
			4296					
NcoI	C!CATGG	3	361	2484	3187			
NdeI	CA!TATG	1	235					
NdeII	!GATC	23	586	610	661	723	807	
			1260	1412	2592	2596	2615	
			2926	3004	3085	3094	3172	
			3548	3564	3923	3935	4013	
			4021	4032	4107			
NgoMI	G!CCGGC	4	704	1972	3255	3538		
NheI	G!CTAGC	1	592					
NlaIII	CATG!	21	305	365	682	913	943	
			1138	1333	1378	2185	2325	
			2397	2488	2629	2974	3160	
			3191	3217	3573	3957	4677	
			4728					
NlaIV	GGN!NCC	18	468	648	656	663	1252	
			1910	1931	1943	2134	2295	
			2367	2756	2791	3639	3718	
			3763	4606	4645			
NotI	GC!GGCCGC	1	1399					
NruI	TCG!CGA	0						
NsiI	ATGCA!T	3	2327	2399	4730			
Nsp(7524)I	RCATG!Y	4	2325	2397	3160	4677		
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3437				
NspBII	CMG!CKG	7	652	1005	1210	2253	2861	
			4090	4335				
NspII	GDGCH!C	17	621	658	717	747	846	
			909	1239	1286	1338	1946	
			2701	2794	2868	3058	3120	
			3830	4363				
NspIII	C!YCGRG	4	614	657	902	944		
NspIV	G!GNCC	15	84	277	654	655	849	
			1090	1250	1306	1318	1862	
			3271	3716	3762	3820	3853	
NunII	GG!CGCC	1	2755					
PacI	TTAAT!TAA	0						
Paer71	C!TCGAG	1	614					
PalI	GG!CC	29	85	278	656	750	850	
			1092	1148	1158	1214	1251	
			1319	1401	1721	1863	2518	
			2524	2533	2576	2663	2837	
			3228	3255	3764	3821	3854	
			4199	4633	4651	4662		
PflMI	CCANNNN!NTGG	2	1099	1375				

PleI	GAGTCNNNN!	3	1351	1806	2238		
PleI	!NNNNNGACTC	6	405 4297	599	1400	1814	3420
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	1	639				
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	3	1210	2253	2861		
RmaI	C!TAG	8	593 3593	1410 3927	1604 4180	2022	2578
RsaI	GT!AC	12	220 541 1388	245 648 3061	300 995	333 1106	384 1130
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	3271				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	2	653	1006			
SalI	G!TCGAC	1	640				
Sau3AI	!GATC	23	586 1260 2926 3548 4021	610 1412 3004 3564 4032	661 2592 3085 3923 4107	723 2596 3094 3935	807 2615 3172 4013
Sau96I	G!GNCC	15	84 1090 3271	277 1250 3716	654 1306 3762	655 1318 3820	849 1862 3853
SauI	CC!TNAGG	2	2235	3867			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	26	91 857 1160 2363 3721 4648	284 959 1241 2759 3824	658 980 1340 2919 4296	659 1034 2291 3142 4514	847 1088 2346 3532 4527
SduI	GDGCH!C	17	621 909 2701 3830	658 1239 2794 4363	717 1286 2868	747 1338 3058	846 1946 3120
SecI	C!CNNGG	26	361 945 1240 2519 3592 4513	650 1003 1369 2528 3719	657 1032 2289 2577 3720	845 1087 2361 2918 3822	855 1239 2484 3187 3823
SexI	!CTCGAG	1	613				
SfaNI	GCATCNNNNN!	9	717 2406	888 3054	1053 3118	1571 3393	2334
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	5	358	2713	2968	3184	4576
SfcI	C!TRYAG	4	635	2090	4217	4408	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2530				
SfuI	TT!CGAA	2	628	3437			
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	3	1306	3271	3716		
SmaI	CCC!GGG	1	659				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					

SnoI	G!TGCAC	2	743	4359				
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	2325	2397	3160			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	1663	2216				
SstI	GAGCT!C	1	621					
SstII	CCGC!GG	2	653	1006				
SstIII	!ACGT	17	122	134	175	258	339	
			444	740	1124	1232	1814	
			1826	1869	1979	2870	3057	
			3838	3971				
StuI	AGG!CCT	1	2576					
StyI	C!CWWGG	5	361	2484	2577	3187	3592	
StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	18	615	628	641	726	1020	
			1047	1191	1904	2595	2868	
			3024	3048	3084	3246	3437	
			3482	3737	4575			
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	1775	2792	3460			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3704					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	1	1382					
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2659	3251			
TfiI	G!AWTC	5	3240	3374	3484	3521	4699	
ThaI	CG!CG	19	61	652	768	1005	1323	
			1404	1679	2055	2075	2099	
			2130	2821	3122	3560	3644	
			3707	3776	4049	4630		
Tsp45I	!GTSAC	4	859	2044	2875	3181		
TspEI	!AATT	11	19	630	1505	1569	1647	
			1673	1684	2331	2403	2495	
			3913					
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2873					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4082					
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3190	4050	4089			
TthHB8I	T!CGA	18	615	628	641	726	1020	
			1047	1191	1904	2595	2868	
			3024	3048	3084	3246	3437	
			3482	3737	4575			
Van91I	CCANNNN!NTGG	2	1099	1375				
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	1409					
XcmI	!CCANNNNNNNNNTCG	1	3030					
XcyI	C!CCGGG	1	657					
XhoI	C!TCGAG	1	614					
XhoII	R!GATCY	10	586	610	661	2926	3172	
			3564	3923	3935	4021	4032	
XmaI	C!CCGGG	1	657					
XmaIII	C!GGCCG	2	1399	2661				
XmnI	GAANN!NNTTC	1	923					
XorII	CGAT!CG	0						