

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	3663				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	1	1377				
AccII	CG!CG	22	61	702	939	1257	1367
			1412	1695	1935	2730	2766
			3142	3162	3186	3217	3908
			4209	4647	4731	4794	4863
			5136	5717			
AccIII	T!CCGGA	1	1328				
AciI	G!CGG	34	371	404	529	618	702
			939	1131	1134	1412	1935
			1963	2107	2250	2373	3102
			3129	3217	3327	3908	3972
			4073	4076	4356	4411	4509
			4647	4794	4934	5177	5422
			5543	5562	5689	5717	
AciI	C!CGC	43	59	87	99	113	280
			508	590	829	937	976
			1114	1227	1243	1255	1365
			1693	2113	2215	2461	3157
			3160	3174	3264	3512	3524
			3533	3545	3555	3566	3612
			3751	3814	4316	4361	4427
			4453	4578	4581	4729	4861
			5168	5312	5808		
AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	720
			1456	3842	4544	4623	
AfaI	GT!AC	18	220	245	300	333	384
			541	929	1040	1064	1322
			1553	1745	1775	1789	2228
			2264	2357	4148		
AflI	G!GWCC	6	1240	1326	1882	1897	4358
			4803				
AflII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	3	1059	2728	5760		
AgeI	A!CCGGT	1	601				
AhaI	CC!SGG	7	1429	1430	1895	3846	4006
			4619	5383			
AhaII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	720
			1456	3842	4544	4623	
AhaIII	TTT!AAA	3	2544	4986	5005		
AluI	AG!CT	28	567	631	664	736	769
			985	1033	1044	1144	1318
			1346	1627	1944	1993	2046
			2064	2071	2621	2788	3045
			3340	3628	3948	4406	5203
			5460	5506	5596		
Alw44I	G!TGCAC	2	677	5446			
AlwI	GGATCNNNN!	11	2375	2423	2485	2494	3710
			4021	4267	4659	5018	5116
			5202				
AlwI	!NNNNNGATCC	8	581	1189	1915	2472	4086
			4630	5017	5114		
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1290	4943	5351		
AocI	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954		

AocII	GDGCH!C	18	651	681	780	843	1173
			1220	1272	1566	1650	1839
			3033	3788	3881	3955	4145
			4207	4917	5450		
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	3944				
AosII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	720
			1456	3842	4544	4623	
ApaI	GGGCC!C	0					
ApaLI	G!TGCAC	2	677	5446			
ApoI	R!AATTY	3	2656	2760	2771		
ApyI	CC!WGG	31	91	284	781	791	893
			914	968	1022	1094	1175
			1274	1462	1469	1757	1886
			2009	2054	2084	2147	2268
			2306	2384	3378	3433	3450
			4229	4808	4911	5601	5614
			5735				
AquI	C!YCGRG	5	836	878	1341	1428	1640
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	857				
Asp718I	G!GTACC	0					
AspHI	GWGCW!C	9	681	843	1220	1272	1566
			1650	3955	4145	5450	
AspI	GACN!NNGTC	2	1820	3960			
AsuI	G!GNCC	20	84	277	783	1024	1184
			1240	1252	1326	1431	1519
			1669	1882	1897	2444	2949
			4358	4803	4849	4907	4940
AsuII	TT!CGAA	1	4524				
AvaI	C!YCGRG	5	836	878	1341	1428	1640
AvaII	G!GWCC	6	1240	1326	1882	1897	4358
			4803				
AvaIII	ATGCA!T	3	3414	3486	5817		
AviII	TGC!GCA	1	3944				
AvrI	!CYCGRG	5	835	877	1340	1427	1639
AvrII	C!CTAGG	2	3664	4679			
AxyI	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954		
BalI	TGG!CCA	2	2030	3924			
BamHI	G!GATCC	1	2477				
BanI	G!GYRCC	9	466	1455	1464	1605	2252
			2308	2995	3841	3876	
BanII	GRGCY!C	3	3033	4207	4917		
BanIII	AT!CGAT	1	3682				
BbeI	GGCGC!C	2	1459	3845			
BbiII/AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	720
			1456	3842	4544	4623	
BbrPI	CAC!GTG	0					
BbsI	!GTCTTC	1	1435				
BbsI	!GAAGAC	0					
BbvI	GCAGCNNNNNNN!	7	1153	2630	3915	3957	4478
			4931	5431			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	756	1280	1614	1644	2023
			2058	2102	3124	3789	3973
			4066	5132	5338	5341	
BbvII	GAAGACNN!	0					
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	1	1429				

BcefI	ACGGCNNNNNNNNNNNN!	16	685 1027 1582 4755	697 1105 1971	745 1198 2049	826 1321 2095	937 1399 4268
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	5	1419	1771	2984	3802	5261
BcgI	!GCANNNNNNNTCG	0					
BcgI	!CGANNNNNNNTGC	1	1845				
BclI	T!GATCA	1	2499				
BcnI	CC!SGG	7	1429 4619	1430 5383	1895	3846	4006
BfaI	C!TAG	9	593 3665	2473 4680	2490 5014	2691 5267	3109
BfrI	C!TTAAG	0					
BglI	GCCNNNN!NGGC	5	91	213	284	1430	3617
BglII	A!GATCT	1	1337				
BinI	!NNNNNGATCC	8	581 4630	1189 5017	1915 5114	2472	4086
BinI	GGATCNNNN!	11	2375 4021 5202	2423 4267	2485 4659	2494 5018	3710 5116
BlnI	C!CTAGG	2	3664	4679			
BmyI	GDGCH!C	18	651 1220 3033 4207	681 1272 3788 4917	780 1566 3881 5450	843 1650 3955	1173 1839 4145
BpmI	!CTCCAG	1	4639				
BpmI	!CTGGAG	6	736 4660	1033	1093	1273	2053
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	3	341	2958	4146		
BsaBI	GATNN!NNATC	5	1199	2330	2414	2504	3701
BsaHI	GR!CGYC	9	123 1456	176 3842	259 4544	445 4623	720
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1715	4831			
BsaJI	C!CNNGG	38	361 966 1427 1665 2052 3448 4005 4909	779 1021 1428 1683 2146 3571 4274 4910	789 1173 1460 1953 2266 3606 4679 5600	879 1174 1468 2007 2304 3615 4806	937 1303 1641 2031 3376 3664 4807
BseAI	T!CCGGA	1	1328				
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	1	1138				
BsgI	!CTGCAC	1	753				
BsiEI	CGRY!CG	4	606	1959	3751	5426	
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	29	50 1033 1879 3823 4812 5282	618 1249 2152 4367 4847 5561	780 1309 2854 4648 4897 5727	913 1452 3180 4680 4898 5745	943 1818 3572 4681 4929
BslI	CCNNNNN!NNGG	29	50 1033 1879 3823	618 1249 2152 4367	780 1309 2854 4648	913 1452 3180 4680	943 1818 3572 4681

			4812	4847	4897	4898	4929
			5282	5561	5727	5745	
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	1720	3271	3689	4708	4836
BsmI	GAATGCN!	1	2593				
BsmI	G!CATTC	1	2686				
Bsp1286I	GDGCH!C	18	651	681	780	843	1173
			1220	1272	1566	1650	1839
			3033	3788	3881	3955	4145
			4207	4917	5450		
BspDI	AT!CGAT	1	3682				
BspEI	T!CCGGA	1	1328				
BspHI	T!CATGA	4	1914	2193	3268	5040	
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	4110	4560			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	3729				
BspMII	T!CCGGA	1	1328				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	48	91	213	245	284	377
			401	661	702	708	762
			775	819	828	1050	1242
			1293	1404	1409	1413	1430
			1462	1533	1654	1757	1941
			2036	3069	3099	3126	3168
			3170	3409	3481	3532	3611
			3617	3833	3917	3940	4079
			4085	4202	4285	4552	4739
			4943	5142	5714		
BsrFI	R!CCGGY	8	601	638	761	1403	3059
			4161	4342	4625		
BsrI	ACTGGN!	5	1586	1798	3786	3987	5233
BsrI	C!CAGT	6	296	817	2871	3549	5345
			5358				
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	1	4524				
BstEII	G!GTNACC	2	793	1822			
BstI	G!GATCC	1	2477				
BstNI	CC!WGG	31	91	284	781	791	893
			914	968	1022	1094	1175
			1274	1462	1469	1757	1886
			2009	2054	2084	2147	2268
			2306	2384	3378	3433	3450
			4229	4808	4911	5601	5614
			5735				
BstPI	G!GTNACC	2	793	1822			
BstUI	CG!CG	22	61	702	939	1257	1367
			1412	1695	1935	2730	2766
			3142	3162	3186	3217	3908
			4209	4647	4731	4794	4863
			5136	5717			
BstXI	CCANNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	12	586	1337	1920	2477	2486
			4013	4259	4651	5010	5022
			5108	5119			
Bsu36I	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954		
CbiI	TT!CGAA	1	4524				
CcrI	C!TCGAG	1	1341				
CelII	GC!TNAGC	0					
CfoI	GCG!C	29	598	702	872	900	1289
			1369	1458	1935	2352	3108

			3116	3142	3164	3173	3186
			3217	3836	3844	3908	3945
			4211	4471	4647	4733	5136
			5245	5419	5519	5586	
Cfr10I	R!CCGGY	8	601	638	761	1403	3059
			4161	4342	4625		
Cfr13I	G!GNCC	20	84	277	783	1024	1184
			1240	1252	1326	1431	1519
			1669	1882	1897	2444	2949
			4358	4803	4849	4907	4940
Cfr9I	C!CCGGG	1	1428				
CfrI	Y!GGCCR	11	682	1146	1783	1891	1956
			2028	2080	3748	3922	4313
			4340				
ClaI	AT!CGAT	1	3682				
CpoI	CG!GWCCG	1	4358				
Csp45I	TT!CGAA	1	4524				
CspI	CG!GSCCG	1	1431				
CviJI	RG!CY	119	43	85	94	278	567
			631	664	684	736	769
			784	885	985	1026	1033
			1044	1053	1082	1092	1144
			1148	1185	1253	1318	1346
			1386	1403	1407	1433	1520
			1627	1637	1670	1688	1739
			1760	1785	1889	1893	1938
			1944	1958	1993	2030	2036
			2046	2064	2071	2082	2137
			2376	2387	2445	2511	2621
			2788	2808	2950	3031	3045
			3059	3340	3381	3453	3576
			3605	3611	3620	3628	3651
			3663	3669	3750	3767	3775
			3802	3827	3911	3920	3924
			3948	3986	4062	4079	4098
			4161	4205	4215	4232	4315
			4342	4346	4383	4406	4422
			4602	4629	4690	4812	4851
			4908	4915	4922	4941	4952
			5203	5232	5275	5286	5351
			5430	5455	5460	5506	5596
			5694	5720	5738	5749	
CvnI	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954		
DdeI	C!TNAG	11	1214	1221	1334	2121	2346
			3322	3624	4505	4954	5077
			5486				
DpnI	GA!TC	31	588	659	743	1196	1339
			1712	1922	2297	2327	2333
			2369	2417	2479	2488	2501
			3681	3685	3704	4015	4093
			4174	4183	4261	4637	4653
			5012	5024	5102	5110	5121
			5196				
DpnII	!GATC	31	586	657	741	1194	1337
			1710	1920	2295	2325	2331
			2367	2415	2477	2486	2499
			3679	3683	3702	4013	4091
			4172	4181	4259	4635	4651
			5010	5022	5100	5108	5119

			5194					
DraI	TTT!AAA	3	2544	4986	5005			
DraII	RG!GNCCY	3	1669	1897	4940			
DraIII	CACNNN!GTG	5	1060	1267	1654	1834	2958	
DrdI	GACNNNN!NNGTC	4	2084	2913	3869	5658		
DsaI	C!CRYGG	7	361	937	1303	1953	2031	
			3571	4274				
DsaV	!CCNGG	38	89	282	779	789	891	
			912	966	1020	1092	1173	
			1272	1427	1428	1460	1467	
			1755	1884	1893	2007	2052	
			2082	2145	2266	2304	2382	
			3376	3431	3448	3844	4004	
			4227	4617	4806	4909	5381	
			5599	5612	5733			
EaeI	Y!GGCCR	11	682	1146	1783	1891	1956	
			2028	2080	3748	3922	4313	
			4340					
EagI	C!GGCCG	2	1956	3748				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0						
EarI	!CTCTTC	2	907	2128				
EarI	!GAAGAG	4	2058	3313	4190	4400		
Ecl136II	GAG!CTC	0						
EclXI	C!GGCCG	2	1956	3748				
Eco105I	TAC!GTA	1	341					
Eco31I	GGTCTCN!	0						
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1715	4831				
Eco47I	G!GWCC	6	1240	1326	1882	1897	4358	
			4803					
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	2	1956	3748				
Eco57I	!CTGAAG	4	985	1546	3966	4398		
Eco57I	!CTTCAG	2	1281	5232				
Eco81I	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954			
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	911					
EcoO109I	RG!GNCCY	3	1669	1897	4940			
EcoO65I	G!GTNACC	2	793	1822				
EcoRI	G!AATTC	0						
EcoRII	!CCWGG	31	89	282	779	789	891	
			912	966	1020	1092	1173	
			1272	1460	1467	1755	1884	
			2007	2052	2082	2145	2266	
			2304	2382	3376	3431	3448	
			4227	4806	4909	5599	5612	
			5733					
EcoRV	GAT!ATC	1	1360					
EcoT14I	C!CWGGG	6	361	1683	3571	3664	4274	
			4679					
EcoT22I	ATGCA!T	3	3414	3486	5817			
EcoT38I	GRGCY!C	3	3033	4207	4917			
EheI	GGC!GCC	2	1457	3843				
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	0						
FbaI	T!GATCA	1	2499					
FinI	!GTCCC	4	3372	3444	3508	4803		
FinI	!GGGAC	8	161	312	480	1583	1895	
			3978	4510	4619			
Fnu4HI	GC!NGC	44	703	770	940	1132	1135	

			1142	1294	1365	1628	1658
			1936	2037	2072	2116	2251
			2374	2619	3138	3160	3174
			3612	3751	3803	3814	3904
			3909	3946	3987	4074	4077
			4080	4316	4412	4453	4467
			4581	4920	4935	5146	5352
			5355	5420	5563	5718	
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	6	1364	2296	3709	4166	4191
			4645				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	10	800	875	890	1004	1523
			1856	2153	2198	2366	3515
FspI	TGC!GCA	1	3944				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	7	1140	1777	1885	1950	3742
			4307	4334			
GdiII	CGGCCRN!	4	688	1962	2086	3754	
GsuI	!CTCCAG	1	4639				
GsuI	!CTGGAG	6	736	1033	1093	1273	2053
			4660				
HaeI	WGG!CCW	9	1082	1688	2030	2387	3663
			3924	5286	5738	5749	
HaeII	RGCGC!Y	8	599	873	1290	1459	3109
			3117	3845	5520		
HaeIII	GG!CC	39	85	278	684	784	1026
			1082	1092	1148	1185	1253
			1403	1433	1520	1670	1688
			1785	1893	1958	2030	2082
			2387	2445	2808	2950	3605
			3611	3620	3663	3750	3924
			4315	4342	4851	4908	4941
			5286	5720	5738	5749	
HapII	C!CGG	27	602	639	762	1329	1389
			1404	1429	1812	1894	2442
			2484	3060	3747	3824	3846
			3874	4005	4095	4162	4343
			4618	4626	4718	5192	5382
			5408	5555			
HgaI	GACGCNNNNN!	4	527	728	4552	4631	
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	4	1865	3175	5070	5648	
HgiAI	GWGCW!C	9	681	843	1220	1272	1566
			1650	3955	4145	5450	
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	5172				
HhaI	GCG!C	29	598	702	872	900	1289
			1369	1458	1935	2352	3108
			3116	3142	3164	3173	3186
			3217	3836	3844	3908	3945
			4211	4471	4647	4733	5136
			5245	5419	5519	5586	
Hin1I	GR!CGYC	9	123	176	259	445	720
			1456	3842	4544	4623	
HinP1I	G!CGC	29	596	700	870	898	1287
			1367	1456	1933	2350	3106
			3114	3140	3162	3171	3184
			3215	3834	3842	3906	3943
			4209	4469	4645	4731	5134
			5243	5417	5517	5584	
HincII	GTY!RAC	2	1378	2605			
HindIII	A!AGCTT	0					
HinfI	G!ANTC	17	411	1277	1332	1499	1808

			2156	2438	2885	2907	3317
			4327	4461	4513	4571	4608
			5390	5786			
HpaI	GTT!AAC	1	2605				
HpaII	C!CGG	27	602	639	762	1329	1389
			1404	1429	1812	1894	2442
			2484	3060	3747	3824	3846
			3874	4005	4095	4162	4343
			4618	4626	4718	5192	5382
			5408	5555			
HphI	GGTGANNNNNNNN!	8	377	805	958	982	1111
			1826	4913	5029		
HphI	!NNNNNNNTCACC	8	1534	1567	1816	1918	1939
			2083	2959	4020		
KasI	G!GCGCC	2	1455	3841			
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	2	914	2135			
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	2054	3309	4186	4396	
KspI	CCG!GG	1	940				
MaeI	C!TAG	9	593	2473	2490	2691	3109
			3665	4680	5014	5267	
MaeII	A!CGT	20	123	135	176	259	340
			445	675	1059	1167	1746
			2001	2205	2902	2914	2957
			3067	3958	4145	4926	5059
MaeIII	!GTNAC	18	62	149	498	793	1573
			1814	1822	1976	2201	2630
			3131	3143	3962	4268	4958
			5224	5340	5403		
MamI	GATNN!NNATC	5	1199	2330	2414	2504	3701
MboI	!GATC	31	586	657	741	1194	1337
			1710	1920	2295	2325	2331
			2367	2415	2477	2486	2499
			3679	3683	3702	4013	4091
			4172	4181	4259	4635	4651
			5010	5022	5100	5108	5119
			5194				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	10	859	1711	1930	2071	2335
			3098	3326	4203	4413	5032
MboII	!NNNNNNNTCTTC	8	853	901	1429	2122	4493
			4660	4860	5103		
McrI	!CGRYCG	4	602	1955	3747	5422	
MfeI	!CAATTG	1	2591				
MflI	R!GATCY	12	586	1337	1920	2477	2486
			4013	4259	4651	5010	5022
			5108	5119			
MluI	A!CGCGT	1	2728				
MmeI	!TCCRAC	1	2909				
MmeI	!GTYGGA	2	5385	5569			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	21	812	917	1453	1550	1789
			1868	1922	1934	2059	2352
			2398	2458	2561	2570	3625
			3631	4443	4649	4963	5333
			5657				
MnlI	!NNNNNNNGAGG	31	541	618	699	705	873
			936	948	999	1089	1119
			1242	1509	1525	1635	1659
			1839	2115	2520	2985	3316
			3594	3600	3637	3640	3652

			3692	3756	3892	4249	4679
			5582				
MroI	T!CCGGA	1	1328				
MscI	TGG!CCA	2	2030	3924			
MseI	T!TAA	16	8	1983	2543	2604	2725
			2746	2757	2769	2780	2797
			2895	3166	4985	4999	5004
			5056				
MspI	C!CGG	27	602	639	762	1329	1389
			1404	1429	1812	1894	2442
			2484	3060	3747	3824	3846
			3874	4005	4095	4162	4343
			4618	4626	4718	5192	5382
			5408	5555			
MstI	TGC!GCA	1	3944				
MstII	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954		
MunI	C!AATTG	1	2592				
MvaI	CC!WGG	31	91	284	781	791	893
			914	968	1022	1094	1175
			1274	1462	1469	1757	1886
			2009	2054	2084	2147	2268
			2306	2384	3378	3433	3450
			4229	4808	4911	5601	5614
			5735				
MvnI	CG!CG	22	61	702	939	1257	1367
			1412	1695	1935	2730	2766
			3142	3162	3186	3217	3908
			4209	4647	4731	4794	4863
			5136	5717			
NaeI	GCC!GGC	5	640	1405	3061	4344	4627
NarI	GG!CGCC	2	1456	3842			
NciI	CC!SGG	7	1429	1430	1895	3846	4006
			4619	5383			
NcoI	C!CATGG	3	361	3571	4274		
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	31	586	657	741	1194	1337
			1710	1920	2295	2325	2331
			2367	2415	2477	2486	2499
			3679	3683	3702	4013	4091
			4172	4181	4259	4635	4651
			5010	5022	5100	5108	5119
			5194				
NgoMI	G!CCGGC	5	638	1403	3059	4342	4625
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	31	305	365	616	847	877
			1072	1267	1312	1396	1489
			1594	1717	1744	1868	1918
			2155	2197	2263	3272	3412
			3484	3575	3716	4061	4247
			4278	4304	4660	5044	5764
			5815				
NlaIV	GGN!NCC	28	468	1186	1387	1457	1466
			1607	1638	1671	1898	2111
			2254	2310	2377	2446	2479
			2997	3018	3030	3221	3382
			3454	3843	3878	4726	4805
			4850	5693	5732		
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					

NsiI	ATGCA!T	3	3414	3486	5817			
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	1396	3412	3484	4247	5764	
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	4524					
NspBII	CMG!CKG	7	939	1144	2115	3340	3948	
			5177	5422				
NspII	GDGCH!C	18	651	681	780	843	1173	
			1220	1272	1566	1650	1839	
			3033	3788	3881	3955	4145	
			4207	4917	5450			
NspIII	C!YCGRG	5	836	878	1341	1428	1640	
NspIV	G!GNCC	20	84	277	783	1024	1184	
			1240	1252	1326	1431	1519	
			1669	1882	1897	2444	2949	
			4358	4803	4849	4907	4940	
NunII	GG!CGCC	2	1456	3842				
PacI	TTAAT!TAA	0						
Paer71	C!TCGAG	1	1341					
PalI	GG!CC	39	85	278	684	784	1026	
			1082	1092	1148	1185	1253	
			1403	1433	1520	1670	1688	
			1785	1893	1958	2030	2082	
			2387	2445	2808	2950	3605	
			3611	3620	3663	3750	3924	
			4315	4342	4851	4908	4941	
			5286	5720	5738	5749		
PflMI	CCANNNN!NTGG	2	1033	1309				
PleI	GAGTCNNNN!	5	1285	2164	2446	2893	3325	
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	1326	1802	2901	4507	
			5384					
PmaCI	CAC!GTG	0						
PmeI	GTTT!AAAC	0						
PmlI	CAC!GTG	0						
PpuMI	RG!GWCCY	1	1897					
PshAI	GACNN!NNGTC	0						
PstI	CTGCA!G	0						
PvuI	CGAT!CG	0						
PvuII	CAG!CTG	3	1144	3340	3948			
RmaI	C!TAG	9	593	2473	2490	2691	3109	
			3665	4680	5014	5267		
RsaI	GT!AC	18	220	245	300	333	384	
			541	929	1040	1064	1322	
			1553	1745	1775	1789	2228	
			2264	2357	4148			
RsrI	G!AATTC	0						
RsrII	CG!GWCCG	1	4358					
SacI	GAGCT!C	0						
SacII	CCGC!GG	1	940					
SalI	G!TCGAC	1	1376					
Sau3AI	!GATC	31	586	657	741	1194	1337	
			1710	1920	2295	2325	2331	
			2367	2415	2477	2486	2499	
			3679	3683	3702	4013	4091	
			4172	4181	4259	4635	4651	
			5010	5022	5100	5108	5119	
			5194					
Sau96I	G!GNCC	20	84	277	783	1024	1184	
			1240	1252	1326	1431	1519	
			1669	1882	1897	2444	2949	
			4358	4803	4849	4907	4940	

SauI	CC!TNAGG	3	2121	3322	4954			
ScaI	AGT!ACT	1	2357					
ScrFI	CC!NGG	38	91	284	781	791	893	
			914	968	1022	1094	1175	
			1274	1429	1430	1462	1469	
			1757	1886	1895	2009	2054	
			2084	2147	2268	2306	2384	
			3378	3433	3450	3846	4006	
			4229	4619	4808	4911	5383	
			5601	5614	5735			
SduI	GDGCH!C	18	651	681	780	843	1173	
			1220	1272	1566	1650	1839	
			3033	3788	3881	3955	4145	
			4207	4917	5450			
SecI	C!CNNGG	38	361	779	789	879	937	
			966	1021	1173	1174	1303	
			1427	1428	1460	1468	1641	
			1665	1683	1953	2007	2031	
			2052	2146	2266	2304	3376	
			3448	3571	3606	3615	3664	
			4005	4274	4679	4806	4807	
			4909	4910	5600			
SexI	!CTCGAG	1	1340					
SfaNI	GCATCNNNNN!	13	651	822	987	1545	1578	
			1806	2175	2658	3421	3493	
			4141	4205	4480			
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358	1411	2274	3800	4055	
			4271	5663				
SfcI	C!TRYAG	4	1939	3177	5304	5495		
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	3617					
SfuI	TT!CGAA	1	4524					
SgrAI	CR!CCGGYG	0						
SinI	G!GWCC	6	1240	1326	1882	1897	4358	
			4803					
SmaI	CCC!GGG	1	1430					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	2	677	5446				
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	3412	3484	4247			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	2750	3303				
SstI	GAGCT!C	0						
SstII	CCGC!GG	1	940					
SstIII	!ACGT	20	122	134	175	258	339	
			444	674	1058	1166	1745	
			2000	2204	2901	2913	2956	
			3066	3957	4144	4925	5058	
StuI	AGG!CCT	1	3663					
StyI	C!CWGGG	6	361	1683	3571	3664	4274	
			4679					
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	1	1645					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	19	660	954	981	1125	1342	
			1377	1560	2016	2991	3682	
			3955	4111	4135	4171	4333	

			4524	4569	4824	5662	
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	1679	2862	3879	4547	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	4791				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	3	1316	1841	2326		
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	3746	4338		
TfiI	G!AWTC	6	1499	4327	4461	4571	4608
			5786				
ThaI	CG!CG	22	61	702	939	1257	1367
			1412	1695	1935	2730	2766
			3142	3162	3186	3217	3908
			4209	4647	4731	4794	4863
			5136	5717			
Tsp45I	!GTSAC	9	793	1573	1814	1822	1976
			2201	3131	3962	4268	
TspEI	!AATT	10	19	2592	2656	2734	2760
			2771	3418	3490	3582	5000
Tth111I	GACN!NNGTC	2	1820	3960			
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	2	2438	5169			
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	1706	4277	5137	5176	
TthHB8I	T!CGA	19	660	954	981	1125	1342
			1377	1560	2016	2991	3682
			3955	4111	4135	4171	4333
			4524	4569	4824	5662	
Van91I	CCANNNN!NTGG	2	1033	1309			
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	2489				
XcmI	!CCANNNNNNNNNTCG	1	4117				
XcyI	C!CCGGG	1	1428				
XhoI	C!TCGAG	1	1341				
XhoII	R!GATCY	12	586	1337	1920	2477	2486
			4013	4259	4651	5010	5022
			5108	5119			
XmaI	C!CCGGG	1	1428				
XmaIII	C!GGCCG	2	1956	3748			
XmnI	GAANN!NNTTC	1	857				
XorII	CGAT!CG	0					