

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	3317				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	0					
AccII	CG!CG	23	61	808	902	971	1205
			1625	1781	1783	1874	1991
			2420	2796	2816	2840	2871
			3562	3863	4301	4385	4448
			4517	4790	5371		
AccIII	T!CCGGA	2	637	2038			
AciI	G!CGG	30	371	404	529	782	1283
			1289	1759	1816	1826	2032
			2756	2783	2871	2981	3562
			3626	3727	3730	4010	4065
			4163	4301	4448	4588	4831
			5076	5197	5216	5343	5371
AciI	C!CGC	48	59	87	99	113	280
			508	590	643	688	900
			986	1062	1235	1238	1515
			1556	1623	1662	1779	1858
			1917	1951	1962	1989	2811
			2814	2828	2918	3166	3178
			3187	3199	3209	3220	3266
			3405	3468	3970	4015	4081
			4107	4232	4235	4383	4515
			4822	4966	5462		
AcyI	GR!CGYC	7	123	176	259	445	3496
			4198	4277			
AfaI	GT!AC	11	220	245	300	333	384
			541	679	911	1270	1726
			3802				
AflI	G!GWCC	5	640	673	1215	4012	4457
AflII	C!TTAAG	1	2378				
AflIII	A!CRYGT	1	5414				
AgeI	A!CCGGT	1	1735				
AhaI	CC!SGG	7	1242	1326	1755	3500	3660
			4273	5037			
AhaII	GR!CGYC	7	123	176	259	445	3496
			4198	4277			
AhaIII	TTT!AAA	4	2024	2198	4640	4659	
AluI	AG!CT	25	567	726	1092	1166	1266
			1317	1350	1422	1434	1455
			1671	1719	1974	2056	2275
			2442	2699	2994	3282	3602
			4060	4857	5114	5160	5250
Alw44I	G!TGCAC	1	5100				
AlwI	GGATCNNNN!	11	1252	1837	2139	2148	3364
			3675	3921	4313	4672	4770
			4856				
AlwI	!NNNNNGATCC	11	581	795	1053	2053	2077
			2101	2126	3740	4284	4671
			4768				
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	765	4597	5005		
AocI	CC!TNAGG	2	2976	4608			
AocII	GDGCH!C	11	1337	1466	1715	2687	3442
			3535	3609	3799	3861	4571

			5104					
Aor51HI	AGC!GCT	1	1847					
AosI	TGC!GCA	3	1804	1957	3598			
AosII	GR!CGYC	7	123	176	259	445	3496	
			4198	4277				
ApaI	GGGCC!C	0						
ApaLI	G!TGCAC	1	5100					
ApoI	R!AATTY	3	2310	2414	2425			
ApyI	CC!WGG	19	91	284	1342	1467	1579	
			1654	1708	1792	1930	1943	
			3032	3087	3104	3883	4462	
			4565	5255	5268	5389		
AquI	C!YCGRG	1	2051					
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	1507					
Asp718I	G!GTACC	0						
AspHI	GWGCW!C	3	3609	3799	5104			
AspI	GACN!NNGTC	3	633	1006	3614			
AsuI	G!GNCC	13	84	277	640	673	1132	
			1215	1469	2603	4012	4457	
			4503	4561	4594			
AsuII	TT!CGAA	1	4178					
AvaI	C!YCGRG	1	2051					
AvaII	G!GWCC	5	640	673	1215	4012	4457	
AvaIII	ATGCA!T	3	3068	3140	5471			
AviII	TGC!GCA	3	1804	1957	3598			
AvrI	!CYCGRG	1	2050					
AvrII	C!CTAGG	2	3318	4333				
AxyI	CC!TNAGG	2	2976	4608				
BalI	TGG!CCA	2	2006	3578				
BamHI	G!GATCC	1	2131					
BanI	G!GYRCC	7	466	1294	1332	1732	2649	
			3495	3530				
BanII	GRGCY!C	3	2687	3861	4571			
BanIII	AT!CGAT	1	3336					
BbeI	GGCGC!C	1	3499					
BbiII/AcyI	GR!CGYC	7	123	176	259	445	3496	
			4198	4277				
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	12	1094	1101	1313	1548	1970	
			1983	2284	3569	3611	4132	
			4585	5085				
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	13	632	692	1127	1130	1442	
			1940	2778	3443	3627	3720	
			4786	4992	4995			
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	12	1053	1095	1146	1371	1383	
			1431	1512	1623	1713	1746	
			3922	4409				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	5	829	1879	2638	3456	4915	
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	1	1397					
BclI	T!GATCA	1	2153					
BcnI	CC!SGG	7	1242	1326	1755	3500	3660	

			4273	5037				
BfaI	C!TAG	8	593	2144	2345	2763	3319	
			4334	4668	4921			
BfrI	C!TTAAG	1	2378					
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	623	925	
			3271					
BglII	A!GATCT	1	2047					
BinI	!NNNNNGATCC	11	581	795	1053	2053	2077	
			2101	2126	3740	4284	4671	
			4768					
BinI	GGATCNNNN!	11	1252	1837	2139	2148	3364	
			3675	3921	4313	4672	4770	
			4856					
BlnI	C!CTAGG	2	3318	4333				
BmyI	GDGCH!C	11	1337	1466	1715	2687	3442	
			3535	3609	3799	3861	4571	
			5104					
BpmI	!CTCCAG	1	4293					
BpmI	!CTGGAG	3	1221	1719	4314			
Bpu1102I	GC!TNAGC	0						
BsaAI	YAC!GTR	3	341	2612	3800			
BsaBI	GATNN!NNATC	2	2158	3355				
BsaHI	GR!CGYC	7	123	176	259	445	3496	
			4198	4277				
BsaI	GGTCTCN!	0						
BsaI	!NNNNNGAGACC	1	4485					
BsaJI	C!CNNGG	24	361	602	889	1325	1465	
			1488	1628	1652	1707	1754	
			3030	3102	3225	3260	3269	
			3318	3659	3928	4333	4460	
			4461	4563	4564	5254		
BseAI	T!CCGGA	2	637	2038				
BsePI	!GCGCGC	0						
BsgI	!GTGCAG	1	1086					
BsgI	!CTGCAC	3	645	705	1439			
BsiEI	CGRY!CG	2	3405	5080				
BsiWI	C!GTACG	0						
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	24	50	670	765	810	1241	
			1466	1629	2508	2834	3226	
			3477	4021	4302	4334	4335	
			4466	4501	4551	4552	4583	
			4936	5215	5381	5399		
BslI	CCNNNNN!NNGG	24	50	670	765	810	1241	
			1466	1629	2508	2834	3226	
			3477	4021	4302	4334	4335	
			4466	4501	4551	4552	4583	
			4936	5215	5381	5399		
BsmAI	!GTCTC	1	429					
BsmAI	!GAGAC	5	627	2925	3343	4362	4490	
BsmI	GAATGCN!	2	910	2247				
BsmI	G!CATTC	2	829	2340				
Bsp1286I	GDGCH!C	11	1337	1466	1715	2687	3442	
			3535	3609	3799	3861	4571	
			5104					
BspDI	AT!CGAT	1	3336					
BspeI	T!CCGGA	2	637	2038				
BspHI	T!CATGA	2	2922	4694				
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	689	3764	4214			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1810	3383				

BspMII	T!CCGGA	2	637	2038				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	45	91	213	245	284	377	
			401	623	864	925	985	
			998	1301	1307	1388	1448	
			1461	1505	1514	1787	1854	
			1863	1925	1990	2723	2753	
			2780	2822	2824	3063	3135	
			3186	3265	3271	3487	3571	
			3594	3733	3739	3856	3939	
			4206	4393	4597	4796	5368	
BsrFI	R!CCGGY	8	988	1297	1447	1735	2713	
			3815	3996	4279			
BsrI	ACTGGN!	5	770	779	3440	3641	4887	
BsrI	C!CAGT	7	296	759	1170	2525	3203	
			4999	5012				
BssHII	G!CGCGC	0						
Bst1107I	GTA!TAC	0						
BstBI	TT!CGAA	1	4178					
BstEII	G!GTNACC	0						
BstI	G!GATCC	1	2131					
BstNI	CC!WGG	19	91	284	1342	1467	1579	
			1654	1708	1792	1930	1943	
			3032	3087	3104	3883	4462	
			4565	5255	5268	5389		
BstPI	G!GTNACC	0						
BstUI	CG!CG	23	61	808	902	971	1205	
			1625	1781	1783	1874	1991	
			2420	2796	2816	2840	2871	
			3562	3863	4301	4385	4448	
			4517	4790	5371			
BstXI	CCANNNNN!NTGG	1	609					
BstYI	R!GATCY	14	586	1058	2047	2082	2106	
			2131	2140	3667	3913	4305	
			4664	4676	4762	4773		
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2976	4608				
CbiI	TT!CGAA	1	4178					
CcrI	C!TCGAG	1	2051					
CelII	GC!TNAGC	0						
CfoI	GCG!C	33	598	771	810	971	1205	
			1586	1627	1783	1805	1848	
			1868	1958	1993	2762	2770	
			2796	2818	2827	2840	2871	
			3490	3498	3562	3599	3865	
			4125	4301	4387	4790	4899	
			5073	5173	5240			
Cfr10I	R!CCGGY	8	988	1297	1447	1735	2713	
			3815	3996	4279			
Cfr13I	G!GNCC	13	84	277	640	673	1132	
			1215	1469	2603	4012	4457	
			4503	4561	4594			
Cfr9I	C!CCGGG	0						
CfrI	Y!GGCCR	8	917	1019	1368	2004	3402	
			3576	3967	3994			
ClaI	AT!CGAT	1	3336					
CpoI	CG!GWCCG	2	640	4012				
Csp45I	TT!CGAA	1	4178					
CspI	CG!GSCCG	0						
CviJI	RG!CY	106	43	85	94	278	567	
			617	726	858	871	919	

			992	1021	1048	1092	1133
			1166	1266	1317	1350	1370
			1422	1434	1455	1470	1493
			1499	1571	1671	1719	1753
			1790	1852	1905	1928	1946
			1961	1974	1984	2006	2056
			2165	2275	2442	2462	2604
			2685	2699	2713	2994	3035
			3107	3230	3259	3265	3274
			3282	3305	3317	3323	3404
			3421	3429	3456	3481	3565
			3574	3578	3602	3640	3716
			3733	3752	3815	3859	3869
			3886	3969	3996	4000	4037
			4060	4076	4256	4283	4344
			4466	4505	4562	4569	4576
			4595	4606	4857	4886	4929
			4940	5005	5084	5109	5114
			5160	5250	5348	5374	5392
			5403				
CvnI	CC!TNAGG	2	2976	4608			
DdeI	C!TNAG	9	1162	1180	2044	2976	3278
			4159	4608	4731	5140	
DpnI	GA!TC	33	588	802	884	923	974
			1060	1208	1246	1438	1831
			2049	2060	2084	2108	2133
			2142	2155	3335	3339	3358
			3669	3747	3828	3837	3915
			4291	4307	4666	4678	4756
			4764	4775	4850		
DpnII	!GATC	33	586	800	882	921	972
			1058	1206	1244	1436	1829
			2047	2058	2082	2106	2131
			2140	2153	3333	3337	3356
			3667	3745	3826	3835	3913
			4289	4305	4664	4676	4754
			4762	4773	4848		
DraI	TTT!AAA	4	2024	2198	4640	4659	
DraII	RG!GNCCY	1	4594				
DraIII	CACNNN!GTG	1	2612				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	2567	3523	5312		
DsaI	C!CRYGG	5	361	602	889	3225	3928
DsaV	!CCNGG	26	89	282	1240	1324	1340
			1465	1577	1652	1706	1753
			1790	1928	1941	3030	3085
			3102	3498	3658	3881	4271
			4460	4563	5035	5253	5266
			5387				
EaeI	Y!GGCCR	8	917	1019	1368	2004	3402
			3576	3967	3994		
EagI	C!GGCCG	1	3402				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	6	2069	2093	2117	2967	3844
			4054				
Ecl136II	GAG!CTC	0					
EclXI	C!GGCCG	1	3402				
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					

Eco31I	!NNNNNGAGACC	1	4485					
Eco47I	G!GWCC	5	640	673	1215	4012	4457	
Eco47III	AGC!GCT	1	1847					
Eco52I	C!GGCCG	1	3402					
Eco57I	!CTGAAG	5	1428	1500	1671	3620	4052	
Eco57I	!CTTCAG	1	4886					
Eco81I	CC!TNAGG	2	2976	4608				
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	1	4594					
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	0						
EcoRII	!CCWGG	19	89	282	1340	1465	1577	
			1652	1706	1790	1928	1941	
			3030	3085	3102	3881	4460	
			4563	5253	5266	5387		
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWWGG	6	361	602	3225	3318	3928	
			4333					
EcoT22I	ATGCA!T	3	3068	3140	5471			
EcoT38I	GRGCY!C	3	2687	3861	4571			
EheI	GGC!GCC	1	3497					
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	1	622					
EspI	GC!TNAGC	0						
FbaI	T!GATCA	1	2153					
FinI	!GTCCC	4	3026	3098	3162	4457		
FinI	!GGAC	6	161	312	480	3632	4164	
			4273					
Fnu4HI	GC!NGC	46	646	706	783	1083	1090	
			1141	1144	1238	1302	1456	
			1537	1817	1858	1917	1954	
			1959	1962	1972	2273	2792	
			2814	2828	3266	3405	3457	
			3468	3558	3563	3600	3641	
			3728	3731	3734	3970	4066	
			4107	4121	4235	4574	4589	
			4800	5006	5009	5074	5217	
			5372					
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	7	1291	1774	2014	3363	3820	
			3845	4299				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	4	1324	1690	1972	3169		
FspI	TGC!GCA	3	1804	1957	3598			
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	911	1013	3396	3961	3988	
GdiII	CGGCCRN!	2	1374	3408				
GsuI	!CTCCAG	1	4293					
GsuI	!CTGGAG	3	1221	1719	4314			
HaeI	WGG!CCW	9	1048	1928	1984	2006	3317	
			3578	4940	5392	5403		
HaeII	RGCGC!Y	6	599	1849	2763	2771	3499	
			5174					
HaeIII	GG!CC	29	85	278	919	1021	1048	
			1133	1370	1470	1499	1928	
			1984	2006	2462	2604	3259	
			3265	3274	3317	3404	3578	
			3969	3996	4505	4562	4595	
			4940	5374	5392	5403		
HapII	C!CGG	29	638	989	1241	1298	1325	
			1388	1448	1736	1754	1861	
			1906	2039	2138	2714	3401	

			3478	3500	3528	3659	3749
			3816	3997	4272	4280	4372
			4846	5036	5062	5209	
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	4206	4285		
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2829	4724	5302		
HgiAI	GWGCW!C	3	3609	3799	5104		
HgiEII	!ACCNNNNNNNGGT	1	4826				
HhaI	GCG!C	33	598	771	810	971	1205
			1586	1627	1783	1805	1848
			1868	1958	1993	2762	2770
			2796	2818	2827	2840	2871
			3490	3498	3562	3599	3865
			4125	4301	4387	4790	4899
			5073	5173	5240		
HinII	GR!CGYC	7	123	176	259	445	3496
			4198	4277			
HinPII	G!CGC	33	596	769	808	969	1203
			1584	1625	1781	1803	1846
			1866	1956	1991	2760	2768
			2794	2816	2825	2838	2869
			3488	3496	3560	3597	3863
			4123	4299	4385	4788	4897
			5071	5171	5238		
HincII	GTY!RAC	1	2259				
HindIII	A!AGCTT	0					
HinfI	G!ANTC	13	411	660	2042	2539	2561
			2971	3981	4115	4167	4225
			4262	5044	5440		
HpaI	GTT!AAC	1	2259				
HpaII	C!CGG	29	638	989	1241	1298	1325
			1388	1448	1736	1754	1861
			1906	2039	2138	2714	3401
			3478	3500	3528	3659	3749
			3816	3997	4272	4280	4372
			4846	5036	5062	5209	
HphI	GGTGANNNNNNNN!	6	377	825	1644	1668	4567
			4683				
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	877	1314	1940	2613	3674
KasI	G!GCGCC	1	3495				
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	6	2065	2089	2113	2963	3840
			4050				
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	8	593	2144	2345	2763	3319
			4334	4668	4921		
MaeII	A!CGT	19	123	135	176	259	340
			445	1007	1070	1274	1361
			1574	2556	2568	2611	2721
			3612	3799	4580	4713	
MaeIII	!GTNAC	16	62	149	498	761	958
			1230	1479	2284	2785	2797
			3616	3922	4612	4878	4994
			5057				
MamI	GATNN!NNATC	2	2158	3355			
MboI	!GATC	33	586	800	882	921	972
			1058	1206	1244	1436	1829
			2047	2058	2082	2106	2131
			2140	2153	3333	3337	3356

			3667	3745	3826	3835	3913
			4289	4305	4664	4676	4754
			4762	4773	4848		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	12	892	964	1044	1777	2082
			2106	2130	2752	2980	3857
			4067	4686			
MboII	!NNNNNNNTCTTC	7	1539	1584	1587	4147	4314
			4514	4757			
McrI	!CGRYCG	2	3401	5076			
MfeI	!CAATTG	1	2245				
MflI	R!GATCY	14	586	1058	2047	2082	2106
			2131	2140	3667	3913	4305
			4664	4676	4762	4773	
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	2563				
MmeI	!GTYGGA	3	669	5039	5223		
MnlI	CCTCNNNNNNNN!	12	814	1486	1498	2215	2224
			3279	3285	4097	4303	4617
			4987	5311			
MnlI	!NNNNNNNGAGG	23	541	1067	1304	1385	1391
			1622	1634	1685	1973	2174
			2639	2970	3248	3254	3291
			3294	3306	3346	3410	3546
			3903	4333	5236		
MroI	T!CCGGA	2	637	2038			
MscI	TGG!CCA	2	2006	3578			
MseI	T!TAA	17	8	1901	2023	2197	2258
			2379	2400	2411	2423	2434
			2451	2549	2820	4639	4653
			4658	4710			
MspI	C!CGG	29	638	989	1241	1298	1325
			1388	1448	1736	1754	1861
			1906	2039	2138	2714	3401
			3478	3500	3528	3659	3749
			3816	3997	4272	4280	4372
			4846	5036	5062	5209	
MstI	TGC!GCA	3	1804	1957	3598		
MstII	CC!TNAGG	2	2976	4608			
MunI	C!AATTG	1	2246				
MvaI	CC!WGG	19	91	284	1342	1467	1579
			1654	1708	1792	1930	1943
			3032	3087	3104	3883	4462
			4565	5255	5268	5389	
MvnI	CG!CG	23	61	808	902	971	1205
			1625	1781	1783	1874	1991
			2420	2796	2816	2840	2871
			3562	3863	4301	4385	4448
			4517	4790	5371		
NaeI	GCC!GGC	4	990	2715	3998	4281	
NarI	GG!CGCC	1	3496				
NciI	CC!SGG	7	1242	1326	1755	3500	3660
			4273	5037			
NcoI	C!CATGG	4	361	602	3225	3928	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	33	586	800	882	921	972
			1058	1206	1244	1436	1829
			2047	2058	2082	2106	2131
			2140	2153	3333	3337	3356
			3667	3745	3826	3835	3913

			4289	4305	4664	4676	4754
			4762	4773	4848		
NgoMI	G!CCGGC	4	988	2713	3996	4279	
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	23	305	365	606	745	1020
			1215	1260	1533	1563	1812
			2926	3066	3138	3229	3370
			3715	3901	3932	3958	4314
			4698	5418	5469		
NlaIV	GGN!NCC	20	468	1134	1296	1334	1734
			1910	2133	2651	2672	2684
			2875	3036	3108	3497	3532
			4380	4459	4504	5347	5386
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	3068	3140	5471		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	4	3066	3138	3901	5418	
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	4178				
NspBII	CMG!CKG	8	645	782	1953	1974	2994
			3602	4831	5076		
NspII	GDGCH!C	11	1337	1466	1715	2687	3442
			3535	3609	3799	3861	4571
			5104				
NspIII	C!YCGRG	1	2051				
NspIV	G!GNCC	13	84	277	640	673	1132
			1215	1469	2603	4012	4457
			4503	4561	4594		
NunII	GG!CGCC	1	3496				
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	2051				
PalI	GG!CC	29	85	278	919	1021	1048
			1133	1370	1470	1499	1928
			1984	2006	2462	2604	3259
			3265	3274	3317	3404	3578
			3969	3996	4505	4562	4595
			4940	5374	5392	5403	
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	765				
PleI	GAGTCNNNN!	2	2547	2979			
PleI	!NNNNNGACTC	5	405	2036	2555	4161	5038
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	0					
PstI	CTGCA!G	0					
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	3	1974	2994	3602		
RmaI	C!TAG	8	593	2144	2345	2763	3319
			4334	4668	4921		
RsaI	GT!AC	11	220	245	300	333	384
			541	679	911	1270	1726
			3802				
RsrI	G!AATTC	0					
RsrII	CG!GWCCG	2	640	4012			
SacI	GAGCT!C	0					
SacII	CCGC!GG	0					
SalI	G!TCGAC	0					
Sau3AI	!GATC	33	586	800	882	921	972
			1058	1206	1244	1436	1829

			2047	2058	2082	2106	2131
			2140	2153	3333	3337	3356
			3667	3745	3826	3835	3913
			4289	4305	4664	4676	4754
			4762	4773	4848		
Sau96I	G!GNCC	13	84	277	640	673	1132
			1215	1469	2603	4012	4457
			4503	4561	4594		
SauI	CC!TNAGG	2	2976	4608			
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	26	91	284	1242	1326	1342
			1467	1579	1654	1708	1755
			1792	1930	1943	3032	3087
			3104	3500	3660	3883	4273
			4462	4565	5037	5255	5268
			5389				
SduI	GDGCH!C	11	1337	1466	1715	2687	3442
			3535	3609	3799	3861	4571
			5104				
SecI	C!CNNGG	24	361	602	889	1325	1465
			1488	1628	1652	1707	1754
			3030	3102	3225	3260	3269
			3318	3659	3928	4333	4460
			4461	4563	4564	5254	
SexI	!CTCGAG	1	2050				
SfaNI	GCATCNNNNN!	9	1049	1673	1688	2312	3075
			3147	3795	3859	4134	
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358	935	1395	3454	3709
			3925	5317			
SfcI	C!TRYAG	3	2831	4958	5149		
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	3271				
SfuI	TT!CGAA	1	4178				
SgrAI	CR!CCGGYG	0					
SinI	G!GWCC	5	640	673	1215	4012	4457
SmaI	CCC!GGG	0					
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	1	5100				
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	3	3066	3138	3901		
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	2404	2957			
SstI	GAGCT!C	0					
SstII	CCGC!GG	0					
SstIII	!ACGT	19	122	134	175	258	339
			444	1006	1069	1273	1360
			1573	2555	2567	2610	2720
			3611	3798	4579	4712	
StuI	AGG!CCT	1	3317				
StyI	C!CWWGG	6	361	602	3225	3318	3928
			4333				
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	19	791	1073	1346	1640	1667
			1682	2012	2052	2645	3336
			3609	3765	3789	3825	3987

			4178	4223	4478	5316	
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	2516	3533	4201		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	4445				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	0					
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	3400	3992		
TfiI	G!AWTC	6	660	3981	4115	4225	4262
			5440				
ThaI	CG!CG	23	61	808	902	971	1205
			1625	1781	1783	1874	1991
			2420	2796	2816	2840	2871
			3562	3863	4301	4385	4448
			4517	4790	5371		
Tsp45I	!GTSAC	6	958	1230	1479	2785	3616
			3922				
TspEI	!AATT	10	19	2246	2310	2388	2414
			2425	3072	3144	3236	4654
Tth111I	GACN!NNGTC	3	633	1006	3614		
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	2	1042	4823			
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	5	838	954	3931	4791	4830
TthHB8I	T!CGA	19	791	1073	1346	1640	1667
			1682	2012	2052	2645	3336
			3609	3765	3789	3825	3987
			4178	4223	4478	5316	
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	765				
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	2143				
XcmI	!CCANNNNNNNNNNTCG	1	3771				
XcyI	C!CCGGG	0					
XhoI	C!TCGAG	1	2051				
XhoII	R!GATCY	14	586	1058	2047	2082	2106
			2131	2140	3667	3913	4305
			4664	4676	4762	4773	
XmaI	C!CCGGG	0					
XmaIII	C!GGCCG	1	3402				
XmnI	GAANN!NNTTC	1	1507				
XorII	CGAT!CG	0					