

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2553				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	1352				
AccI	GT!MKAC	1	1347				
AccII	CG!CG	21	61	702	933	972	1257
			1287	1358	1620	1656	2032
			2052	2076	2107	2798	3099
			3537	3621	3684	3753	4026
			4607				
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	28	371	404	529	621	702
			1179	1182	1358	1992	2019
			2107	2217	2798	2862	2963
			2966	3246	3301	3399	3537
			3684	3824	4067	4312	4433
			4452	4579	4607		
AciI	C!CGC	36	59	87	99	113	280
			508	590	700	931	1255
			1300	1356	2047	2050	2064
			2154	2402	2414	2423	2435
			2445	2456	2502	2641	2704
			3206	3251	3317	3343	3468
			3471	3619	3751	4058	4202
			4698				
AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	624
			813	2732	3434	3513	
AfaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	833	965	1058	1205
			1354	3038			
AflI	G!GWCC	2	3248	3693			
AflII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	2	1618	4650			
AgeI	A!CCGGT	1	601				
AhaI	CC!SGG	6	1364	1365	2736	2896	3509
			4273				
AhaII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	624
			813	2732	3434	3513	
AhaIII	TTT!AAA	3	1434	3876	3895		
AluI	AG!CT	19	567	844	864	979	1218
			1231	1325	1331	1511	1678
			1935	2230	2518	2838	3296
			4093	4350	4396	4486	
Alw44I	G!TGCAC	2	1190	4336			
AlwI	GGATCNNNN!	10	1324	1375	1384	2600	2911
			3157	3549	3908	4006	4092
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	640	1362	2976	3520
			3907	4004			
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3833	4241			
AocI	CC!TNAGG	2	2212	3844			
AocII	GDGCH!C	15	774	780	788	1194	1200
			1327	1364	1923	2678	2771
			2845	3035	3097	3807	4340
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				

AosI	TGC!GCA	1	2834					
AosII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	624	
			813	2732	3434	3513		
ApaI	GGGCC!C	1	1364					
ApaLI	G!TGCAC	2	1190	4336				
ApoI	R!AATY	4	1336	1546	1650	1661		
ApyI	CC!WGG	15	91	284	781	791	989	
			1313	2268	2323	2340	3119	
			3698	3801	4491	4504	4625	
AquI	C!YCGRG	4	839	1199	1320	1363		
AscI	GG!CGGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	851					
Asp718I	G!GTACC	1	1352					
AspHI	GWGCW!C	6	788	1194	1327	2845	3035	
			4340					
AspI	GACN!NNGTC	1	2850					
AsuI	G!GNCC	12	84	277	836	1184	1360	
			1361	1839	3248	3693	3739	
			3797	3830				
AsuII	TT!CGAA	2	1334	3414				
AvaI	C!YCGRG	4	839	1199	1320	1363		
AvaII	G!GWCC	2	3248	3693				
AvaIII	ATGCA!T	3	2304	2376	4707			
AviII	TGC!GCA	1	2834					
AvrI	!CYCGRG	4	838	1198	1319	1362		
AvrII	C!CTAGG	2	2554	3569				
AxyI	CC!TNAGG	2	2212	3844				
BalI	TGG!CCA	4	684	987	1008	2814		
BamHI	G!GATCC	1	1367					
BanI	G!GYRCC	7	466	623	812	1352	1885	
			2731	2766				
BanII	GRGCI!C	5	1327	1364	1923	3097	3807	
BanIII	AT!CGAT	1	2572					
BbeI	GGCGC!C	3	627	816	2735			
BbiIII/AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	624	
			813	2732	3434	3513		
BbrPI	CAC!GTG	3	1012	1195	1225			
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	9	630	969	1137	1520	2805	
			2847	3368	3821	4321		
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	8	851	2014	2679	2863	2956	
			4022	4228	4231			
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	655	730	826	850	1099	
			3158	3645				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1275	1874	2692	4151		
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	1	1389					
BcnI	CC!SGG	6	1364	1365	2736	2896	3509	
			4273					
BfaI	C!TAG	8	593	1380	1581	1999	2555	

			3570	3904	4157		
BfrI	C!TTAAG	0					
BglI	GCCNNNN!NGGC	4	91	213	284	2507	
BglII	A!GATCT	1	1104				
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	640	1362	2976	3520
			3907	4004			
BinI	GGATCNNNN!	10	1324	1375	1384	2600	2911
			3157	3549	3908	4006	4092
BlnI	C!CTAGG	2	2554	3569			
BmyI	GDGCH!C	15	774	780	788	1194	1200
			1327	1364	1923	2678	2771
			2845	3035	3097	3807	4340
BpmI	!CTCCAG	1	3529				
BpmI	!CTGGAG	3	780	1027	3550		
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	1232				
BsaAI	YAC!GTR	8	341	655	883	1012	1195
			1225	1848	3036		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	1394	2591			
BsaHI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	624
			813	2732	3434	3513	
BsaI	GGTCTCN!	0					
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1271	3721			
BsaJI	C!CNNGG	25	361	637	700	779	789
			936	988	1290	1312	1356
			1363	2266	2338	2461	2496
			2505	2554	2895	3164	3569
			3696	3697	3799	3800	4490
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	1	1284				
BsgI	!GTGCAG	1	883				
BsgI	!CTGCAC	1	753				
BsiEI	CGRY!CG	3	606	2641	4316		
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	24	50	655	706	780	937
			1015	1178	1744	2070	2462
			2713	3257	3538	3570	3571
			3702	3737	3787	3788	3819
			4172	4451	4617	4635	
BslI	CCNNNNN!NNGG	24	50	655	706	780	937
			1015	1178	1744	2070	2462
			2713	3257	3538	3570	3571
			3702	3737	3787	3788	3819
			4172	4451	4617	4635	
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	5	1276	2161	2579	3598	3726
BsmI	GAATGCN!	1	1483				
BsmI	G!CATTC	1	1576				
Bsp1286I	GDGCH!C	15	774	780	788	1194	1200
			1327	1364	1923	2678	2771
			2845	3035	3097	3807	4340
BspDI	AT!CGAT	1	2572				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	2158	3930			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	3000	3450			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2619				
BspMII	T!CCGGA	0					

BspWI	GCNNNNN!NNGC	34	91	213	245	284	377
			401	708	723	762	819
			1092	1131	1959	1989	2016
			2058	2060	2299	2371	2422
			2501	2507	2723	2807	2830
			2969	2975	3092	3175	3442
			3629	3833	4032	4604	
BsrFI	R!CCGGY	7	601	761	1121	1949	3051
			3232	3515			
BsrI	ACTGGN!	3	2676	2877	4123		
BsrI	C!CAGT	7	296	745	817	1761	2439
			4235	4248			
BssHII	G!CGCGC	1	1285				
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	1334	3414			
BstEII	G!GTNACC	2	793	940			
BstI	G!GATCC	1	1367				
BstNI	CC!WGG	15	91	284	781	791	989
			1313	2268	2323	2340	3119
			3698	3801	4491	4504	4625
BstPI	G!GTNACC	2	793	940			
BstUI	CG!CG	21	61	702	933	972	1257
			1287	1358	1620	1656	2032
			2052	2076	2107	2798	3099
			3537	3621	3684	3753	4026
			4607				
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	13	586	645	1104	1316	1367
			1376	2903	3149	3541	3900
			3912	3998	4009		
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2212	3844			
CbiI	TT!CGAA	2	1334	3414			
CcrI	C!TCGAG	1	1320				
CelII	GC!TNAGC	1	1232				
CfoI	GCG!C	28	598	626	815	894	935
			1097	1287	1289	1998	2006
			2032	2054	2063	2076	2107
			2726	2734	2798	2835	3101
			3361	3537	3623	4026	4135
			4309	4409	4476		
Cfr10I	R!CCGGY	7	601	761	1121	1949	3051
			3232	3515			
Cfr13I	G!GNCC	12	84	277	836	1184	1360
			1361	1839	3248	3693	3739
			3797	3830			
Cfr9I	C!CCGGG	1	1363				
CfrI	Y!GGCCR	8	682	985	1006	1146	2638
			2812	3203	3230		
ClaI	AT!CGAT	1	2572				
CpoI	CG!GWCCG	1	3248				
Csp45I	TT!CGAA	2	1334	3414			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	91	43	85	94	278	567
			684	711	837	844	864
			879	979	987	993	1008
			1076	1086	1148	1185	1218

			1231	1269	1325	1331	1362
			1401	1511	1678	1698	1840
			1921	1935	1949	2230	2271
			2343	2466	2495	2501	2510
			2518	2541	2553	2559	2640
			2657	2665	2692	2717	2801
			2810	2814	2838	2876	2952
			2969	2988	3051	3095	3105
			3122	3205	3232	3236	3273
			3296	3312	3492	3519	3580
			3702	3741	3798	3805	3812
			3831	3842	4093	4122	4165
			4176	4241	4320	4345	4350
			4396	4486	4584	4610	4628
			4639				
CvnI	CC!TNAGG	2	2212	3844			
DdeI	C!TNAG	7	1232	2212	2514	3395	3844
			3967	4376			
DpnI	GA!TC	27	588	647	1071	1106	1118
			1152	1251	1318	1369	1378
			1391	2571	2575	2594	2905
			2983	3064	3073	3151	3527
			3543	3902	3914	3992	4000
			4011	4086			
DpnII	!GATC	27	586	645	1069	1104	1116
			1150	1249	1316	1367	1376
			1389	2569	2573	2592	2903
			2981	3062	3071	3149	3525
			3541	3900	3912	3990	3998
			4009	4084			
DraI	TTT!AAA	3	1434	3876	3895		
DraII	RG!GNCCY	1	3830				
DraIII	CACNNN!GTG	1	1848				
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1803	2759	4548		
DsaI	C!CRYGG	7	361	637	700	1290	1356
			2461	3164			
DsaV	!CCNGG	21	89	282	779	789	987
			1311	1362	1363	2266	2321
			2338	2734	2894	3117	3507
			3696	3799	4271	4489	4502
			4623				
EaeI	Y!GGCCR	8	682	985	1006	1146	2638
			2812	3203	3230		
EagI	C!GGCCG	1	2638				
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	4	1089	2203	3080	3290	
Ecl136II	GAG!CTC	1	1325				
EclXI	C!GGCCG	1	2638				
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	1271	3721			
Eco47I	G!GWCC	2	3248	3693			
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	1	2638				
Eco57I	!CTGAAG	4	844	1087	2856	3288	

Eco57I	!CTTCAG	2	690	4122				
Eco81I	CC!TNAGG	2	2212	3844				
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3830					
EcoO65I	G!GTNACC	2	793	940				
EcoRI	G!AATTC	1	1336					
EcoRII	!CCWGG	15	89	282	779	789	987	
			1311	2266	2321	2338	3117	
			3696	3799	4489	4502	4623	
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWWGG	5	361	2461	2554	3164	3569	
EcoT22I	ATGCA!T	3	2304	2376	4707			
EcoT38I	GRGCY!C	5	1327	1364	1923	3097	3807	
EheI	GGC!GCC	3	625	814	2733			
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	1	1232					
FbaI	T!GATCA	1	1389					
FinI	!GTCCC	4	2262	2334	2398	3693		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	2868	3400	
			3509					
Fnu4HI	GC!NGC	36	619	622	865	958	1126	
			1180	1183	1300	1509	2028	
			2050	2064	2502	2641	2693	
			2704	2794	2799	2836	2877	
			2964	2967	2970	3206	3302	
			3343	3357	3471	3810	3825	
			4036	4242	4245	4310	4453	
			4608					
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	8	692	752	1016	1253	2599	
			3056	3081	3535			
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	2	683	2405				
FspI	TGC!GCA	1	2834					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	1140	2632	3197	3224		
GdiII	CGGCCRN!	1	2644					
GsuI	!CTCCAG	1	3529					
GsuI	!CTGGAG	3	780	1027	3550			
HaeI	WGG!CCW	9	684	987	1008	1076	2553	
			2814	4176	4628	4639		
HaeII	RGCGC!Y	8	599	627	816	1098	1999	
			2007	2735	4410			
HaeIII	GG!CC	28	85	278	684	837	987	
			1008	1076	1086	1148	1185	
			1362	1698	1840	2495	2501	
			2510	2553	2640	2814	3205	
			3232	3741	3798	3831	4176	
			4610	4628	4639			
HapII	C!CGG	21	602	762	1122	1364	1374	
			1950	2637	2714	2736	2764	
			2895	2985	3052	3233	3508	
			3516	3608	4082	4272	4298	
			4445					
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3442	3521			
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2065	3960	4538			
HgiAI	GWGCW!C	6	788	1194	1327	2845	3035	
			4340					

HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4062					
HhaI	GCG!C	28	598	626	815	894	935	
			1097	1287	1289	1998	2006	
			2032	2054	2063	2076	2107	
			2726	2734	2798	2835	3101	
			3361	3537	3623	4026	4135	
			4309	4409	4476			
HinII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	624	
			813	2732	3434	3513		
HinPII	G!CGC	28	596	624	813	892	933	
			1095	1285	1287	1996	2004	
			2030	2052	2061	2074	2105	
			2724	2732	2796	2833	3099	
			3359	3535	3621	4024	4133	
			4307	4407	4474			
HincII	GTY!RAC	2	1348	1495				
HindIII	A!AGCTT	1	1329					
HinfI	G!ANTC	12	411	1024	1775	1797	2207	
			3217	3351	3403	3461	3498	
			4280	4676				
HpaI	GTT!AAC	1	1495					
HpaII	C!CGG	21	602	762	1122	1364	1374	
			1950	2637	2714	2736	2764	
			2895	2985	3052	3233	3508	
			3516	3608	4082	4272	4298	
			4445					
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	805	952	3803	3919	
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	892	1033	1244	1849	2910	
KasI	G!GCGCC	3	623	812	2731			
KpnI	GGTAC!C	1	1356					
Ksp632I	CTCTTCN!	0						
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	1085	2199	3076	3286		
KspI	CCGC!GG	2	703	1359				
MaeI	C!TAG	8	593	1380	1581	1999	2555	
			3570	3904	4157			
MaeII	A!CGT	19	123	135	176	259	340	
			445	654	882	1011	1194	
			1224	1792	1804	1847	1957	
			2848	3035	3816	3949		
MaeIII	!GTNAC	15	62	149	498	793	940	
			1243	1520	2021	2033	2852	
			3158	3848	4114	4230	4293	
MamI	GATNN!NNATC	2	1394	2591				
MboI	!GATC	27	586	645	1069	1104	1116	
			1150	1249	1316	1367	1376	
			1389	2569	2573	2592	2903	
			2981	3062	3071	3149	3525	
			3541	3900	3912	3990	3998	
			4009	4084				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	6	1102	1988	2216	3093	3303	
			3922					
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3383	3550	3750	3993		
McrI	!CGRYCG	3	602	2637	4312			
MfeI	!CAATTG	1	1481					
MflI	R!GATCY	13	586	645	1104	1316	1367	
			1376	2903	3149	3541	3900	

			3912	3998	4009			
MluI	A!CGCGT	1	1618					
MmeI	!TCCRAC	1	1799					
MmeI	!GTYGGA	2	4275	4459				
MnlI	CCTCNNNNNNN!	9	1451	1460	2515	2521	3333	
			3539	3853	4223	4547		
MnlI	!NNNNNNNGAGG	18	541	660	900	930	1410	
			1875	2206	2484	2490	2527	
			2530	2542	2582	2646	2782	
			3139	3569	4472			
MroI	T!CCGGA	0						
MscI	TGG!CCA	4	684	987	1008	2814		
MseI	T!TAA	15	8	1433	1494	1615	1636	
			1647	1659	1670	1687	1785	
			2056	3875	3889	3894	3946	
MspI	C!CGG	21	602	762	1122	1364	1374	
			1950	2637	2714	2736	2764	
			2895	2985	3052	3233	3508	
			3516	3608	4082	4272	4298	
			4445					
MstI	TGC!GCA	1	2834					
MstII	CC!TNAGG	2	2212	3844				
MunI	C!AATTG	1	1482					
MvaI	CC!WGG	15	91	284	781	791	989	
			1313	2268	2323	2340	3119	
			3698	3801	4491	4504	4625	
MvnI	CG!CG	21	61	702	933	972	1257	
			1287	1358	1620	1656	2032	
			2052	2076	2107	2798	3099	
			3537	3621	3684	3753	4026	
			4607					
NaeI	GCC!GGC	4	1123	1951	3234	3517		
NarI	GG!CGCC	3	624	813	2732			
NciI	CC!SGG	6	1364	1365	2736	2896	3509	
			4273					
NcoI	C!CATGG	3	361	2461	3164			
NdeI	CA!TATG	1	235					
NdeII	!GATC	27	586	645	1069	1104	1116	
			1150	1249	1316	1367	1376	
			1389	2569	2573	2592	2903	
			2981	3062	3071	3149	3525	
			3541	3900	3912	3990	3998	
			4009	4084				
NgoMI	G!CCGGC	4	1121	1949	3232	3515		
NheI	G!CTAGC	1	592					
NlaIII	CATG!	18	305	365	616	871	1216	
			2162	2302	2374	2465	2606	
			2951	3137	3168	3194	3550	
			3934	4654	4705			
NlaIV	GGN!NCC	21	468	625	814	838	1186	
			1354	1362	1369	1887	1908	
			1920	2111	2272	2344	2733	
			2768	3616	3695	3740	4583	
			4622					
NotI	GC!GGCCGC	0						
NruI	TCG!CGA	0						

NsiI	ATGCA!T	3	2304	2376	4707			
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	871	2302	2374	3137	4654	
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	1334	3414				
NspBII	CMG!CKG	7	621	702	1358	2230	2838	
			4067	4312				
NspII	GDGCH!C	15	774	780	788	1194	1200	
			1327	1364	1923	2678	2771	
			2845	3035	3097	3807	4340	
NspIII	C!YCGRG	4	839	1199	1320	1363		
NspIV	G!GNCC	12	84	277	836	1184	1360	
			1361	1839	3248	3693	3739	
			3797	3830				
NunII	GG!CGCC	3	624	813	2732			
PacI	TTAAT!TAA	0						
Paer71	C!TCGAG	1	1320					
PaiI	GG!CC	28	85	278	684	837	987	
			1008	1076	1086	1148	1185	
			1362	1698	1840	2495	2501	
			2510	2553	2640	2814	3205	
			3232	3741	3798	3831	4176	
			4610	4628	4639			
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	1015					
PleI	GAGTCNNNN!	2	1783	2215				
PleI	!NNNNNGACTC	4	405	1791	3397	4274		
PmaCI	CAC!GTG	3	1012	1195	1225			
PmeI	GTTT!AAAC	0						
PmlI	CAC!GTG	3	1012	1195	1225			
PpuMI	RG!GWCCY	0						
PshAI	GACNN!NNGTC	0						
PstI	CTGCA!G	1	1345					
PvuI	CGAT!CG	0						
PvuII	CAG!CTG	2	2230	2838				
RmaI	C!TAG	8	593	1380	1581	1999	2555	
			3570	3904	4157			
RsaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384	
			541	833	965	1058	1205	
			1354	3038				
RsrI	G!AATTC	1	1336					
RsrII	CG!GWCCG	1	3248					
SacI	GAGCT!C	1	1327					
SacII	CCGC!GG	2	703	1359				
SalI	G!TCGAC	1	1346					
Sau3AI	!GATC	27	586	645	1069	1104	1116	
			1150	1249	1316	1367	1376	
			1389	2569	2573	2592	2903	
			2981	3062	3071	3149	3525	
			3541	3900	3912	3990	3998	
			4009	4084				
Sau96I	G!GNCC	12	84	277	836	1184	1360	
			1361	1839	3248	3693	3739	
			3797	3830				
SauI	CC!TNAGG	2	2212	3844				
ScaI	AGT!ACT	0						
ScrFI	CC!NGG	21	91	284	781	791	989	
			1313	1364	1365	2268	2323	
			2340	2736	2896	3119	3509	

			3698 4625	3801	4273	4491	4504
SduI	GDGCH!C	15	774 1327 2845	780 1364 3035	788 1923 3097	1194 2678 3807	1200 2771 4340
SecI	C!CNNGG	25	361 936 1363 2505 3696	637 988 2266 2554 3697	700 1290 2338 2895 3799	779 1312 2461 3164 3800	789 1356 2496 3569 4490
SexI	!CTCGAG	1	1319				
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	705 3095	1548 3370	2311	2383	3031
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358 3161	709 4553	730	2690	2945
SfcI	C!TRYAG	4	1341	2067	4194	4385	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2507				
SfuI	TT!CGAA	2	1334	3414			
SgrAI	CR!CCGYG	1	761				
SinI	G!GWCC	2	3248	3693			
SmaI	CCC!GGG	1	1365				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	2	1190	4336			
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	871	2302	2374	3137	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	1640	2193			
SstI	GAGCT!C	1	1327				
SstII	CCGC!GG	2	703	1359			
SstIII	!ACGT	19	122 444 1223 2847	134 653 1791 3034	175 881 1803 3815	258 1010 1846 3948	339 1193 1956
StuI	AGG!CCT	1	2553				
StyI	C!CWWGG	5	361	2461	2554	3164	3569
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	0					
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	16	906 1881 3061 4552	948 2572 3223	1321 2845 3414	1334 3001 3459	1347 3025 3714
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	1262	1752	2769	3437	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3681				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	1	1172				
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2636	3228		
TfiI	G!AWTC	6	1024 4676	3217	3351	3461	3498
ThaI	CG!CG	21	61 1287 2052 3537 4607	702 1358 2076 3621	933 1620 2107 3684	972 1656 2798 3753	1257 2032 3099 4026

Tsp45I	!GTSAC	6	793 3158	940	1243	2021	2852
TspEI	!AATT	13	19 1546 2380	919 1624 2472	1036 1650 3890	1336 1661	1482 2308
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2850				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4059				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3167	4027	4066		
TthHB8I	T!CGA	16	906 1881 3061 4552	948 2572 3223	1321 2845 3414	1334 3001 3459	1347 3025 3714
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	1015				
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	1379				
XcmI	!CCANNNNNNNNNTCG	1	3007				
XcyI	C!CCGGG	1	1363				
XhoI	C!TCGAG	1	1320				
XhoII	R!GATCY	13	586 1376 3912	645 2903 3998	1104 3149 4009	1316 3541	1367 3900
XmaI	C!CCGGG	1	1363				
XmaIII	C!GGCCG	1	2638				
XmnI	GAANN!NNTTC	1	851				
XorII	CGAT!CG	0					