

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	5	1049	3380	4015	4262	5773
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	2	4217	4584			
AccI	GT!MKAC	1	1200				
AccII	CG!CG	18	61	1411	1517	4601	4840
			4876	5252	5272	5296	5327
			6018	6319	6757	6841	6904
			6973	7246	7827		
AccIII	T!CCGGA	1	1325				
AciI	G!CGG	33	371	404	529	768	1080
			1122	1538	2896	3332	3338
			4225	4507	4595	5212	5239
			5327	5437	6018	6082	6183
			6186	6466	6521	6619	6757
			6904	7044	7287	7532	7653
			7672	7799	7827		
AciI	C!CGC	40	59	87	99	113	280
			508	590	933	1071	1173
			1390	1515	1527	3920	3923
			4599	5267	5270	5284	5374
			5622	5634	5643	5655	5665
			5676	5722	5861	5924	6426
			6471	6537	6563	6688	6691
			6839	6971	7278	7422	7918
AcyI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197
			3236	5952	6654	6733	
AfaI	GT!AC	14	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	2865
			3346	4219	4586	6258	
AflI	G!GWCC	8	1783	2594	3037	4000	4128
			4416	6468	6913		
AflII	C!TTAAG	0					
AflIII	A!CRYGT	2	4838	7870			
AgeI	A!CCGGT	2	601	2431			
AhaI	CC!SGG	9	1194	1559	2828	2951	4063
			5956	6116	6729	7493	
AhaII	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197
			3236	5952	6654	6733	
AhaIII	TTT!AAA	4	2073	4654	7096	7115	
AluI	AG!CT	49	567	634	661	807	1114
			1343	1349	1378	1654	1667
			1936	2015	2069	2309	2450
			2504	2512	2636	2861	3043
			3055	3118	3146	3214	3284
			3310	3461	3611	3746	3800
			3840	3872	3964	4105	4118
			4375	4514	4520	4731	4898
			5155	5450	5738	6058	6516
			7313	7570	7616	7706	
Alw44I	G!TGCAC	3	700	4306	7556		
AlwI	GGATCNNNN!	14	1599	2431	3144	3506	3686
			3726	3869	5820	6131	6377
			6769	7128	7226	7312	
AlwI	!NNNNNGATCC	12	581	1155	2418	2576	2657
			3673	3713	3856	6196	6740
			7127	7224			

AlwNI	CAGNNN!CTG	8	1287 4547	1700 7053	2470 7461	2809	3637
AocI	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064
AocII	GDGCH!C	19	677 1938 4310 6255	704 1953 5143 6317	737 2481 5898 7027	1314 3106 5991 7560	1345 4231 6065
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	6054				
AosII	GR!CGYC	9	123 3236	176 5952	259 6654	445 6733	1197
ApaI	GGGCC!C	0					
ApaLI	G!TGCAC	3	700	4306	7556		
ApoI	R!AATTY	7	1354 4870	1812 4881	3709	4533	4766
ApyI	CC!WGG	32	91 956 1890 3065 3845 5560 7724	284 1085 1946 3413 3866 6339 7845	797 1430 2164 3450 4582 6918	845 1460 2228 3593 5488 7021	941 1661 2265 3825 5543 7711
AquI	C!YCGRG	5	1338	1366	1704	2769	3396
AscI	GG!CGCGCC	0					
AseI	AT!TAAT	2	8	2115			
AsnI	AT!TAAT	2	8	2115			
Asp700I	GAANN!NNTTC	2	3372	3814			
Asp718I	G!GTACC	2	4217	4584			
AspHI	GWGCW!C	10	704 3106	1345 4310	1938 6065	1953 6255	2481 7560
AspI	GACN!NNGTC	1	6070				
AsuI	G!GNCC	25	84 1126 2797 4000 6468	277 1783 2996 4128 6913	770 1886 3037 4411 6959	1013 2166 3394 4416 7017	1105 2594 3669 5059 7050
AsuII	TT!CGAA	3	1352	4537	6634		
AvaI	C!YCGRG	5	1338	1366	1704	2769	3396
AvaII	G!GWCC	8	1783 4416	2594 6468	3037 6913	4000	4128
AvaIII	ATGCA!T	3	5524	5596	7927		
AviII	TGC!GCA	1	6054				
AvrI	!CYCGRG	5	1337	1365	1703	2768	3395
AvrII	C!CTAGG	3	4010	5774	6789		
AxyI	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064
BalI	TGG!CCA	10	1280 2837	1907 3617	2438 3878	2780 4286	2792 6034
BamHI	G!GATCC	4	2423	3678	3718	3861	
BanI	G!GYRCC	9	466 4584	674 5105	734 5951	3235 5986	4217
BanII	GRGCY!C	5	1345	1938	5143	6317	7027
BanIII	AT!CGAT	3	2556	3501	5792		
BbeI	GGCGC!C	2	3239	5955			
BbiII/AcyI	GR!CGYC	9	123 3236	176 5952	259 6654	445 6733	1197
BbrPI	CAC!GTG	0					
BbsI	!GTCTTC	0					
BbsI	!GAAGAC	5	913	1146	1214	2738	3387
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	15	831	1273	1676	2513	2870

			3239	3293	4166	4169	4740
			6025	6067	6588	7041	7541
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	18	950	1983	2548	2929	3055
			3322	3412	3448	3733	4081
			4507	5234	5899	6083	6176
			7242	7448	7451		
BbvII	GAAGACNN!	5	921	1154	1222	2746	3395
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	12	832	976	1027	1093	1402
			1507	2811	3249	3336	3408
			6378	6865			
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	5	1515	1527	5094	5912	7371
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0					
BclI	T!GATCA	1	2389				
BcnI	CC!SGG	9	1194	1559	2828	2951	4063
			5956	6116	6729	7493	
BfaI	C!TAG	13	593	1299	2093	2253	2375
			4011	4607	4801	5219	5775
			6790	7124	7377		
BfrI	C!TTAAG	0					
BglI	GCCNNNN!NGGC	9	91	213	284	1089	1535
			3004	3056	3329	5727	
BglII	A!GATCT	5	1334	1449	2295	2731	3010
BinI	!NNNNNGATCC	12	581	1155	2418	2576	2657
			3673	3713	3856	6196	6740
			7127	7224			
BinI	GGATCNNNN!	14	1599	2431	3144	3506	3686
			3726	3869	5820	6131	6377
			6769	7128	7226	7312	
BlnI	C!CTAGG	3	4010	5774	6789		
BmyI	GDGCH!C	19	677	704	737	1314	1345
			1938	1953	2481	3106	4231
			4310	5143	5898	5991	6065
			6255	6317	7027	7560	
BpmI	!CTCCAG	3	952	2759	6749		
BpmI	!CTGGAG	2	1429	6770			
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	2451				
BsaAI	YAC!GTR	3	341	5068	6256		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	4614	5811			
BsaHI	GR!CGYC	9	123	176	259	445	1197
			3236	5952	6654	6733	
BsaI	GGTCTCN!	1	3424				
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	1241	3473	6941		
BsaJI	C!CNNGG	43	361	612	708	843	844
			939	1521	2053	2163	2263
			2264	2695	2775	2793	2926
			2950	3231	3411	3448	3714
			3823	3865	3879	4010	4062
			4245	4257	4287	4580	5486
			5558	5681	5716	5725	5774
			6115	6384	6789	6916	6917
			7019	7020	7710		
BseAI	T!CCGGA	1	1325				
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	2	1531	2330			
BsgI	!CTGCAC	0					
BsiEI	CGRY!CG	8	606	1390	1419	1542	3324
			4599	5861	7536		

BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	33	50	731	844	1010	1076
			1435	1558	2238	2265	2591
			2833	2952	3688	3904	4339
			4594	4964	5290	5682	5933
			6477	6758	6790	6791	6922
			6957	7007	7008	7039	7392
			7671	7837	7855		
BslI	CCNNNNN!NNGG	33	50	731	844	1010	1076
			1435	1558	2238	2265	2591
			2833	2952	3688	3904	4339
			4594	4964	5290	5682	5933
			6477	6758	6790	6791	6922
			6957	7007	7008	7039	7392
			7671	7837	7855		
BsmAI	!GTCTC	3	429	3418	4191		
BsmAI	!GAGAC	10	1246	1570	1846	1923	3478
			4498	5381	5799	6818	6946
BsmI	GAATGCN!	2	1645	4703			
BsmI	G!CATTC	2	3372	4796			
Bsp1286I	GDGCH!C	19	677	704	737	1314	1345
			1938	1953	2481	3106	4231
			4310	5143	5898	5991	6065
			6255	6317	7027	7560	
BspDI	AT!CGAT	3	2556	3501	5792		
BspEI	T!CCGGA	1	1325				
BspHI	T!CATGA	2	5378	7150			
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	1764	2817	6220	6670	
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	2446	5839			
BspMII	T!CCGGA	1	1325				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	46	91	213	245	284	377
			401	658	1089	1523	1535
			2343	2809	2858	2893	3004
			3056	3065	3227	3233	3329
			3634	3668	3743	4520	5179
			5209	5236	5278	5280	5519
			5591	5642	5721	5727	5943
			6027	6050	6189	6195	6312
			6395	6662	6849	7053	7252
			7824				
BsrFI	R!CCGGY	8	601	1435	2431	2848	5169
			6271	6452	6735		
BsrI	ACTGGN!	6	1224	1311	2576	5896	6097
			7343				
BsrI	C!CAGT	10	296	1397	2000	3493	3654
			4588	4981	5659	7455	7468
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	3	1352	4537	6634		
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	4	2423	3678	3718	3861	
BstNI	CC!WGG	32	91	284	797	845	941
			956	1085	1430	1460	1661
			1890	1946	2164	2228	2265
			3065	3413	3450	3593	3825
			3845	3866	4582	5488	5543
			5560	6339	6918	7021	7711
			7724	7845			
BstPI	G!GTNACC	0					

BstUI	CG!CG	18	61	1411	1517	4601	4840
			4876	5252	5272	5296	5327
			6018	6319	6757	6841	6904
			6973	7246	7827		
BstXI	CCANNNNN!NTGG	3	2788	4168	4408		
BstYI	R!GATCY	20	586	1160	1334	1449	2295
			2423	2581	2731	3010	3136
			3678	3718	3861	6123	6369
			6761	7120	7132	7218	7229
Bsu36I	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064
CbiI	TT!CGAA	3	1352	4537	6634		
CcrI	C!TCGAG	4	1338	1366	1704	2769	
CelII	GC!TNAGC	1	2451				
CfoI	GCG!C	27	598	1413	1519	3238	3250
			4167	4563	5218	5226	5252
			5274	5283	5296	5327	5946
			5954	6018	6055	6321	6581
			6757	6843	7246	7355	7529
			7629	7696			
Cfr10I	R!CCGGY	8	601	1435	2431	2848	5169
			6271	6452	6735		
Cfr13I	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1783	1886	2166	2594
			2797	2996	3037	3394	3669
			4000	4128	4411	4416	5059
			6468	6913	6959	7017	7050
Cfr9I	C!CCGGG	0					
CfrI	Y!GGCCR	20	1278	1387	1524	1539	1905
			2436	2778	2790	2835	2850
			2961	3321	3615	3876	4284
			4596	5858	6032	6423	6450
ClaI	AT!CGAT	3	2556	3501	5792		
CpoI	CG!GWCCG	1	6468				
Csp45I	TT!CGAA	3	1352	4537	6634		
CspI	CG!GSCCG	1	3394				
CviJI	RG!CY	190	43	85	94	278	567
			634	661	724	771	800
			807	885	951	963	1014
			1041	1049	1083	1106	1114
			1128	1238	1274	1280	1343
			1349	1378	1389	1435	1499
			1526	1541	1654	1667	1778
			1888	1907	1936	2015	2069
			2168	2186	2204	2231	2242
			2285	2309	2399	2438	2450
			2504	2512	2519	2575	2630
			2636	2768	2774	2780	2792
			2798	2831	2837	2852	2861
			2942	2956	2963	2981	2998
			3043	3050	3055	3059	3068
			3118	3146	3161	3214	3230
			3284	3310	3323	3335	3380
			3395	3425	3461	3526	3539
			3611	3617	3628	3671	3692
			3737	3746	3800	3806	3840
			3872	3878	3893	3910	3964
			4015	4061	4081	4094	4105
			4118	4160	4172	4184	4198
			4262	4286	4375	4400	4413

			4448	4514	4520	4598	4621
			4731	4898	4918	5060	5141
			5155	5169	5450	5491	5563
			5686	5715	5721	5730	5738
			5761	5773	5779	5860	5877
			5885	5912	5937	6021	6030
			6034	6058	6096	6172	6189
			6208	6271	6315	6325	6342
			6425	6452	6456	6493	6516
			6532	6712	6739	6800	6922
			6961	7018	7025	7032	7051
			7062	7313	7342	7385	7396
			7461	7540	7565	7570	7616
			7706	7804	7830	7848	7859
CvnI	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064
DdeI	C!TNAG	32	621	879	1176	1331	1587
			1668	1693	1779	1899	2299
			2451	2463	2565	3093	3114
			3168	3382	3440	3630	3693
			3850	3903	4050	4185	4264
			4440	5432	5734	6615	7064
			7187	7596			
DpnI	GA!TC	38	588	986	1136	1162	1336
			1418	1451	1593	2297	2391
			2425	2555	2583	2664	2733
			3012	3138	3500	3680	3720
			3863	4611	5791	5795	5814
			6125	6203	6284	6293	6371
			6747	6763	7122	7134	7212
			7220	7231	7306		
DpnII	!GATC	38	586	984	1134	1160	1334
			1416	1449	1591	2295	2389
			2423	2553	2581	2662	2731
			3010	3136	3498	3678	3718
			3861	4609	5789	5793	5812
			6123	6201	6282	6291	6369
			6745	6761	7120	7132	7210
			7218	7229	7304		
DraI	TTT!AAA	4	2073	4654	7096	7115	
DraII	RG!GNCCY	3	2996	4000	7050		
DraIII	CACNNN!GTG	4	1270	1462	1957	5068	
DrdI	GACNNNN!NNGTC	4	2930	5023	5979	7768	
DsaI	C!CRYGG	8	361	612	1521	2793	2926
			3231	5681	6384		
DsaV	!CCNGG	41	89	282	795	843	939
			954	1083	1192	1428	1458
			1557	1659	1888	1944	2162
			2226	2263	2826	2949	3063
			3411	3448	3591	3823	3843
			3864	4061	4580	5486	5541
			5558	5954	6114	6337	6727
			6916	7019	7491	7709	7722
			7843				
EaeI	Y!GGCCR	20	1278	1387	1524	1539	1905
			2436	2778	2790	2835	2850
			2961	3321	3615	3876	4284
			4596	5858	6032	6423	6450
EagI	C!GGCCG	5	1387	1539	3321	4596	5858
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					

EarI	!CTCTTC	0						
EarI	!GAAGAG	9	628	1602	2190	2605	3259	
			4039	5423	6300	6510		
Ecl136II	GAG!CTC	2	1343	1936				
EclXI	C!GGCCG	5	1387	1539	3321	4596	5858	
Eco105I	TAC!GTA	1	341					
Eco31I	GGTCTCN!	1	3424					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	1241	3473	6941			
Eco47I	G!GWCC	8	1783	2594	3037	4000	4128	
			4416	6468	6913			
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	5	1387	1539	3321	4596	5858	
Eco57I	!CTGAAG	7	1108	2180	2630	3989	4514	
			6076	6508				
Eco57I	!CTTCAG	3	1675	3566	7342			
Eco81I	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064	
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	4337					
EcoO109I	RG!GNCCY	3	2996	4000	7050			
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	1	1354					
EcoRII	!CCWGG	32	89	282	795	843	939	
			954	1083	1428	1458	1659	
			1888	1944	2162	2226	2263	
			3063	3411	3448	3591	3823	
			3843	3864	4580	5486	5541	
			5558	6337	6916	7019	7709	
			7722	7843				
EcoRV	GAT!ATC	1	3857					
EcoT14I	C!CWGGG	14	361	612	2053	2695	2775	
			3879	4010	4245	4257	4287	
			5681	5774	6384	6789		
EcoT22I	ATGCA!T	3	5524	5596	7927			
EcoT38I	GRGCY!C	5	1345	1938	5143	6317	7027	
EheI	GGC!GCC	2	3237	5953				
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	1	2451					
FbaI	T!GATCA	1	2389					
FinI	!GTCCC	5	4000	5482	5554	5618	6913	
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	6088	6620	
			6729					
Fnu4HI	GC!NGC	57	769	820	964	1081	1262	
			1390	1527	1539	1665	1997	
			2502	2562	2859	2943	3069	
			3228	3282	3333	3336	3426	
			3462	3747	3923	4095	4155	
			4158	4521	4596	4599	4729	
			5248	5270	5284	5722	5861	
			5913	5924	6014	6019	6056	
			6097	6184	6187	6190	6426	
			6522	6563	6577	6691	7030	
			7045	7256	7462	7465	7530	
			7673	7828				
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	12	2165	2282	2486	2933	3163	
			3575	3803	4049	5819	6276	
			6301	6755				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	8	691	779	836	991	1412	
			1721	2933	5625			
FspI	TGC!GCA	1	6054					

GdiII	!NNNNNYGGCCG	9	1381 4590	1518 5852	1533 6417	2955 6444	3315
GdiII	CGGCCRN!	6	1393 5864	1545	2856	3327	4602
GsuI	!CTCCAG	3	952	2759	6749		
GsuI	!CTGGAG	2	1429	6770			
HaeI	WGG!CCW	24	1049 2285 3161 4262 6034	1280 2438 3380 4286 7396	1907 2780 3617 4400 7848	2204 2792 3878 4448 7859	2231 2837 4015 5773
HaeII	RGCGC!Y	6	599 7630	3239	5219	5227	5955
HaeIII	GG!CC	59	85 1083 1389 2168 2780 2963 3395 4061 4448 5721 6425 7396	278 1106 1526 2204 2792 2998 3617 4262 4598 5730 6452 7830	771 1128 1541 2231 2798 3161 3671 4286 4918 5773 6961 7848	1014 1238 1888 2285 2837 3323 3878 4400 5060 5860 7018 7859	1049 1280 1907 2438 2852 3380 4015 4413 5715 6034 7051
HapII	C!CGG	29	602 2432 3676 5934 6272 7302	1194 2597 4062 5956 6453 7492	1326 2827 4414 5984 6728 7518	1436 2849 5170 6115 6736 7665	1558 2950 5857 6205 6828
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	6662	6741		
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	1186	5285	7180	7758	
HgiAI	GWGCW!C	10	704 3106	1345 4310	1938 6065	1953 6255	2481 7560
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	2	3408	7282			
HhaI	GCG!C	27	598 4167 5274 5954 6757 7629	1413 4563 5283 6018 6843 7696	1519 5218 5296 6055 7246	3238 5226 5327 6321 7355	3250 5252 5946 6581 7529
Hin1I	GR!CGYC	9	123 3236	176 5952	259 6654	445 6733	1197
HinPII	G!CGC	27	596 4165 5272 5952 6755 7627	1411 4561 5281 6016 6841 7694	1517 5216 5294 6053 7244	3236 5224 5325 6319 7353	3248 5250 5944 6579 7527
HincII	GTY!RAC	1	4715				
HindIII	A!AGCTT	5	1347	1376	1652	2067	3308
HinfI	G!ANTC	30	411 1879 2931 4276 4995 6623	750 2213 3088 4353 5017 6681	900 2353 3125 4436 5427 6718	1227 2614 3166 4576 6437 7500	1329 2756 3848 4603 6571 7896
HpaI	GTT!AAC	1	4715				

HpaII	C!CGG	29	602	1194	1326	1436	1558
			2432	2597	2827	2849	2950
			3676	4062	4414	5170	5857
			5934	5956	5984	6115	6205
			6272	6453	6728	6736	6828
			7302	7492	7518	7665	
HphI	GGTGANNNNNNNN!	12	377	1006	1474	1978	2288
			2333	3796	4007	4081	4285
			7023	7139			
HphI	!NNNNNNNTCACC	7	895	1504	1934	2134	2421
			5069	6130			
KasI	G!GCGCC	2	3235	5951			
KpnI	GGTAC!C	2	4221	4588			
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	9	624	1598	2186	2601	3255
			4035	5419	6296	6506	
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	13	593	1299	2093	2253	2375
			4011	4607	4801	5219	5775
			6790	7124	7377		
MaeII	A!CGT	17	123	135	176	259	340
			445	978	1254	2689	5012
			5024	5067	5177	6068	6255
			7036	7169			
MaeIII	!GTNAC	19	62	149	498	901	1864
			2029	2133	2246	3026	4273
			4740	5241	5253	6072	6378
			7068	7334	7450	7513	
MamI	GATNN!NNATC	2	4614	5811			
MboI	!GATC	38	586	984	1134	1160	1334
			1416	1449	1591	2295	2389
			2423	2553	2581	2662	2731
			3010	3136	3498	3678	3718
			3861	4609	5789	5793	5812
			6123	6201	6282	6291	6369
			6745	6761	7120	7132	7210
			7218	7229	7304		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	23	641	926	1039	1159	1227
			1615	1868	2032	2168	2203
			2563	2618	2751	3272	3400
			3499	3584	4052	5208	5436
			6313	6523	7142		
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	3005	6603	6770	6970	7213
McrI	!CGRYCG	8	602	1386	1415	1538	3320
			4595	5857	7532		
MfeI	!CAATTG	1	4701				
MflI	R!GATCY	20	586	1160	1334	1449	2295
			2423	2581	2731	3010	3136
			3678	3718	3861	6123	6369
			6761	7120	7132	7218	7229
MluI	A!CGCGT	1	4838				
MmeI	!TCCRAC	5	1006	3817	3896	3947	5019
MmeI	!GTYGGA	4	1561	3558	7495	7679	
MnlI	CCTCNNNNNNN!	37	783	962	977	1060	1193
			1304	1520	1562	1748	2155
			2215	2269	2414	2437	3102
			3249	3391	3639	3760	3912
			3936	3981	3993	4014	4026
			4273	4343	4490	4671	4680

			5735 7443	5741 7767	6553	6759	7073
MnlI	!NNNNNNNGAGG	51	541 873 1467 1773 2757 3269 3990 4284 5704 5802 7692	663 982 1470 1830 2865 3689 4020 4425 5710 5866	702 1038 1476 2055 3067 3693 4059 4630 5747 6002	723 1227 1581 2407 3150 3708 4198 5095 5750 6359	756 1260 1767 2611 3255 3726 4263 5426 5762 6789
MroI	T!CCGGA	1	1325				
MscI	TGG!CCA	10	1280 2837	1907 3617	2438 3878	2780 4286	2792 6034
MseI	T!TAA	24	8 2072 4653 4879 7095	639 2115 4714 4890 7109	864 3131 4835 4907 7114	1320 3582 4856 5005 7166	1629 4074 4867 5276
MspI	C!CGG	29	602 2432 3676 5934 6272 7302	1194 2597 4062 5956 6453 7492	1326 2827 4414 5984 6728 7518	1436 2849 5170 6115 6736 7665	1558 2950 5857 6205 6828
MstI	TGC!GCA	1	6054				
MstII	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064
MunI	C!AATTG	1	4702				
MvaI	CC!WGG	32	91 956 1890 3065 3845 5560 7724	284 1085 1946 3413 3866 6339 7845	797 1430 2164 3450 4582 6918	845 1460 2228 3593 5488 7021	941 1661 2265 3825 5543 7711
MvnI	CG!CG	18	61 4876 6018 6973	1411 5252 6319 7246	1517 5272 6757 7827	4601 5296 6841	4840 5327 6904
NaeI	GCC!GGC	3	5171	6454	6737		
NarI	GG!CGCC	2	3236	5952			
NciI	CC!SGG	9	1194 5956	1559 6116	2828 6729	2951 7493	4063
NcoI	C!CATGG	4	361	612	5681	6384	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	38	586 1416 2423 3010 3861 6123 6745 7218	984 1449 2553 3136 4609 6201 6761 7229	1134 1591 2581 3498 5789 6282 7120 7304	1160 2295 2662 3678 5793 6291 7132	1334 2389 2731 3718 5812 6369 7210
NgoMI	G!CCGGC	3	5169	6452	6735		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	33	305 670	365 748	616 814	652 894	658 1105

			1396	2191	2443	2524	3166
			3487	4112	4171	4408	4486
			5382	5522	5594	5685	5826
			6171	6357	6388	6414	6770
			7154	7874	7925		
NlaIV	GGN!NCC	30	468	676	736	1127	1434
			2243	2425	2997	3237	3446
			3680	3720	3863	3909	4002
			4219	4586	5107	5128	5140
			5331	5492	5564	5953	5988
			6836	6915	6960	7803	7842
NotI	GC!GGCCGC	1	4596				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	5524	5596	7927		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	6	652	1396	5522	5594	6357
			7874				
Nsp(7524)V	TT!CGAA	3	1352	4537	6634		
NspBII	CMG!CKG	9	1073	2861	2896	3043	3055
			5450	6058	7287	7532	
NspII	GDGCH!C	19	677	704	737	1314	1345
			1938	1953	2481	3106	4231
			4310	5143	5898	5991	6065
			6255	6317	7027	7560	
NspIII	C!YCGRG	5	1338	1366	1704	2769	3396
NspIV	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1783	1886	2166	2594
			2797	2996	3037	3394	3669
			4000	4128	4411	4416	5059
			6468	6913	6959	7017	7050
NunII	GG!CGCC	2	3236	5952			
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	4	1338	1366	1704	2769	
PalI	GG!CC	59	85	278	771	1014	1049
			1083	1106	1128	1238	1280
			1389	1526	1541	1888	1907
			2168	2204	2231	2285	2438
			2780	2792	2798	2837	2852
			2963	2998	3161	3323	3380
			3395	3617	3671	3878	4015
			4061	4262	4286	4400	4413
			4448	4598	4918	5060	5715
			5721	5730	5773	5860	6034
			6425	6452	6961	7018	7051
			7396	7830	7848	7859	
PflMI	CCANNNN!NTGG	2	2238	2591			
PleI	GAGTCNNNN!	6	908	2939	3096	4444	5003
			5435				
PleI	!NNNNNGACTC	12	405	1323	2207	3119	3160
			3842	4270	4570	4597	5011
			6617	7494			
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	1	4000				
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1253				
PstI	CTGCA!G	2	2805	2814			
PvuI	CGAT!CG	1	1419				
PvuII	CAG!CTG	5	2861	3043	3055	5450	6058
RmaI	C!TAG	13	593	1299	2093	2253	2375

			4011	4607	4801	5219	5775
			6790	7124	7377		
RsaI	GT!AC	14	220	245	300	333	384
			541	665	815	1067	2865
			3346	4219	4586	6258	
RsrI	G!AATTC	1	1354				
RsrII	CG!GWCCG	1	6468				
SacI	GAGCT!C	2	1345	1938			
SacII	CCGC!GG	0					
SalI	G!TCGAC	0					
Sau3AI	!GATC	38	586	984	1134	1160	1334
			1416	1449	1591	2295	2389
			2423	2553	2581	2662	2731
			3010	3136	3498	3678	3718
			3861	4609	5789	5793	5812
			6123	6201	6282	6291	6369
			6745	6761	7120	7132	7210
			7218	7229	7304		
Sau96I	G!GNCC	25	84	277	770	1013	1105
			1126	1783	1886	2166	2594
			2797	2996	3037	3394	3669
			4000	4128	4411	4416	5059
			6468	6913	6959	7017	7050
SauI	CC!TNAGG	5	879	3093	3903	5432	7064
ScaI	AGT!ACT	0					
ScrFI	CC!NGG	41	91	284	797	845	941
			956	1085	1194	1430	1460
			1559	1661	1890	1946	2164
			2228	2265	2828	2951	3065
			3413	3450	3593	3825	3845
			3866	4063	4582	5488	5543
			5560	5956	6116	6339	6729
			6918	7021	7493	7711	7724
			7845				
SduI	GDGCH!C	19	677	704	737	1314	1345
			1938	1953	2481	3106	4231
			4310	5143	5898	5991	6065
			6255	6317	7027	7560	
SecI	C!CNNGG	43	361	612	708	843	844
			939	1521	2053	2163	2263
			2264	2695	2775	2793	2926
			2950	3231	3411	3448	3714
			3823	3865	3879	4010	4062
			4245	4257	4287	4580	5486
			5558	5681	5716	5725	5774
			6115	6384	6789	6916	6917
			7019	7020	7710		
SexI	!CTCGAG	4	1337	1365	1703	2768	
SfaNI	GCATC>NNNNN!	11	858	1434	1743	2980	3119
			4768	5531	5603	6251	6315
			6590				
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	19	358	1011	1050	1179	1662
			2149	2260	2548	3141	3235
			3553	3624	3781	4446	4534
			5910	6165	6381	7773	
SfcI	C!TRYAG	5	2801	2810	5287	7414	7605
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5727				
SfuI	TT!CGAA	3	1352	4537	6634		
SgrAI	CR!CCGGYG	1	2431				

SinI	G!GWCC	8	1783 4416	2594 6468	3037 6913	4000	4128
SmaI	CCC!GGG	0					
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnaI	!GTATAC	0					
SnoI	G!TGCAC	3	700	4306	7556		
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	4	1396	5522	5594	6357	
SplI	C!GTACG	0					
SrfI	GCCC!GGGC	0					
Sse8387I	CCTGCA!GG	0					
SspI	AAT!ATT	2	4860	5413			
SstI	GAGCT!C	2	1345	1938			
SstII	CCGC!GG	0					
SstIII	!ACGT	17	122 444 5023 7035	134 977 5066 7168	175 1253 5176	258 2688 6067	339 5011 6254
StuI	AGG!CCT	5	1049	3380	4015	4262	5773
StyI	C!CWWGG	14	361 3879 5681	612 4010 5774	2053 4245 6384	2695 4257 6789	2775 4287
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNCTC	1	3103				
SwaI	ATTT!AAAT	0					
TaqI	T!CGA	26	762 1367 2556 5101 6281 7772	789 1419 2617 5792 6443	1257 1705 2770 6065 6634	1339 1770 3501 6221 6679	1352 1973 4537 6245 6934
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	3045	4972	5989	6657	
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	2	2924	6901			
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	3	752	857	4385		
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	5856	6448		
TfiI	G!AWTC	12	750 2756 6718	1227 4353 7896	1879 6437	2353 6571	2614 6681
ThaI	CG!CG	18	61 4876 6018 6973	1411 5252 6319 7246	1517 5272 6757 7827	4601 5296 6841	4840 5327 6904
Tsp45I	!GTSAC	8	901 5241	1864 6072	2246 6378	3026	4273
TspEI	!AATT	24	19 1812 2723 4702 5528	1321 2083 3579 4766 5600	1354 2112 3709 4844 5692	1716 2124 3758 4870 7110	1791 2651 4533 4881
Tth111I	GACN!NNGTC	1	6070				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	4	2798	2904	4316	7279	
Tth111II	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	1632	6387	7247	7286	
TthHB8I	T!CGA	26	762 1367 2556 5101 6281 7772	789 1419 2617 5792 6443	1257 1705 2770 6065 6634	1339 1770 3501 6221 6679	1352 1973 4537 6245 6934
Van91I	CCANNNN!NTGG	2	2238	2591			

VspI	AT!TAAT	2	8	2115				
XbaI	T!CTAGA	2	2092	4606				
XcmI	!CCANNNNNNNNNTCG	2	4107	6227				
XcyI	C!CCGGG	0						
XhoI	C!TCGAG	4	1338	1366	1704	2769		
XhoII	R!GATCY	20	586	1160	1334	1449	2295	
			2423	2581	2731	3010	3136	
			3678	3718	3861	6123	6369	
			6761	7120	7132	7218	7229	
XmaI	C!CCGGG	0						
XmaIII	C!GGCCG	5	1387	1539	3321	4596	5858	
XmnI	GAANN!NNTTC	2	3372	3814				
XorII	CGAT!CG	1	1419					