

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2558				
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	646				
AccI	GT!MKAC	1	641				
AccII	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287
			1386	1661	2037	2057	2081
			2112	2803	3104	3542	3626
			3689	3758	4031	4612	
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	32	371	404	529	652	696
			768	771	903	942	981
			1188	1380	1997	2024	2112
			2222	2803	2867	2968	2971
			3251	3306	3404	3542	3689
			3829	4072	4317	4438	4457
AciI	C!CGC	43	59	87	99	113	280
			508	590	650	705	724
			796	958	1009	1024	1099
			1165	1282	1285	1384	2052
			2055	2069	2159	2407	2419
			2428	2440	2450	2461	2507
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828
			2737	3439	3518		
			220	245	300	333	384
			541	648	971	1331	3043
			2	3253	3698		
			1	1619			
1	4655						
1	667						
AhaI	CC!SGG	7	658	659	1352	2741	2901
			3514	4278			
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828
			2737	3439	3518		
AhaIII	TTT!AAA	3	1439	3881	3900		
AluI	AG!CT	20	567	619	625	760	999
			1005	1158	1200	1315	1516
			1683	1940	2235	2523	2843
			3301	4098	4355	4401	4491
Alw44I	G!TGCAC	1	4341				
AlwI	GGATCNNNN!	9	669	1305	2605	2916	3162
			3554	3913	4011	4097	
AlwI	!NNNNNGATCC	6	581	656	2981	3525	3912
			4009				
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3838	4246			
AocI	CC!TNAGG	2	2217	3849			
AocII	GDGCH!C	15	621	658	782	821	1055
			1122	1268	1928	2683	2776
			2850	3040	3102	3812	4345
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	2839				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828
			2737	3439	3518		

ApaI	GGGCC!C	2	658	1268				
ApaLI	G!TGCAC	1	4341					
ApoI	R!AATTY	4	630	1551	1655	1666		
ApyI	CC!WGG	11	91	284	2273	2328	2345	
			3124	3703	3806	4496	4509	
			4630					
AquI	C!YCGRG	4	614	657	785	1064		
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	917					
Asp718I	G!GTACC	1	646					
AspHI	GWGCW!C	6	621	821	1122	2850	3040	
			4345					
AspI	GACN!NNGTC	1	2855					
AsuI	G!GNCC	13	84	277	654	655	793	
			1264	1265	1844	3253	3698	
			3744	3802	3835			
AsuII	TT!CGAA	2	628	3419				
AvaI	C!YCGRG	4	614	657	785	1064		
AvaII	G!GWCC	2	3253	3698				
AvaIII	ATGCA!T	3	2309	2381	4712			
AviII	TGC!GCA	1	2839					
AvrI	!CYCGRG	4	613	656	784	1063		
AvrII	C!CTAGG	2	2559	3574				
AxyI	CC!TNAGG	2	2217	3849				
BalI	TGG!CCA	1	2819					
BamHI	G!GATCC	1	661					
BanI	G!GYRCC	10	466	646	734	779	827	
			890	1052	1890	2736	2771	
BanII	GRGCY!C	6	621	658	1268	1928	3102	
			3812					
BanIII	AT!CGAT	1	2577					
BbeI	GGCGC!C	2	831	2740				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828	
			2737	3439	3518			
BbrPI	CAC!GTG	2	862	994				
BbsI	!GTCTTC	0						
BbsI	!GAAGAC	0						
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	1113	1167	1525	2810	2852	
			3373	3826	4326			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	8	975	2019	2684	2868	2961	
			4027	4233	4236			
BbvII	GAAGACNN!	0						
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0						
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	760	889	955	994	1201	
			3163	3650				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	1879	2697	4156			
BcgI	!GCANNNNNNTCG	0						
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	7	658	659	1352	2741	2901	
			3514	4278				
BfaI	C!TAG	8	593	1392	1586	2004	2560	
			3575	3909	4162			
BfrI	C!TTAAG	1	1619					
BglI	GCCNNNN!NGGC	4	91	213	284	2512		
BglII	A!GATCT	1	610					
BinI	!NNNNNGATCC	6	581	656	2981	3525	3912	

			4009					
BinI	GGATCNNNN!	9	669	1305	2605	2916	3162	
			3554	3913	4011	4097		
BlnI	C!CTAGG	2	2559	3574				
BmyI	GDGCH!C	15	621	658	782	821	1055	
			1122	1268	1928	2683	2776	
			2850	3040	3102	3812	4345	
BpmI	!CTCCAG	1	3534					
BpmI	!CTGGAG	1	3555					
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	854					
BsaAI	YAC!GTR	5	341	862	994	1853	3041	
BsaBI	GATNN!NNATC	3	1143	1399	2596			
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828	
			2737	3439	3518			
BsaI	GGTCTCN!	0						
BsaI	!NNNNNGAGACC	1	3726					
BsaJI	C!CNNGG	24	361	650	657	678	708	
			1065	1113	1131	1203	1350	
			2271	2343	2466	2501	2510	
			2559	2900	3169	3574	3701	
			3702	3804	3805	4495		
BseAI	T!CCGGA	0						
BsePI	!GCGCGC	0						
BsgI	!GTGCAG	0						
BsgI	!CTGCAC	3	922	988	1123			
BsiEI	CGRY!CG	5	672	1024	1384	2646	4321	
BsiWI	C!GTACG	0						
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	24	50	790	791	865	1015	
			1288	1291	1749	2075	2467	
			2718	3262	3543	3575	3576	
			3707	3742	3792	3793	3824	
			4177	4456	4622	4640		
BsII	CCNNNNN!NNGG	24	50	790	791	865	1015	
			1288	1291	1749	2075	2467	
			2718	3262	3543	3575	3576	
			3707	3742	3792	3793	3824	
			4177	4456	4622	4640		
BsmAI	!GTCTC	1	429					
BsmAI	!GAGAC	4	2166	2584	3603	3731		
BsmI	GAATGCN!	1	1488					
BsmI	G!CATTC	1	1581					
Bsp1286I	GDGCH!C	15	621	658	782	821	1055	
			1122	1268	1928	2683	2776	
			2850	3040	3102	3812	4345	
BspDI	AT!CGAT	1	2577					
BspEI	T!CCGGA	0						
BspHI	T!CATGA	2	2163	3935				
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	858	1131	3005	3455		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2624					
BspMII	T!CCGGA	0						
BspWI	GCNNNNN!NNGC	37	91	213	245	284	377	
			401	693	732	777	825	
			1032	1164	1173	1188	1197	
			1964	1994	2021	2063	2065	
			2304	2376	2427	2506	2512	
			2728	2812	2835	2974	2980	
			3097	3180	3447	3634	3838	
			4037	4609				
BsrFI	R!CCGGY	9	667	731	1019	1055	1364	

			1954	3056	3237	3520	
BsrI	ACTGGN!	3	2681	2882	4128		
BsrI	C!CAGT	5	296	1766	2444	4240	4253
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	628	3419			
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	661				
BstNI	CC!WGG	11	91	284	2273	2328	2345
			3124	3703	3806	4496	4509
			4630				
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287
			1386	1661	2037	2057	2081
			2112	2803	3104	3542	3626
			3689	3758	4031	4612	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	10	586	610	661	2908	3154
			3546	3905	3917	4003	4014
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2217	3849			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3419			
CcrI	C!TCGAG	1	614				
CelII	GC!TNAGC	1	854				
CfoI	GCG!C	24	598	830	1182	1235	2003
			2011	2037	2059	2068	2081
			2112	2731	2739	2803	2840
			3106	3366	3542	3628	4031
			4140	4314	4414	4481	
Cfr10I	R!CCGGY	9	667	731	1019	1055	1364
			1954	3056	3237	3520	
Cfr13I	G!GNCC	13	84	277	654	655	793
			1264	1265	1844	3253	3698
			3744	3802	3835		
Cfr9I	C!CCGGG	1	657				
CfrI	Y!GGCCR	6	1021	1381	2643	2817	3208
			3235				
ClaI	AT!CGAT	1	2577				
CpoI	CG!GWCCG	1	3253				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3419			
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	96	43	85	94	278	567
			619	625	656	699	760
			795	843	858	870	876
			906	945	999	1005	1019
			1023	1059	1158	1176	1191
			1200	1215	1266	1315	1383
			1406	1516	1683	1703	1845
			1926	1940	1954	2235	2276
			2348	2471	2500	2506	2515
			2523	2546	2558	2564	2645
			2662	2670	2697	2722	2806
			2815	2819	2843	2881	2957
			2974	2993	3056	3100	3110
			3127	3210	3237	3241	3278
			3301	3317	3497	3524	3585
			3707	3746	3803	3810	3817
			3836	3847	4098	4127	4170
			4181	4246	4325	4350	4355
			4401	4491	4589	4615	4633

			4644					
CvnI	CC!TNAGG	2	2217	3849				
DdeI	C!TNAG	8	607	854	2217	2519	3400	
			3849	3972	4381			
DpnI	GA!TC	26	588	612	663	716	1031	
			1079	1094	1146	1299	1396	
			2576	2580	2599	2910	2988	
			3069	3078	3156	3532	3548	
			3907	3919	3997	4005	4016	
			4091					
DpnII	!GATC	26	586	610	661	714	1029	
			1077	1092	1144	1297	1394	
			2574	2578	2597	2908	2986	
			3067	3076	3154	3530	3546	
			3905	3917	3995	4003	4014	
			4089					
DraI	TTT!AAA	3	1439	3881	3900			
DraII	RG!GNCCY	3	1264	1265	3835			
DraIII	CACNNN!GTG	1	1853					
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1808	2764	4553			
DsaI	C!CRYGG	9	361	650	678	708	1113	
			1131	1203	2466	3169		
DsaV	!CCNGG	18	89	282	656	657	1350	
			2271	2326	2343	2739	2899	
			3122	3512	3701	3804	4276	
			4494	4507	4628			
EaeI	Y!GGCCR	6	1021	1381	2643	2817	3208	
			3235					
EagI	C!GGCCG	3	1021	1381	2643			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0						
EarI	!CTCTTC	0						
EarI	!GAAGAG	4	813	2208	3085	3295		
Ecl136II	GAG!CTC	1	619					
EclXI	C!GGCCG	3	1021	1381	2643			
Eco105I	TAC!GTA	1	341					
Eco31I	GGTCTCN!	0						
Eco31I	!NNNNNGAGACC	1	3726					
Eco47I	G!GWCC	2	3253	3698				
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	3	1021	1381	2643			
Eco57I	!CTGAAG	2	2861	3293				
Eco57I	!CTTCAG	4	837	999	1170	4127		
Eco81I	CC!TNAGG	2	2217	3849				
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	3	1264	1265	3835			
EcoO65I	G!GTNACC	0						
EcoRI	G!AATTC	1	630					
EcoRII	!CCWGG	11	89	282	2271	2326	2343	
			3122	3701	3804	4494	4507	
			4628					
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWGGG	8	361	678	708	1131	2466	
			2559	3169	3574			
EcoT22I	ATGCA!T	3	2309	2381	4712			
EcoT38I	GRGCY!C	6	621	658	1268	1928	3102	
			3812					
EheI	GGC!GCC	2	829	2738				
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						

EspI	GC!TNAGC	1	854					
FbaI	T!GATCA	0						
FinI	!GTCCC	4	2267	2339	2403	3698		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	2873	3405	
			3514					
Fnu4HI	GC!NGC	43	697	724	769	796	904	
			943	982	989	1024	1102	
			1156	1189	1285	1381	1384	
			1514	2033	2055	2069	2507	
			2646	2698	2709	2799	2804	
			2841	2882	2969	2972	2975	
			3211	3307	3348	3362	3476	
			3815	3830	4041	4247	4250	
			4315	4458	4613			
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	6	1163	1367	2604	3061	3086	
			3540					
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	4	1082	1223	1235	2410		
FspI	TGC!GCA	1	2839					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	5	1015	1375	2637	3202	3229	
GdiII	CGGCCRN!	3	1027	1387	2649			
GsuI	!CTCCAG	1	3534					
GsuI	!CTGGAG	1	3555					
HaeI	WGG!CCW	5	2558	2819	4181	4633	4644	
HaeII	RGCGC!Y	7	599	831	1236	2004	2012	
			2740	4415				
HaeIII	GG!CC	26	85	278	656	699	795	
			1019	1023	1266	1383	1703	
			1845	2500	2506	2515	2558	
			2645	2819	3210	3237	3746	
			3803	3836	4181	4615	4633	
			4644					
HapII	C!CGG	24	602	658	668	732	1020	
			1056	1352	1365	1955	2642	
			2719	2741	2769	2900	2990	
			3057	3238	3513	3521	3613	
			4087	4277	4303	4450		
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3447	3526			
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	3	2070	3965	4543			
HgiAI	GWGCW!C	6	621	821	1122	2850	3040	
			4345					
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4067					
HhaI	GCG!C	24	598	830	1182	1235	2003	
			2011	2037	2059	2068	2081	
			2112	2731	2739	2803	2840	
			3106	3366	3542	3628	4031	
			4140	4314	4414	4481		
HinI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	828	
			2737	3439	3518			
HinPII	G!CGC	24	596	828	1180	1233	2001	
			2009	2035	2057	2066	2079	
			2110	2729	2737	2801	2838	
			3104	3364	3540	3626	4029	
			4138	4312	4412	4479		
HincII	GTY!RAC	2	642	1500				
HindIII	A!AGCTT	1	623					
HinfI	G!ANTC	13	411	605	1388	1780	1802	
			2212	3222	3356	3408	3466	
			3503	4285	4681			
HpaI	GTT!AAC	1	1500					

HpaII	C!CGG	24	602	658	668	732	1020
			1056	1352	1365	1955	2642
			2719	2741	2769	2900	2990
			3057	3238	3513	3521	3613
			4087	4277	4303	4450	
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	1057	1379	3808	3924
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	721	1075	1153	1854	2915
KasI	G!GCGCC	2	827	2736			
KpnI	GGTAC!C	1	650				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	4	809	2204	3081	3291	
KspI	CCGC!GG	1	653				
MaeI	C!TAG	8	593	1392	1586	2004	2560
			3575	3909	4162		
MaeII	A!CGT	16	123	135	176	259	340
			445	861	993	1797	1809
			1852	1962	2853	3040	3821
			3954				
MaeIII	!GTNAC	12	62	149	498	1525	2026
			2038	2857	3163	3853	4119
			4235	4298			
MamI	GATNN!NNATC	3	1143	1399	2596		
MboI	!GATC	26	586	610	661	714	1029
			1077	1092	1144	1297	1394
			2574	2578	2597	2908	2986
			3067	3076	3154	3530	3546
			3905	3917	3995	4003	4014
			4089				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	7	826	1382	1993	2221	3098
			3308	3927			
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	1072	3388	3555	3755	3998
McrI	!CGRYCG	5	668	1020	1380	2642	4317
MfeI	!CAATTG	1	1486				
MflI	R!GATCY	10	586	610	661	2908	3154
			3546	3905	3917	4003	4014
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	1	1804				
MmeI	!GTYGGA	2	4280	4464			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	9	1456	1465	2520	2526	3338
			3544	3858	4228	4552	
MnlI	!NNNNNNNGAGG	21	541	768	966	1008	1059
			1284	1287	1415	1880	2211
			2489	2495	2532	2535	2547
			2587	2651	2787	3144	3574
			4477				
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	1	2819				
MseI	T!TAA	15	8	1438	1499	1620	1641
			1652	1664	1675	1692	1790
			2061	3880	3894	3899	3951
MspI	C!CGG	24	602	658	668	732	1020
			1056	1352	1365	1955	2642
			2719	2741	2769	2900	2990
			3057	3238	3513	3521	3613
			4087	4277	4303	4450	
MstI	TGC!GCA	1	2839				
MstII	CC!TNAGG	2	2217	3849			
MunI	C!AATTG	1	1487				
MvaI	CC!WGG	11	91	284	2273	2328	2345

			3124 4630	3703	3806	4496	4509
MvnI	CG!CG	19	61 1386 2112 3689	652 1661 2803 3758	1026 2037 3104 4031	1182 2057 3542 4612	1287 2081 3626
NaeI	GCC!GGC	4	1021	1956	3239	3522	
NarI	GG!CGCC	2	828	2737			
NciI	CC!SGG	7	658 3514	659 4278	1352	2741	2901
NcoI	C!CATGG	6	361 3169	678	708	1131	2466
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	26	586 1077 2574 3067 3905 4089	610 1092 2578 3076 3917	661 1144 2597 3154 3995	714 1297 2908 3530 4003	1029 1394 2986 3546 4014
NgoMI	G!CCGGC	4	1019	1954	3237	3520	
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	21	305 1135 2379 3173 4710	365 1222 2470 3199	682 1273 2611 3555	712 2167 2956 3939	802 2307 3142 4659
NlaIV	GGN!NCC	25	468 781 1266 2116 3621	648 829 1267 2277 3700	656 892 1892 2349 3745	663 1054 1913 2738 4588	736 1265 1925 2773 4627
NotI	GC!GGCCGC	1	1381				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	2309	2381	4712		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	1222	2307	2379	3142	4659
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3419			
NspBII	CMG!CKG	6	652 4317	903	2235	2843	4072
NspII	GDGCH!C	15	621 1122 2850	658 1268 3040	782 1928 3102	821 2683 3812	1055 2776 4345
NspIII	C!YCGRG	4	614	657	785	1064	
NspIV	G!GNCC	13	84 1264 3744	277 1265 3802	654 1844 3835	655 3253	793 3698
NunII	GG!CGCC	2	828	2737			
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	614				
PalI	GG!CC	26	85 1019 1845 2645 3803 4644	278 1023 2500 2819 3836	656 1266 2506 3210 4181	699 1383 2515 3237 4615	795 1703 2558 3746 4633
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	865				
PleI	GAGTCNNNN!	2	1788	2220			
PleI	!NNNNNGACTC	6	405 4279	599	1382	1796	3402
PmaCI	CAC!GTG	2	862	994			

PmeI	GTTT!AAAC	0						
PmlI	CAC!GTG	2	862	994				
PpuMI	RG!GWCCY	0						
PshAI	GACNN!NNGTC	0						
PstI	CTGCA!G	2	639	1257				
PvuI	CGAT!CG	0						
PvuII	CAG!CTG	2	2235	2843				
RmaI	C!TAG	8	593	1392	1586	2004	2560	
			3575	3909	4162			
RsaI	GT!AC	10	220	245	300	333	384	
			541	648	971	1331	3043	
RsrI	G!AATTC	1	630					
RsrII	CG!GWCCG	1	3253					
SacI	GAGCT!C	1	621					
SacII	CCGC!GG	1	653					
SalI	G!TCGAC	1	640					
Sau3AI	!GATC	26	586	610	661	714	1029	
			1077	1092	1144	1297	1394	
			2574	2578	2597	2908	2986	
			3067	3076	3154	3530	3546	
			3905	3917	3995	4003	4014	
			4089					
Sau96I	G!GNCC	13	84	277	654	655	793	
			1264	1265	1844	3253	3698	
			3744	3802	3835			
SauI	CC!TNAGG	2	2217	3849				
ScaI	AGT!ACT	0						
ScrFI	CC!NGG	18	91	284	658	659	1352	
			2273	2328	2345	2741	2901	
			3124	3514	3703	3806	4278	
			4496	4509	4630			
SduI	GDGCH!C	15	621	658	782	821	1055	
			1122	1268	1928	2683	2776	
			2850	3040	3102	3812	4345	
SecI	C!CNNGG	24	361	650	657	678	708	
			1065	1113	1131	1203	1350	
			2271	2343	2466	2501	2510	
			2559	2900	3169	3574	3701	
			3702	3804	3805	4495		
SexI	!CTCGAG	1	613					
SfaNI	GCATCNNNNN!	10	735	969	1257	1329	1553	
			2316	2388	3036	3100	3375	
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358	1345	1351	2695	2950	
			3166	4558				
SfcI	C!TRYAG	6	635	1195	1253	2072	4199	
			4390					
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2512					
SfuI	TT!CGAA	2	628	3419				
SgrAI	CR!CCGGYG	0						
SinI	G!GWCC	2	3253	3698				
SmaI	CCC!GGG	1	659					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	1	4341					
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	2307	2379	3142			
SplI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						

SspI	AAT!ATT	2	1645	2198				
SstI	GAGCT!C	1	621					
SstII	CCGC!GG	1	653					
SstIII	!ACGT	16	122	134	175	258	339	
			444	860	992	1796	1808	
			1851	1961	2852	3039	3820	
			3953					
StuI	AGG!CCT	1	2558					
StyI	C!CWWGG	8	361	678	708	1131	2466	
			2559	3169	3574			
StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	17	615	628	641	717	756	
			963	1886	2577	2850	3006	
			3030	3066	3228	3419	3464	
			3719	4557				
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	3	1757	2774	3442			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3686					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	0						
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2641	3233			
TfiI	G!AWTC	5	3222	3356	3466	3503	4681	
ThaI	CG!CG	19	61	652	1026	1182	1287	
			1386	1661	2037	2057	2081	
			2112	2803	3104	3542	3626	
			3689	3758	4031	4612		
Tsp45I	!GTSAC	3	2026	2857	3163			
TspEI	!AATT	11	19	630	1487	1551	1629	
			1655	1666	2313	2385	2477	
			3895					
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2855					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	1	4064					
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3172	4032	4071			
TthHB8I	T!CGA	17	615	628	641	717	756	
			963	1886	2577	2850	3006	
			3030	3066	3228	3419	3464	
			3719	4557				
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	865					
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	1391					
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	2	950	3012				
XcyI	C!CCGGG	1	657					
XhoI	C!TCGAG	1	614					
XhoII	R!GATCY	10	586	610	661	2908	3154	
			3546	3905	3917	4003	4014	
XmaI	C!CCGGG	1	657					
XmaIII	C!GGCCG	3	1021	1381	2643			
XmnI	GAANN!NNTTC	1	917					
XorII	CGAT!CG	0						