

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	2	1106	2557			
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	646				
AccI	GT!MKAC	2	641	1257			
AccII	CG!CG	16	61	652	1385	1660	2036
			2056	2080	2111	2802	3103
			3541	3625	3688	3757	4030
			4611				
AciI	G!CGG	29	371	404	529	652	815
			825	1137	1179	1379	1996
			2023	2111	2221	2802	2866
			2967	2970	3250	3305	3403
			3541	3688	3828	4071	4316
			4437	4456	4583	4611	
AciI	C!CGC	36	59	87	99	113	280
			508	590	650	990	1128
			1230	1383	2051	2054	2068
			2158	2406	2418	2427	2439
			2449	2460	2506	2645	2708
			3210	3255	3321	3347	3472
			3475	3623	3755	4062	4206
			4702				
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1254
			2736	3438	3517		
AfaI	GT!AC	11	220	245	300	333	384
			541	648	722	872	1124
			3042				
AflI	G!GWCC	2	3252	3697			
AflII	C!TTAAG	1	1618				
AflIII	A!CRYGT	1	4654				
AgeI	A!CCGGT	1	667				
AhaI	CC!SGG	7	658	659	1251	2740	2900
			3513	4277			
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1254
			2736	3438	3517		
AhaIII	TTT!AAA	3	1438	3880	3899		
AluI	AG!CT	18	567	619	625	691	718
			864	1171	1515	1682	1939
			2234	2522	2842	3300	4097
			4354	4400	4490		
Alw44I	G!TGCAC	2	757	4340			
AlwI	GGATC>NNNN!	8	669	2604	2915	3161	3553
			3912	4010	4096		
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1212	2980	3524
			3911	4008			
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1344	3837	4245		
AocI	CC!TNAGG	2	2216	3848			
AocII	GDGCH!C	14	621	658	734	761	794
			1371	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	2838				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1254
			2736	3438	3517		
ApaI	GGGCC!C	1	658				

ApaI	G!TGCAC	2	757	4340				
ApoI	R!AATTY	4	630	1550	1654	1665		
ApyI	CC!WGG	16	91	284	854	902	998	
			1013	1142	2272	2327	2344	
			3123	3702	3805	4495	4508	
			4629					
AquI	C!YCGRG	3	614	657	935			
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp718I	G!GTACC	1	646					
AspHI	GWGCW!C	5	621	761	2849	3039	4344	
AspI	GACN!NNGTC	1	2854					
AsuI	G!GNCC	14	84	277	654	655	827	
			1070	1162	1183	1843	3252	
			3697	3743	3801	3834		
AsuII	TT!CGAA	2	628	3418				
AvaI	C!YCGRG	3	614	657	935			
AvaII	G!GWCC	2	3252	3697				
AvaIII	ATGCA!T	3	2308	2380	4711			
AviII	TGC!GCA	1	2838					
AvrI	!CYCGRG	3	613	656	934			
AvrII	C!CTAGG	2	2558	3573				
AxyI	CC!TNAGG	2	2216	3848				
BalI	TGG!CCA	2	1337	2818				
BamHI	G!GATCC	1	661					
BanI	G!GYRCC	7	466	646	731	791	1889	
			2735	2770				
BanII	GRGCY!C	5	621	658	1927	3101	3811	
BanIII	AT!CGAT	1	2576					
BbeI	GGCGC!C	1	2739					
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1254	
			2736	3438	3517			
BbsI	!GAAGAC	3	970	1203	1271			
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	888	1330	1524	2809	2851	
			3372	3825	4325			
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	8	1007	2018	2683	2867	2960	
			4026	4232	4235			
BbvII	GAAGACNN!	3	978	1211	1279			
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	6	889	1033	1084	1150	3162	
			3649					
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	1878	2696	4155			
BcnI	CC!SGG	7	658	659	1251	2740	2900	
			3513	4277				
BfaI	C!TAG	9	593	1356	1391	1585	2003	
			2559	3574	3908	4161		
BfrI	C!TTAAG	1	1618					
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	1146	1160	
			2511					
BglII	A!GATCT	1	610					
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	656	1212	2980	3524	
			3911	4008				
BinI	GGATCNNNN!	8	669	2604	2915	3161	3553	
			3912	4010	4096			
BlnI	C!CTAGG	2	2558	3573				
BmyI	GDGCH!C	14	621	658	734	761	794	
			1371	1927	2682	2775	2849	
			3039	3101	3811	4344		
BpmI	!CTCCAG	2	1009	3533				
BpmI	!CTGGAG	1	3554					

BsaAI	YAC!GTR	3	341	1852	3040		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	1398	2595			
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1254
			2736	3438	3517		
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	1109	1298	3725		
BsaJI	C!CNNGG	23	361	650	657	678	765
			900	901	936	996	2270
			2342	2465	2500	2509	2558
			2899	3168	3573	3700	3701
			3803	3804	4494		
BsiEI	CGRY!CG	5	672	819	1383	2645	4320
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	22	50	788	901	1067	1133
			1748	2074	2466	2717	3261
			3542	3574	3575	3706	3741
			3791	3792	3823	4176	4455
			4621	4639			
BslI	CCNNNNN!NNGG	22	50	788	901	1067	1133
			1748	2074	2466	2717	3261
			3542	3574	3575	3706	3741
			3791	3792	3823	4176	4455
			4621	4639			
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	6	1114	1303	2165	2583	3602
			3730				
BsmI	GAATGCN!	1	1487				
BsmI	G!CATTC	1	1580				
Bsp1286I	GDGCH!C	14	621	658	734	761	794
			1371	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
BspDI	AT!CGAT	1	2576				
BspHI	T!CATGA	2	2162	3934			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	3004	3454			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2623				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	31	91	213	245	284	377
			401	715	1146	1160	1963
			1993	2020	2062	2064	2303
			2375	2426	2505	2511	2727
			2811	2834	2973	2979	3096
			3179	3446	3633	3837	4036
			4608				
BsrFI	R!CCGGY	5	667	1953	3055	3236	3519
BsrI	ACTGGN!	5	1281	1368	2680	2881	4127
BsrI	C!CAGT	5	296	1765	2443	4239	4252
BstBI	TT!CGAA	2	628	3418			
BstI	G!GATCC	1	661				
BstNI	CC!WGG	16	91	284	854	902	998
			1013	1142	2272	2327	2344
			3123	3702	3805	4495	4508
			4629				
BstUI	CG!CG	16	61	652	1385	1660	2036
			2056	2080	2111	2802	3103
			3541	3625	3688	3757	4030
			4611				
BstYI	R!GATCY	11	586	610	661	1217	2907
			3153	3545	3904	3916	4002
			4013				
Bsu36I	CC!TNAGG	2	2216	3848			
CbiI	TT!CGAA	2	628	3418			
CcrI	C!TCGAG	1	614				

CfoI	GCG!C	21	598	2002	2010	2036	2058
			2067	2080	2111	2730	2738
			2802	2839	3105	3365	3541
			3627	4030	4139	4313	4413
			4480				
Cfr10I	R!CCGGY	5	667	1953	3055	3236	3519
Cfr13I	G!GNCC	14	84	277	654	655	827
			1070	1162	1183	1843	3252
			3697	3743	3801	3834	
Cfr9I	C!CCGGG	1	657				
CfrI	Y!GGCCR	6	1335	1380	2642	2816	3207
			3234				
ClaI	AT!CGAT	1	2576				
CpoI	CG!GWCCG	1	3252				
Csp45I	TT!CGAA	2	628	3418			
CviJI	RG!CY	95	43	85	94	278	567
			619	625	656	691	718
			781	828	857	864	942
			1008	1020	1071	1098	1106
			1140	1154	1163	1171	1185
			1295	1331	1337	1382	1405
			1515	1682	1702	1844	1925
			1939	1953	2234	2275	2347
			2470	2499	2505	2514	2522
			2545	2557	2563	2644	2661
			2669	2696	2721	2805	2814
			2818	2842	2880	2956	2973
			2992	3055	3099	3109	3126
			3209	3236	3240	3277	3300
			3316	3496	3523	3584	3706
3745	3802	3809	3816	3835			
3846	4097	4126	4169	4180			
4245	4324	4349	4354	4400			
4490	4588	4614	4632	4643			
CvnI	CC!TNAGG	2	2216	3848			
DdeI	C!TNAG	8	607	1233	2216	2518	3399
			3848	3971	4380		
DpnI	GA!TC	23	588	612	663	1043	1193
			1219	1395	2575	2579	2598
			2909	2987	3068	3077	3155
			3531	3547	3906	3918	3996
			4004	4015	4090		
DpnII	!GATC	23	586	610	661	1041	1191
			1217	1393	2573	2577	2596
			2907	2985	3066	3075	3153
			3529	3545	3904	3916	3994
			4002	4013	4088		
DraI	TTT!AAA	3	1438	3880	3899		
DraII	RG!GNCCY	1	3834				
DraIII	CACNNN!GTG	2	1327	1852			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1807	2763	4552		
DsaI	C!CRYGG	5	361	650	678	2465	3168
DsaV	!CCNGG	23	89	282	656	657	852
			900	996	1011	1140	1249
			2270	2325	2342	2738	2898
			3121	3511	3700	3803	4275
			4493	4506	4627		
EaeI	Y!GGCCR	6	1335	1380	2642	2816	3207
			3234				

EagI	C!GGCCG	2	1380	2642				
EarI	!GAAGAG	3	2207	3084	3294			
Ecl136II	GAG!CTC	1	619					
EclXI	C!GGCCG	2	1380	2642				
Eco105I	TAC!GTA	1	341					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	1109	1298	3725			
Eco47I	G!GWCC	2	3252	3697				
Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	2	1380	2642				
Eco57I	!CTGAAG	3	1165	2860	3292			
Eco57I	!CTTCAG	1	4126					
Eco81I	CC!TNAGG	2	2216	3848				
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3834					
EcoRI	G!AATTC	1	630					
EcoRII	!CCWGG	16	89	282	852	900	996	
			1011	1140	2270	2325	2342	
			3121	3700	3803	4493	4506	
			4627					
EcoT14I	C!CWWGG	6	361	678	2465	2558	3168	
			3573					
EcoT22I	ATGCA!T	3	2308	2380	4711			
EcoT38I	GRGCY!C	5	621	658	1927	3101	3811	
EheI	GGC!GCC	1	2737					
FinI	!GTCCC	4	2266	2338	2402	3697		
FinI	!GGGAC	6	161	312	480	2872	3404	
			3513					
Fnu4HI	GC!NGC	35	826	877	1021	1138	1319	
			1380	1383	1513	2032	2054	
			2068	2506	2645	2697	2708	
			2798	2803	2840	2881	2968	
			2971	2974	3210	3306	3347	
			3361	3475	3814	3829	4040	
			4246	4249	4314	4457	4612	
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	4	2603	3060	3085	3539		
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	748	836	893	1048	2409	
FspI	TGC!GCA	1	2838					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	1374	2636	3201	3228		
GdiII	CGGCCRN!	2	1386	2648				
GsuI	!CTCCAG	2	1009	3533				
GsuI	!CTGGAG	1	3554					
HaeI	WGG!CCW	7	1106	1337	2557	2818	4180	
			4632	4643				
HaeII	RGCGC!Y	5	599	2003	2011	2739	4414	
HaeIII	GG!CC	29	85	278	656	828	1071	
			1106	1140	1163	1185	1295	
			1337	1382	1702	1844	2499	
			2505	2514	2557	2644	2818	
			3209	3236	3745	3802	3835	
			4180	4614	4632	4643		
HapII	C!CGG	20	602	658	668	1251	1954	
			2641	2718	2740	2768	2899	
			2989	3056	3237	3512	3520	
			3612	4086	4276	4302	4449	
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3446	3525			
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	1243	2069	3964	4542		
HgiAI	GWGCW!C	5	621	761	2849	3039	4344	
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4066					
HhaI	GCG!C	21	598	2002	2010	2036	2058	
			2067	2080	2111	2730	2738	

			2802	2839	3105	3365	3541
			3627	4030	4139	4313	4413
			4480				
Hin1I	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1254
			2736	3438	3517		
HinP1I	G!CGC	21	596	2000	2008	2034	2056
			2065	2078	2109	2728	2736
			2800	2837	3103	3363	3539
			3625	4028	4137	4311	4411
			4478				
HincII	GTY!RAC	2	642	1499			
HindIII	A!AGCTT	1	623				
HinfI	G!ANTC	16	411	605	807	957	1284
			1387	1779	1801	2211	3221
			3355	3407	3465	3502	4284
			4680				
HpaI	GTT!AAC	1	1499				
HpaII	C!CGG	20	602	658	668	1251	1954
			2641	2718	2740	2768	2899
			2989	3056	3237	3512	3520
			3612	4086	4276	4302	4449
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	694	1063	3807	3923
HphI	!NNNNNNNTCACC	3	952	1853	2914		
KasI	G!GCGCC	1	2735				
KpnI	GGTAC!C	1	650				
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	2203	3080	3290		
KspI	CCGC!GG	1	653				
MaeI	C!TAG	9	593	1356	1391	1585	2003
			2559	3574	3908	4161	
MaeII	A!CGT	16	123	135	176	259	340
			445	1035	1311	1796	1808
			1851	1961	2852	3039	3820
			3953				
MaeIII	!GTNAC	13	62	149	498	958	1524
			2025	2037	2856	3162	3852
			4118	4234	4297		
MamI	GATNN!NNATC	2	1398	2595			
MboI	!GATC	23	586	610	661	1041	1191
			1217	1393	2573	2577	2596
			2907	2985	3066	3075	3153
			3529	3545	3904	3916	3994
			4002	4013	4088		
MboII	GAAGANNNNNNNN!	9	983	1096	1216	1284	1992
			2220	3097	3307	3926	
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3387	3554	3754	3997	
McrI	!CGRYCG	5	668	815	1379	2641	4316
MfeI	!CAATG	1	1485				
MflI	R!GATCY	11	586	610	661	1217	2907
			3153	3545	3904	3916	4002
			4013				
MmeI	!TCCRAC	2	1063	1803			
MmeI	!GTYGGA	2	4279	4463			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	15	840	1019	1034	1117	1250
			1361	1455	1464	2519	2525
			3337	3543	3857	4227	4551
MnlI	!NNNNNNNGAGG	24	541	720	759	780	813
			930	1039	1095	1284	1317
			1414	1879	2210	2488	2494
			2531	2534	2546	2586	2650

			2786	3143	3573	4476	
MscI	TGG!CCA	2	1337	2818			
MseI	T!TAA	17	8	696	921	1437	1498
			1619	1640	1651	1663	1674
			1691	1789	2060	3879	3893
			3898	3950			
MspI	C!CGG	20	602	658	668	1251	1954
			2641	2718	2740	2768	2899
			2989	3056	3237	3512	3520
			3612	4086	4276	4302	4449
MstI	TGC!GCA	1	2838				
MstII	CC!TNAGG	2	2216	3848			
MunI	C!AATTG	1	1486				
MvaI	CC!WGG	16	91	284	854	902	998
			1013	1142	2272	2327	2344
			3123	3702	3805	4495	4508
			4629				
MvnI	CG!CG	16	61	652	1385	1660	2036
			2056	2080	2111	2802	3103
			3541	3625	3688	3757	4030
			4611				
NaeI	GCC!GGC	3	1955	3238	3521		
NarI	GG!CGCC	1	2736				
NciI	CC!SGG	7	658	659	1251	2740	2900
			3513	4277			
NcoI	C!CATGG	4	361	678	2465	3168	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	23	586	610	661	1041	1191
			1217	1393	2573	2577	2596
			2907	2985	3066	3075	3153
			3529	3545	3904	3916	3994
			4002	4013	4088		
NgoMI	G!CCGGC	3	1953	3236	3519		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	23	305	365	682	709	715
			727	805	871	951	1162
			2166	2306	2378	2469	2610
			2955	3141	3172	3198	3554
			3938	4658	4709		
NlaIV	GGN!NCC	20	468	648	656	663	733
			793	1184	1891	1912	1924
			2115	2276	2348	2737	2772
			3620	3699	3744	4587	4626
NotI	GC!GGCCGC	1	1380				
NsiI	ATGCA!T	3	2308	2380	4711		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	709	2306	2378	3141	4658
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	628	3418			
NspBII	CMG!CKG	6	652	1130	2234	2842	4071
			4316				
NspII	GDGCH!C	14	621	658	734	761	794
			1371	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
NspIII	C!YCGRG	3	614	657	935		
NspIV	G!GNCC	14	84	277	654	655	827
			1070	1162	1183	1843	3252
			3697	3743	3801	3834	
NunII	GG!CGCC	1	2736				
Paer71	C!TCGAG	1	614				
PalI	GG!CC	29	85	278	656	828	1071

			1106	1140	1163	1185	1295
			1337	1382	1702	1844	2499
			2505	2514	2557	2644	2818
			3209	3236	3745	3802	3835
			4180	4614	4632	4643	
PleI	GAGTCNNNN!	3	965	1787	2219		
PleI	!NNNNNGACTC	6	405	599	1381	1795	3401
			4278				
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1310				
PstI	CTGCA!G	1	639				
PvuII	CAG!CTG	2	2234	2842			
RmaI	C!TAG	9	593	1356	1391	1585	2003
			2559	3574	3908	4161	
RsaI	GT!AC	11	220	245	300	333	384
			541	648	722	872	1124
			3042				
RsrI	G!AATTC	1	630				
RsrII	CG!GWCCG	1	3252				
SacI	GAGCT!C	1	621				
SacII	CCGC!GG	1	653				
SalI	G!TCGAC	1	640				
Sau3AI	!GATC	23	586	610	661	1041	1191
			1217	1393	2573	2577	2596
			2907	2985	3066	3075	3153
			3529	3545	3904	3916	3994
			4002	4013	4088		
Sau96I	G!GNCC	14	84	277	654	655	827
			1070	1162	1183	1843	3252
			3697	3743	3801	3834	
SauI	CC!TNAGG	2	2216	3848			
ScrFI	CC!NGG	23	91	284	658	659	854
			902	998	1013	1142	1251
			2272	2327	2344	2740	2900
			3123	3513	3702	3805	4277
			4495	4508	4629		
SduI	GDGCH!C	14	621	658	734	761	794
			1371	1927	2682	2775	2849
			3039	3101	3811	4344	
SecI	C!CNNGG	23	361	650	657	678	765
			900	901	936	996	2270
			2342	2465	2500	2509	2558
			2899	3168	3573	3700	3701
			3803	3804	4494		
SexI	!CTCGAG	1	613				
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	915	1552	2315	2387	3035
			3099	3374			
SfaNI	!NNNNNNNNGATGC	7	358	1068	1236	2694	2949
			3165	4557			
SfcI	C!TRYAG	4	635	2071	4198	4389	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2511				
SfuI	TT!CGAA	2	628	3418			
SinI	G!GWCC	2	3252	3697			
SmaI	CCC!GGG	1	659				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnoI	G!TGCAC	2	757	4340			
SphI	GCATG!C	3	2306	2378	3141		
SspI	AAT!ATT	2	1644	2197			
SstI	GAGCT!C	1	621				
SstII	CCGC!GG	1	653				

SstIII	!ACGT	16	122 444 1850 3952	134 1034 1960	175 1310 2851	258 1795 3038	339 1807 3819
StuI	AGG!CCT	2	1106	2557			
StyI	C!CWWGG	6	361 3573	678	2465	2558	3168
TaqI	T!CGA	17	615 1314 3029 3718	628 1885 3065 4556	641 2576 3227	819 2849 3418	846 3005 3463
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	1756	2773	3441		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3685				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	2	809	914			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2640	3232		
TfiI	G!AWTC	7	807 3502	1284 4680	3221	3355	3465
ThaI	CG!CG	16	61 2056 3541 4611	652 2080 3625	1385 2111 3688	1660 2802 3757	2036 3103 4030
Tsp45I	!GTSAC	4	958	2025	2856	3162	
TspEI	!AATT	11	19 1654 3894	630 1665	1486 2312	1550 2384	1628 2476
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2854				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4063				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3171	4031	4070		
TthHB8I	T!CGA	17	615 1314 3029 3718	628 1885 3065 4556	641 2576 3227	819 2849 3418	846 3005 3463
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	1390				
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	1	3011				
XcyI	C!CCGGG	1	657				
XhoI	C!TCGAG	1	614				
XhoII	R!GATCY	11	586 3153 4013	610 3545	661 3904	1217 3916	2907 4002
XmaI	C!CCGGG	1	657				
XmaIII	C!GGCCG	2	1380	2642			