

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	2	1040	2611			
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	1	1410				
AccI	GT!MKAC	2	1191	1405			
AccII	CG!CG	16	61	1416	1678	1714	2090
			2110	2134	2165	2856	3157
			3595	3679	3742	3811	4084
			4665				
AccIII	T!CCGGA	1	1316				
AciI	G!CGG	28	371	404	529	749	759
			1071	1113	1416	2050	2077
			2165	2275	2856	2920	3021
			3024	3304	3359	3457	3595
			3742	3882	4125	4370	4491
			4510	4637	4665		
AciI	C!CGC	35	59	87	99	113	280
			508	590	924	1062	1164
			1414	2105	2108	2122	2212
			2460	2472	2481	2493	2503
			2514	2560	2699	2762	3264
			3309	3375	3401	3526	3529
			3677	3809	4116	4260	4756
AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1188
			2790	3492	3571		
AfaI	GT!AC	11	220	245	300	333	384
			541	656	806	1058	1412
			3096				
AflI	G!GWCC	2	3306	3751			
AflIII	A!CRYGT	2	1676	4708			
AgeI	A!CCGGT	1	601				
AhaI	CC!SGG	8	1185	1359	1422	1423	2794
			2954	3567	4331		
AhaII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1188
			2790	3492	3571		
AhaIII	TTT!AAA	3	1492	3934	3953		
AluI	AG!CT	18	567	625	652	798	1105
			1333	1371	1569	1736	1993
			2288	2576	2896	3354	4151
			4408	4454	4544		
Alw44I	G!TGCAC	2	691	4394			
AlwI	GGATCNNNN!	9	1433	1442	2658	2969	3215
			3607	3966	4064	4150	
AlwI	!NNNNNGATCC	7	581	1146	1420	3034	3578
			3965	4062			
AlwNI	CAGNNN!CTG	3	1278	3891	4299		
AocI	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		
AocII	GDGCH!C	14	668	695	728	1305	1386
			1422	1981	2736	2829	2903
			3093	3155	3865	4398	
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				
AosI	TGC!GCA	1	2892				
AosII	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1188
			2790	3492	3571		
ApaI	GGGCC!C	1	1422				
ApaLI	G!TGCAC	2	691	4394			

ApoI	R!AATTY	4	1394	1604	1708	1719	
ApyI	CC!WGG	16	91	284	788	836	932
			947	1076	2326	2381	2398
			3177	3756	3859	4549	4562
			4683				
AquI	C!YCGRG	1	1421				
AseI	AT!TAAT	1	8				
AsnI	AT!TAAT	1	8				
Asp718I	G!GTACC	1	1410				
AspHI	GWGCW!C	5	695	1386	2903	3093	4398
AspI	GACN!NNGTC	1	2908				
AsuI	G!GNCC	15	84	277	761	1004	1096
			1117	1355	1418	1419	1897
			3306	3751	3797	3855	3888
AsuII	TT!CGAA	1	3472				
AvaI	C!YCGRG	1	1421				
AvaII	G!GWCC	2	3306	3751			
AvaIII	ATGCA!T	3	2362	2434	4765		
AviII	TGC!GCA	1	2892				
AvrI	!CYCGRG	1	1420				
AvrII	C!CTAGG	2	2612	3627			
AxyI	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		
BalI	TGG!CCA	2	1271	2872			
BamHI	G!GATCC	1	1425				
BanI	G!GYRCC	7	466	665	725	1410	1943
			2789	2824			
BanII	GRGCY!C	4	1422	1981	3155	3865	
BanIII	AT!CGAT	1	2630				
BbeI	GGCGC!C	1	2793				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1188
			2790	3492	3571		
BbsI	!GAAGAC	3	904	1137	1205		
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	8	822	1264	1578	2863	2905
			3426	3879	4379		
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	10	941	1349	1358	2072	2737
			2921	3014	4080	4286	4289
BbvII	GAAGACNN!	3	912	1145	1213		
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	6	823	967	1018	1084	3216
			3703				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	1932	2750	4209		
BclI	T!GATCA	1	1447				
BcnI	CC!SGG	8	1185	1359	1422	1423	2794
			2954	3567	4331		
BfaI	C!TAG	9	593	1290	1438	1639	2057
			2613	3628	3962	4215	
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	91	213	284	1080	1094
			2565				
BglIII	A!GATCT	1	1325				
BinI	!NNNNNGATCC	7	581	1146	1420	3034	3578
			3965	4062			
BinI	GGATCNNNN!	9	1433	1442	2658	2969	3215
			3607	3966	4064	4150	
BlnI	C!CTAGG	2	2612	3627			
BmyI	GDGCH!C	14	668	695	728	1305	1386
			1422	1981	2736	2829	2903
			3093	3155	3865	4398	
BpmI	!CTCCAG	2	943	3587			
BpmI	!CTGGAG	1	3608				
BsaAI	YAC!GTR	3	341	1906	3094		

BsaBI	GATNN!NNATC	2	1452	2649			
BsaHI	GR!CGYC	8	123	176	259	445	1188
			2790	3492	3571		
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	1043	1232	3779		
BsaJI	C!CNNGG	23	361	612	699	834	835
			930	1357	1414	1421	2324
			2396	2519	2554	2563	2612
			2953	3222	3627	3754	3755
			3857	3858	4548		
BseAI	T!CCGGA	1	1316				
BsiEI	CGRY!CG	4	606	753	2699	4374	
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	22	50	722	835	1001	1067
			1802	2128	2520	2771	3315
			3596	3628	3629	3760	3795
			3845	3846	3877	4230	4509
			4675	4693			
BslI	CCNNNNN!NNGG	22	50	722	835	1001	1067
			1802	2128	2520	2771	3315
			3596	3628	3629	3760	3795
			3845	3846	3877	4230	4509
			4675	4693			
BsmAI	!GTCTC	1	429				
BsmAI	!GAGAC	6	1048	1237	2219	2637	3656
			3784				
BsmI	GAATGCN!	1	1541				
BsmI	G!CATTC	1	1634				
Bsp1286I	GDGCH!C	14	668	695	728	1305	1386
			1422	1981	2736	2829	2903
			3093	3155	3865	4398	
BspDI	AT!CGAT	1	2630				
BspEI	T!CCGGA	1	1316				
BspHI	T!CATGA	2	2216	3988			
BspMI	ACCTGCNNNN!	2	3058	3508			
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2677				
BspMII	T!CCGGA	1	1316				
BspWI	GCNNNNN!NNGC	34	91	213	245	284	377
			401	649	1080	1094	1362
			1368	1371	2017	2047	2074
			2116	2118	2357	2429	2480
			2559	2565	2781	2865	2888
			3027	3033	3150	3233	3500
			3687	3891	4090	4662	
BsrFI	R!CCGGY	5	601	2007	3109	3290	3573
BsrI	ACTGGN!	5	1215	1302	2734	2935	4181
BsrI	C!CAGT	5	296	1819	2497	4293	4306
BstBI	TT!CGAA	1	3472				
BstI	G!GATCC	1	1425				
BstNI	CC!WGG	16	91	284	788	836	932
			947	1076	2326	2381	2398
			3177	3756	3859	4549	4562
			4683				
BstUI	CG!CG	16	61	1416	1678	1714	2090
			2110	2134	2165	2856	3157
			3595	3679	3742	3811	4084
			4665				
BstYI	R!GATCY	12	586	1151	1325	1425	1434
			2961	3207	3599	3958	3970
			4056	4067			
Bsu36I	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		

CbiI	TT!CGAA	1	3472				
CfoI	GCG!C	21	598	2056	2064	2090	2112
			2121	2134	2165	2784	2792
			2856	2893	3159	3419	3595
			3681	4084	4193	4367	4467
			4534				
Cfr10I	R!CCGGY	5	601	2007	3109	3290	3573
Cfr13I	G!GNCC	15	84	277	761	1004	1096
			1117	1355	1418	1419	1897
			3306	3751	3797	3855	3888
Cfr9I	C!CCGGG	1	1421				
CfrI	Y!GGCCR	5	1269	2696	2870	3261	3288
ClaI	AT!CGAT	1	2630				
CpoI	CG!GWCCG	1	3306				
Csp45I	TT!CGAA	1	3472				
CviJI	RG!CY	96	43	85	94	278	567
			625	652	715	762	791
			798	876	942	954	1005
			1032	1040	1074	1088	1097
			1105	1119	1229	1265	1271
			1333	1356	1362	1371	1420
			1459	1569	1736	1756	1898
			1979	1993	2007	2288	2329
			2401	2524	2553	2559	2568
			2576	2599	2611	2617	2698
			2715	2723	2750	2775	2859
			2868	2872	2896	2934	3010
			3027	3046	3109	3153	3163
			3180	3263	3290	3294	3331
			3354	3370	3550	3577	3638
			3760	3799	3856	3863	3870
			3889	3900	4151	4180	4223
			4234	4299	4378	4403	4408
			4454	4544	4642	4668	4686
			4697				
CvnI	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		
DdeI	C!TNAG	11	870	1167	1322	1329	1390
			2270	2572	3453	3902	4025
			4434				
DpnI	GA!TC	24	588	977	1127	1153	1327
			1427	1436	1449	2629	2633
			2652	2963	3041	3122	3131
			3209	3585	3601	3960	3972
			4050	4058	4069	4144	
DpnII	!GATC	24	586	975	1125	1151	1325
			1425	1434	1447	2627	2631
			2650	2961	3039	3120	3129
			3207	3583	3599	3958	3970
			4048	4056	4067	4142	
DraI	TTT!AAA	3	1492	3934	3953		
DraII	RG!GNCCY	1	3888				
DraIII	CACNNN!GTG	2	1261	1906			
DrdI	GACNNNN!NNGTC	3	1861	2817	4606		
DsaI	C!CRYGG	5	361	612	1414	2519	3222
DsaV	!CCNGG	24	89	282	786	834	930
			945	1074	1183	1357	1420
			1421	2324	2379	2396	2792
			2952	3175	3565	3754	3857
			4329	4547	4560	4681	

EaeI	Y!GGCCR	5	1269	2696	2870	3261	3288
EagI	C!GGCCG	1	2696				
EarI	!GAAGAG	3	2261	3138	3348		
EclXI	C!GGCCG	1	2696				
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	1043	1232	3779		
Eco47I	G!GWCC	2	3306	3751			
Eco47III	AGC!GCT	1	597				
Eco52I	C!GGCCG	1	2696				
Eco57I	!CTGAAG	3	1099	2914	3346		
Eco57I	!CTTCAG	1	4180				
Eco81I	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3888				
EcoRI	G!AATTC	1	1394				
EcoRII	!CCWGG	16	89	282	786	834	930
			945	1074	2324	2379	2396
			3175	3754	3857	4547	4560
			4681				
EcoT14I	C!CWWGG	6	361	612	2519	2612	3222
			3627				
EcoT22I	ATGCA!T	3	2362	2434	4765		
EcoT38I	GRGCY!C	4	1422	1981	3155	3865	
EheI	GGC!GCC	1	2791				
FbaI	T!GATCA	1	1447				
FinI	!GTCCC	4	2320	2392	2456	3751	
FinI	!GGAC	6	161	312	480	2926	3458
			3567				
Fnu4HI	GC!NGC	35	760	811	955	1072	1253
			1363	1372	1567	2086	2108
			2122	2560	2699	2751	2762
			2852	2857	2894	2935	3022
			3025	3028	3264	3360	3401
			3415	3529	3868	3883	4094
			4300	4303	4368	4511	4666
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	4	2657	3114	3139	3593	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	682	770	827	982	2463
FspI	TGC!GCA	1	2892				
GdiII	!NNNNNYGGCCG	3	2690	3255	3282		
GdiII	CGGCCRN!	1	2702				
GsuI	!CTCCAG	2	943	3587			
GsuI	!CTGGAG	1	3608				
HaeI	WGG!CCW	7	1040	1271	2611	2872	4234
			4686	4697			
HaeII	RGCGC!Y	5	599	2057	2065	2793	4468
HaeIII	GG!CC	29	85	278	762	1005	1040
			1074	1097	1119	1229	1271
			1356	1420	1756	1898	2553
			2559	2568	2611	2698	2872
			3263	3290	3799	3856	3889
			4234	4668	4686	4697	
HapII	C!CGG	22	602	1185	1317	1359	1422
			1432	2008	2695	2772	2794
			2822	2953	3043	3110	3291
			3566	3574	3666	4140	4330
			4356	4503			
HgaI	GACGCNNNNN!	3	527	3500	3579		
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	1177	2123	4018	4596	
HgiAI	GWGCW!C	5	695	1386	2903	3093	4398
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	4120				

HhaI	GCG!C	21	598 2121 2856 3681 4534	2056 2134 2893 4084	2064 2165 3159 4193	2090 2784 3419 4367	2112 2792 3595 4467
Hin1I	GR!CGYC	8	123 2790	176 3492	259 3571	445	1188
HinP1I	G!CGC	21	596 2119 2854 3679 4532	2054 2132 2891 4082	2062 2163 3157 4191	2088 2782 3417 4365	2110 2790 3593 4465
HincII	GTY!RAC	2	1406	1553			
HinfI	G!ANTC	15	411 1833 3461	741 1855 3519	891 2265 3556	1218 3275 4338	1320 3409 4734
HpaI	GTT!AAC	1	1553				
HpaII	C!CGG	22	602 1432 2822 3566 4356	1185 2008 2953 3574 4503	1317 2695 3043 3666	1359 2772 3110 4140	1422 2794 3291 4330
HphI	GGTGANNNNNNNN!	5	377	628	997	3861	3977
HphI	!NNNNNNNTCACC	3	886	1907	2968		
KasI	G!GCGCC	1	2789				
KpnI	GGTAC!C	1	1414				
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	2257	3134	3344		
KspI	CCGC!GG	1	1417				
MaeI	C!TAG	9	593 2613	1290 3628	1438 3962	1639 4215	2057
MaeII	A!CGT	16	123 445 1905 4007	135 969 2015	176 1245 2906	259 1850 3093	340 1862 3874
MaeIII	!GTNAC	13	62 2079 4172	149 2091 4288	498 2910 4351	892 3216	1578 3906
MamI	GATNN!NNATC	2	1452	2649			
MboI	!GATC	24	586 1425 2650 3207 4048	975 1434 2961 3583 4056	1125 1447 3039 3599 4067	1151 2627 3120 3958 4142	1325 2631 3129 3970
MboII	GAAGANNNNNNNN!	9	917 2274	1030 3151	1150 3361	1218 3980	2046
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	3441	3608	3808	4051	
McrI	!CGRYCG	4	602	749	2695	4370	
MfeI	!CAATG	1	1539				
MflI	R!GATCY	12	586 2961 4056	1151 3207 4067	1325 3599	1425 3958	1434 3970
MluI	A!CGCGT	1	1676				
MmeI	!TCCRAC	2	997	1857			
MmeI	!GTYGGA	2	4333	4517			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	16	774 1295 2579 4605	953 1350 3391	968 1509 3597	1051 1518 3911	1184 2573 4281
MnlI	!NNNNNNNGAGG	24	541	654	693	714	747

			864	973	1029	1218	1251
			1468	1933	2264	2542	2548
			2585	2588	2600	2640	2704
			2840	3197	3627	4530	
MroI	T!CCGGA	1	1316				
MscI	TGG!CCA	2	1271	2872			
MseI	T!TAA	18	8	630	855	1311	1491
			1552	1673	1694	1705	1717
			1728	1745	1843	2114	3933
			3947	3952	4004		
MspI	C!CGG	22	602	1185	1317	1359	1422
			1432	2008	2695	2772	2794
			2822	2953	3043	3110	3291
			3566	3574	3666	4140	4330
			4356	4503			
MstI	TGC!GCA	1	2892				
MstII	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		
MunI	C!AATTG	1	1540				
MvaI	CC!WGG	16	91	284	788	836	932
			947	1076	2326	2381	2398
			3177	3756	3859	4549	4562
			4683				
MvnI	CG!CG	16	61	1416	1678	1714	2090
			2110	2134	2165	2856	3157
			3595	3679	3742	3811	4084
			4665				
NaeI	GCC!GGC	3	2009	3292	3575		
NarI	GG!CGCC	1	2790				
NciI	CC!SGG	8	1185	1359	1422	1423	2794
			2954	3567	4331		
NcoI	C!CATGG	4	361	612	2519	3222	
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	24	586	975	1125	1151	1325
			1425	1434	1447	2627	2631
			2650	2961	3039	3120	3129
			3207	3583	3599	3958	3970
			4048	4056	4067	4142	
NgoMI	G!CCGGC	3	2007	3290	3573		
NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	24	305	365	616	643	649
			661	739	805	885	1096
			1369	2220	2360	2432	2523
			2664	3009	3195	3226	3252
			3608	3992	4712	4763	
NlaIV	GGN!NCC	21	468	667	727	1118	1357
			1412	1420	1427	1945	1966
			1978	2169	2330	2402	2791
			2826	3674	3753	3798	4641
			4680				
NsiI	ATGCA!T	3	2362	2434	4765		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	643	2360	2432	3195	4712
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	3472				
NspBII	CMG!CKG	6	1064	1416	2288	2896	4125
			4370				
NspII	GDGCH!C	14	668	695	728	1305	1386
			1422	1981	2736	2829	2903
			3093	3155	3865	4398	
NspIII	C!YCGRG	1	1421				
NspIV	G!GNCC	15	84	277	761	1004	1096

			1117	1355	1418	1419	1897
			3306	3751	3797	3855	3888
NunII	GG!CGCC	1	2790				
PalI	GG!CC	29	85	278	762	1005	1040
			1074	1097	1119	1229	1271
			1356	1420	1756	1898	2553
			2559	2568	2611	2698	2872
			3263	3290	3799	3856	3889
			4234	4668	4686	4697	
PleI	GAGTCNNNN!	3	899	1841	2273		
PleI	!NNNNNGACTC	5	405	1314	1849	3455	4332
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1244				
PstI	CTGCA!G	1	1403				
PvuII	CAG!CTG	2	2288	2896			
RmaI	C!TAG	9	593	1290	1438	1639	2057
			2613	3628	3962	4215	
RsaI	GT!AC	11	220	245	300	333	384
			541	656	806	1058	1412
			3096				
RsrI	G!AATTC	1	1394				
RsrII	CG!GWCCG	1	3306				
SacII	CCGC!GG	1	1417				
SalI	G!TCGAC	1	1404				
Sau3AI	!GATC	24	586	975	1125	1151	1325
			1425	1434	1447	2627	2631
			2650	2961	3039	3120	3129
			3207	3583	3599	3958	3970
			4048	4056	4067	4142	
Sau96I	G!GNCC	15	84	277	761	1004	1096
			1117	1355	1418	1419	1897
			3306	3751	3797	3855	3888
SauI	CC!TNAGG	3	870	2270	3902		
ScrFI	CC!NGG	24	91	284	788	836	932
			947	1076	1185	1359	1422
			1423	2326	2381	2398	2794
			2954	3177	3567	3756	3859
			4331	4549	4562	4683	
SduI	GDGCH!C	14	668	695	728	1305	1386
			1422	1981	2736	2829	2903
			3093	3155	3865	4398	
SecI	C!CNNGG	23	361	612	699	834	835
			930	1357	1414	1421	2324
			2396	2519	2554	2563	2612
			2953	3222	3627	3754	3755
			3857	3858	4548		
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	849	1606	2369	2441	3089
			3153	3428			
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	358	1002	1170	2748	3003
			3219	4611			
SfcI	C!TRYAG	4	1399	2125	4252	4443	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	2565				
SfuI	TT!CGAA	1	3472				
SinI	G!GWCC	2	3306	3751			
SmaI	CCC!GGG	1	1423				
SnaBI	TAC!GTA	1	341				
SnoI	G!TGCAC	2	691	4394			
SphI	GCATG!C	3	2360	2432	3195		
SspI	AAT!ATT	2	1698	2251			
SstII	CCGC!GG	1	1417				

SstIII	!ACGT	16	122 444 1904 4006	134 968 2014	175 1244 2905	258 1849 3092	339 1861 3873
StuI	AGG!CCT	2	1040	2611			
StyI	C!CWWGG	6	361 3627	612	2519	2612	3222
TaqI	T!CGA	15	753 2630 3281	780 2903 3472	1248 3059 3517	1405 3083 3772	1939 3119 4610
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	1810	2827	3495		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3739				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	2	743	848			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	2694	3286		
TfiI	G!AWTC	7	741 3556	1218 4734	3275	3409	3519
ThaI	CG!CG	16	61 2110 3595 4665	1416 2134 3679	1678 2165 3742	1714 2856 3811	2090 3157 4084
Tsp45I	!GTSAC	4	892	2079	2910	3216	
TspEI	!AATT	12	19 1682 2530	1312 1708 3948	1394	1540 2366	1604 2438
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2908				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	4117				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	3225	4085	4124		
TthHB8I	T!CGA	15	753 2630 3281	780 2903 3472	1248 3059 3517	1405 3083 3772	1939 3119 4610
VspI	AT!TAAT	1	8				
XbaI	T!CTAGA	1	1437				
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	1	3065				
XcyI	C!CCGGG	1	1421				
XhoII	R!GATCY	12	586 2961 4056	1151 3207 4067	1325 3599	1425 3958	1434 3970
XmaI	C!CCGGG	1	1421				
XmaIII	C!GGCCG	1	2696				