

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	4	676	1140	2334	3785	
AatII	GACGT!C	4	126	179	262	448	
Acc65I	G!GTACC	0					
AccI	GT!MKAC	2	1093	2485			
AccII	CG!CG	17	61	1830	1887	2613	2888
			3264	3284	3308	3339	4030
			4331	4769	4853	4916	4985
			5258	5839			
AccIII	T!CCGGA	0					
AciI	G!CGG	33	371	404	529	630	1405
			1762	1830	1887	2043	2053
			2365	2407	2607	3224	3251
			3339	3449	4030	4094	4195
			4198	4478	4533	4631	4769
			4916	5056	5299	5544	5665
			5684	5811	5839		
AciI	C!CGC	36	59	87	99	113	280
			508	590	651	2218	2356
			2458	2611	3279	3282	3296
			3386	3634	3646	3655	3667
			3677	3688	3734	3873	3936
			4438	4483	4549	4575	4700
			4703	4851	4983	5290	5434
			5930				
AcyI	GR!CGYC	10	123	176	259	445	640
			647	2482	3964	4666	4745
AfaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	1266	1723	1950	2100
			2352	4270			
AflI	G!GWCC	3	1781	4480	4925		
AflII	C!TTAAG	1	2846				
AflIII	A!CRYGT	4	782	936	955	5882	
AgeI	A!CCGGT	1	1895				
AhaI	CC!SGG	8	636	637	644	2479	3968
			4128	4741	5505		
AhaII	GR!CGYC	10	123	176	259	445	640
			647	2482	3964	4666	4745
AhaIII	TTT!AAA	3	2666	5108	5127		
AluI	AG!CT	21	567	745	844	1006	1457
			1575	1919	1946	2092	2399
			2743	2910	3167	3462	3750
			4070	4528	5325	5582	5628
			5718				
Alw44I	G!TGCAC	2	1985	5568			
AlwI	GGATCNNNN!	9	1198	1897	3832	4143	4389
			4781	5140	5238	5324	
AlwI	!NNNNNGATCC	8	581	1739	1884	2440	4208
			4752	5139	5236		
AlwNI	CAGNNN!CTG	4	819	2572	5065	5473	
AocI	CC!TNAGG	2	3444	5076			
AocII	GDGCH!C	20	874	1018	1120	1243	1412
			1543	1624	1769	1962	1989
			2022	2599	3155	3910	4003
			4077	4267	4329	5039	5572
Aor51HI	AGC!GCT	1	597				

AosI	TGC!GCA	1	4066					
AosII	GR!CGYC	10	123	176	259	445	640	
			647	2482	3964	4666	4745	
ApaI	GGGCC!C	2	1018	1769				
ApaLI	G!TGCAC	2	1985	5568				
ApoI	R!AATTY	4	1851	2778	2882	2893		
ApyI	CC!WGG	20	91	284	1137	1452	1674	
			1770	2082	2130	2226	2241	
			2370	3500	3555	3572	4351	
			4930	5033	5723	5736	5857	
AquI	C!YCGRG	3	614	635	2163			
AscI	GG!CGCGCC	0						
AseI	AT!TAAT	1	8					
AsnI	AT!TAAT	1	8					
Asp700I	GAANN!NNTTC	0						
Asp718I	G!GTACC	0						
AspHI	GWGCW!C	6	1120	1624	1989	4077	4267	
			5572					
AspI	GACN!NNGTC	1	4082					
AsuI	G!GNCC	19	84	277	632	1014	1015	
			1212	1765	1766	1781	2055	
			2298	2390	2411	3071	4480	
			4925	4971	5029	5062		
AsuII	TT!CGAA	1	4646					
AvaI	C!YCGRG	3	614	635	2163			
AvaII	G!GWCC	3	1781	4480	4925			
AvaIII	ATGCA!T	3	3536	3608	5939			
AviII	TGC!GCA	1	4066					
AvrI	!CYCGRG	3	613	634	2162			
AvrII	C!CTAGG	2	3786	4801				
AxyI	CC!TNAGG	2	3444	5076				
BalI	TGG!CCA	3	741	2565	4046			
BamHI	G!GATCC	1	1889					
BanI	G!GYRCC	8	466	639	1407	1959	2019	
			3117	3963	3998			
BanII	GRGCY!C	7	874	1018	1543	1769	3155	
			4329	5039				
BanIII	AT!CGAT	1	3804					
BbeI	GGCGC!C	2	643	3967				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	10	123	176	259	445	640	
			647	2482	3964	4666	4745	
BbrPI	CAC!GTG	0						
BbsI	!GTCTTC	1	1655					
BbsI	!GAAGAC	3	2198	2431	2499			
BbvI	GCAGCNNNNNNN!	9	853	2116	2558	2752	4037	
			4079	4600	5053	5553		
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	12	640	652	1167	1444	2235	
			3246	3911	4095	4188	5254	
			5460	5463				
BbvII	GAAGACNN!	3	2206	2439	2507			
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	1	1649					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	737	2117	2261	2312	2378	
			4390	4877				
BcefI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	3	3106	3924	5383			
BcgI	!GCANNNNNNTCG	1	1635					
BcgI	!CGANNNNNNTGC	0						
BclI	T!GATCA	0						
BcnI	CC!SGG	8	636	637	644	2479	3968	
			4128	4741	5505			

BfaI	C!TAG	10	593	1483	2584	2619	2813
			3231	3787	4802	5136	5389
BfrI	C!TTAAG	1	2846				
BglI	GCCNNNN!NGGC	8	91	213	284	627	1308
			2374	2388	3739		
BglII	A!GATCT	1	610				
BinI	!NNNNNGATCC	8	581	1739	1884	2440	4208
			4752	5139	5236		
BinI	GGATCNNNN!	9	1198	1897	3832	4143	4389
			4781	5140	5238	5324	
BlnI	C!CTAGG	2	3786	4801			
BmyI	GDGCH!C	20	874	1018	1120	1243	1412
			1543	1624	1769	1962	1989
			2022	2599	3155	3910	4003
			4077	4267	4329	5039	5572
BpmI	!CTCCAG	2	2237	4761			
BpmI	!CTGGAG	2	1451	4782			
Bpu1102I	GC!TNAGC	0					
BsaAI	YAC!GTR	3	341	3080	4268		
BsaBI	GATNN!NNATC	2	2626	3823			
BsaHI	GR!CGYC	10	123	176	259	445	640
			647	2482	3964	4666	4745
BsaI	GGTCTCN!	1	800				
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	2337	2526	4953		
BsaJI	C!CNNGG	25	361	625	634	635	1768
			1906	1993	2128	2129	2164
			2224	3498	3570	3693	3728
			3737	3786	4127	4396	4801
			4928	4929	5031	5032	5722
BseAI	T!CCGGA	0					
BsePI	!GCGCGC	0					
BsgI	!GTGCAG	0					
BsgI	!CTGCAC	0					
BsiEI	CGRY!CG	5	1900	2047	2611	3873	5548
BsiWI	C!GTACG	0					
BsiYI	CCNNNNN!NNGG	25	50	1209	1430	1774	2016
			2129	2295	2361	2976	3302
			3694	3945	4489	4770	4802
			4803	4934	4969	5019	5020
			5051	5404	5683	5849	5867
BslI	CCNNNNN!NNGG	25	50	1209	1430	1774	2016
			2129	2295	2361	2976	3302
			3694	3945	4489	4770	4802
			4803	4934	4969	5019	5020
			5051	5404	5683	5849	5867
BsmAI	!GTCTC	2	429	794			
BsmAI	!GAGAC	7	1172	2342	2531	3393	3811
			4830	4958			
BsmI	GAATGCN!	3	866	1478	2715		
BsmI	G!CATTC	2	1365	2808			
Bsp1286I	GDGCH!C	20	874	1018	1120	1243	1412
			1543	1624	1769	1962	1989
			2022	2599	3155	3910	4003
			4077	4267	4329	5039	5572
BspDI	AT!CGAT	1	3804				
BspEI	T!CCGGA	0					
BspHI	T!CATGA	2	3390	5162			
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	1153	1299	4232	4682	
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	3851				

BspMII	T!CCGGA	0					
BspWI	GCNNNNN!NNGC	43	91	213	245	284	377
			401	627	639	653	662
			678	687	1162	1308	1581
			1864	1873	1882	1943	2374
			2388	3191	3221	3248	3290
			3292	3531	3603	3654	3733
			3739	3955	4039	4062	4201
			4207	4324	4407	4674	4861
			5065	5264	5836		
BsrFI	R!CCGGY	8	1863	1872	1881	1895	3181
			4283	4464	4747		
BsrI	ACTGGN!	7	1214	1280	2509	2596	3908
			4109	5355			
BsrI	C!CAGT	8	296	1252	1412	1585	2993
			3671	5467	5480		
BssHII	G!CGCGC	0					
Bst1107I	GTA!TAC	0					
BstBI	TT!CGAA	1	4646				
BstEII	G!GTNACC	1	1418				
BstI	G!GATCC	1	1889				
BstNI	CC!WGG	20	91	284	1137	1452	1674
			1770	2082	2130	2226	2241
			2370	3500	3555	3572	4351
			4930	5033	5723	5736	5857
BstPI	G!GTNACC	1	1418				
BstUI	CG!CG	17	61	1830	1887	2613	2888
			3264	3284	3308	3339	4030
			4331	4769	4853	4916	4985
			5258	5839			
BstXI	CCANNNNN!NTGG	1	1757				
BstYI	R!GATCY	11	586	610	1889	2445	4135
			4381	4773	5132	5144	5230
			5241				
Bsu36I	CC!TNAGG	2	3444	5076			
CbiI	TT!CGAA	1	4646				
CcrI	C!TCGAG	1	614				
CelII	GC!TNAGC	0					
CfoI	GCG!C	26	598	621	642	690	1643
			1887	3230	3238	3264	3286
			3295	3308	3339	3958	3966
			4030	4067	4333	4593	4769
			4855	5258	5367	5541	5641
			5708				
Cfr10I	R!CCGGY	8	1863	1872	1881	1895	3181
			4283	4464	4747		
Cfr13I	G!GNCC	19	84	277	632	1014	1015
			1212	1765	1766	1781	2055
			2298	2390	2411	3071	4480
			4925	4971	5029	5062	
Cfr9I	C!CCGGG	1	635				
CfrI	Y!GGCCR	7	739	2563	2608	3870	4044
			4435	4462			
ClaI	AT!CGAT	1	3804				
CpoI	CG!GWCCG	1	4480				
Csp45I	TT!CGAA	1	4646				
CspI	CG!GSCCG	0					
CviJI	RG!CY	118	43	85	94	278	567
			633	676	741	745	777

			816	844	872	1006	1016
			1140	1214	1222	1302	1457
			1486	1541	1575	1584	1677
			1767	1778	1834	1858	1867
			1876	1919	1946	2009	2056
			2085	2092	2170	2236	2248
			2299	2326	2334	2368	2382
			2391	2399	2413	2523	2559
			2565	2610	2633	2743	2910
			2930	3072	3153	3167	3181
			3462	3503	3575	3698	3727
			3733	3742	3750	3773	3785
			3791	3872	3889	3897	3924
			3949	4033	4042	4046	4070
			4108	4184	4201	4220	4283
			4327	4337	4354	4437	4464
			4468	4505	4528	4544	4724
			4751	4812	4934	4973	5030
			5037	5044	5063	5074	5325
			5354	5397	5408	5473	5552
			5577	5582	5628	5718	5816
			5842	5860	5871		
CvnI	CC!TNAGG	2	3444	5076			
DdeI	C!TNAG	10	607	790	868	2461	3444
			3746	4627	5076	5199	5608
DpnI	GA!TC	25	588	612	1192	1746	1891
			2271	2421	2447	2623	3803
			3807	3826	4137	4215	4296
			4305	4383	4759	4775	5134
			5146	5224	5232	5243	5318
DpnII	!GATC	25	586	610	1190	1744	1889
			2269	2419	2445	2621	3801
			3805	3824	4135	4213	4294
			4303	4381	4757	4773	5132
			5144	5222	5230	5241	5316
DraI	TTT!AAA	3	2666	5108	5127		
DraII	RG!GNCCY	4	1014	1765	1766	5062	
DraIII	CACNNN!GTG	3	730	2555	3080		
DrdI	GACNNNN!NNGTC	4	1089	3035	3991	5780	
DsaI	C!CRYGG	5	361	625	1906	3693	4396
DsaV	!CCNGG	28	89	282	634	635	642
			1135	1450	1672	1768	2080
			2128	2224	2239	2368	2477
			3498	3553	3570	3966	4126
			4349	4739	4928	5031	5503
			5721	5734	5855		
EaeI	Y!GGCCR	7	739	2563	2608	3870	4044
			4435	4462			
EagI	C!GGCCG	2	2608	3870			
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0					
EarI	!CTCTTC	2	1521	1575			
EarI	!GAAGAG	6	1169	1712	1816	3435	4312
			4522				
Ecl136II	GAG!CTC	0					
EclXI	C!GGCCG	2	2608	3870			
Eco105I	TAC!GTA	1	341				
Eco31I	GGTCTCN!	1	800				
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	2337	2526	4953		
Eco47I	G!GWCC	3	1781	4480	4925		

Eco47III	AGC!GCT	1	597					
Eco52I	C!GGCCG	2	2608	3870				
Eco57I	!CTGAAG	5	830	1424	2393	4088	4520	
Eco57I	!CTTCAG	4	1159	1577	1657	5354		
Eco81I	CC!TNAGG	2	3444	5076				
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0						
EcoO109I	RG!GNCCY	4	1014	1765	1766	5062		
EcoO65I	G!GTNACC	1	1418					
EcoRI	G!AATTC	1	1851					
EcoRII	!CCWGG	20	89	282	1135	1450	1672	
			1768	2080	2128	2224	2239	
			2368	3498	3553	3570	4349	
			4928	5031	5721	5734	5855	
EcoRV	GAT!ATC	0						
EcoT14I	C!CWWGG	7	361	625	1906	3693	3786	
			4396	4801				
EcoT22I	ATGCA!T	3	3536	3608	5939			
EcoT38I	GRGCY!C	7	874	1018	1543	1769	3155	
			4329	5039				
EheI	GGC!GCC	2	641	3965				
Esp3I	CGTCTCN!	0						
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0						
EspI	GC!TNAGC	0						
FbaI	T!GATCA	0						
FinI	!GTCCC	4	3494	3566	3630	4925		
FinI	!GGAC	8	161	312	480	1122	1397	
			4100	4632	4741			
Fnu4HI	GC!NGC	41	631	654	666	842	1181	
			1458	2054	2105	2249	2366	
			2547	2608	2611	2741	3260	
			3282	3296	3734	3873	3925	
			3936	4026	4031	4068	4109	
			4196	4199	4202	4438	4534	
			4575	4589	4703	5042	5057	
			5268	5474	5477	5542	5685	
			5840					
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	5	1481	3831	4288	4313	4767	
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	1976	2064	2121	2276	3637	
FspI	TGC!GCA	1	4066					
GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	2602	3864	4429	4456		
GdiII	CGGCCRN!	2	2614	3876				
GsuI	!CTCCAG	2	2237	4761				
GsuI	!CTGGAG	2	1451	4782				
HaeI	WGG!CCW	12	676	741	1140	1302	1584	
			2334	2565	3785	4046	5408	
			5860	5871				
HaeII	RGCGC!Y	9	599	622	643	691	1644	
			3231	3239	3967	5642		
HaeIII	GG!CC	37	85	278	633	676	741	
			1016	1140	1214	1302	1584	
			1767	2056	2299	2334	2368	
			2391	2413	2523	2565	2610	
			2930	3072	3727	3733	3742	
			3785	3872	4046	4437	4464	
			4973	5030	5063	5408	5842	
			5860	5871				
HapII	C!CGG	24	602	636	644	1864	1873	
			1882	1896	2479	3182	3869	
			3946	3968	3996	4127	4217	

			4284	4465	4740	4748	4840
			5314	5504	5530	5677	
HgaI	GACGCNNNNN!	4	527	1134	4674	4753	
HgaI	!NNNNNNNNNNGCGTC	5	636	2471	3297	5192	5770
HgiAI	GWGCW!C	6	1120	1624	1989	4077	4267
			5572				
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	5294				
HhaI	GCG!C	26	598	621	642	690	1643
			1887	3230	3238	3264	3286
			3295	3308	3339	3958	3966
			4030	4067	4333	4593	4769
			4855	5258	5367	5541	5641
			5708				
Hin1I	GR!CGYC	10	123	176	259	445	640
			647	2482	3964	4666	4745
HinP1I	G!CGC	26	596	619	640	688	1641
			1885	3228	3236	3262	3284
			3293	3306	3337	3956	3964
			4028	4065	4331	4591	4767
			4853	5256	5365	5539	5639
			5706				
HincII	GTY!RAC	1	2727				
HindIII	A!AGCTT	0					
HinfI	G!ANTC	20	411	605	1029	1447	1520
			1823	2035	2185	2512	2615
			3007	3029	3439	4449	4583
			4635	4693	4730	5512	5908
HpaI	GTT!AAC	1	2727				
HpaII	C!CGG	24	602	636	644	1864	1873
			1882	1896	2479	3182	3869
			3946	3968	3996	4127	4217
			4284	4465	4740	4748	4840
			5314	5504	5530	5677	
HphI	GGTGANNNNNNN!	9	377	719	864	1290	1430
			1922	2291	5035	5151	
HphI	!NNNNNNNTCACC	7	878	908	1219	1319	2180
			3081	4142			
KasI	G!GCGCC	2	639	3963			
KpnI	GGTAC!C	0					
Ksp632I	CTCTTCN!	2	1528	1582			
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	6	1165	1708	1812	3431	4308
			4518				
KspI	CCGC!GG	0					
MaeI	C!TAG	10	593	1483	2584	2619	2813
			3231	3787	4802	5136	5389
MaeII	A!CGT	18	123	135	176	259	340
			445	938	1545	2263	2539
			3024	3036	3079	3189	4080
			4267	5048	5181		
MaeIII	!GTNAC	23	62	149	498	939	1106
			1271	1278	1355	1383	1418
			1692	1731	1824	2186	2752
			3253	3265	4084	4390	5080
			5346	5462	5525		
MamI	GATNN!NNATC	2	2626	3823			
MboI	!GATC	25	586	610	1190	1744	1889
			2269	2419	2445	2621	3801
			3805	3824	4135	4213	4294
			4303	4381	4757	4773	5132

			5144	5222	5230	5241	5316
MboII	GAAGANNNNNNNN!	15	845	1112	1182	1349	1725
			1829	2211	2324	2444	2512
			3220	3448	4325	4535	5154
MboII	!NNNNNNNTCTTC	7	1515	1569	1649	4615	4782
			4982	5225			
McrI	!CGRYCG	5	1896	2043	2607	3869	5544
MfeI	!CAATTG	1	2713				
MflI	R!GATCY	11	586	610	1889	2445	4135
			4381	4773	5132	5144	5230
			5241				
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	3	1556	2291	3031		
MmeI	!GTYGGA	2	5507	5691			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	25	764	827	888	1235	1313
			1565	1659	1794	1803	1815
			2068	2247	2262	2345	2478
			2589	2683	2692	3747	3753
			4565	4771	5085	5455	5779
MnlI	!NNNNNNNGAGG	28	541	697	766	1609	1812
			1948	1987	2008	2041	2158
			2267	2323	2512	2545	2642
			3107	3438	3716	3722	3759
			3762	3774	3814	3878	4014
			4371	4801	5704		
MroI	T!CCGGA	0					
MscI	TGG!CCA	3	741	2565	4046		
MseI	T!TAA	17	8	1924	2149	2665	2726
			2847	2868	2879	2891	2902
			2919	3017	3288	5107	5121
			5126	5178			
MspI	C!CGG	24	602	636	644	1864	1873
			1882	1896	2479	3182	3869
			3946	3968	3996	4127	4217
			4284	4465	4740	4748	4840
			5314	5504	5530	5677	
MstI	TGC!GCA	1	4066				
MstII	CC!TNAGG	2	3444	5076			
MunI	C!AATTG	1	2714				
MvaI	CC!WGG	20	91	284	1137	1452	1674
			1770	2082	2130	2226	2241
			2370	3500	3555	3572	4351
			4930	5033	5723	5736	5857
MvnI	CG!CG	17	61	1830	1887	2613	2888
			3264	3284	3308	3339	4030
			4331	4769	4853	4916	4985
			5258	5839			
NaeI	GCC!GGC	3	3183	4466	4749		
NarI	GG!CGCC	2	640	3964			
NciI	CC!SGG	8	636	637	644	2479	3968
			4128	4741	5505		
NcoI	C!CATGG	5	361	625	1906	3693	4396
NdeI	CA!TATG	1	235				
NdeII	!GATC	25	586	610	1190	1744	1889
			2269	2419	2445	2621	3801
			3805	3824	4135	4213	4294
			4303	4381	4757	4773	5132
			5144	5222	5230	5241	5316
NgoMI	G!CCGGC	3	3181	4464	4747		

NheI	G!CTAGC	1	592				
NlaIII	CATG!	30	305	365	629	786	959
			1100	1337	1520	1742	1910
			1937	1943	1955	2033	2099
			2179	2390	3394	3534	3606
			3697	3838	4183	4369	4400
			4426	4782	5166	5886	5937
NlaIV	GGN!NCC	28	468	634	641	1016	1289
			1409	1766	1767	1859	1868
			1877	1891	1961	2021	2412
			3119	3140	3152	3343	3504
			3576	3965	4000	4848	4927
			4972	5815	5854		
NotI	GC!GGCCGC	1	2608				
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	3536	3608	5939		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	8	786	959	1742	1937	3534
			3606	4369	5886		
Nsp(7524)V	TT!CGAA	1	4646				
NspBII	CMG!CKG	6	653	2358	3462	4070	5299
			5544				
NspII	GDGCH!C	20	874	1018	1120	1243	1412
			1543	1624	1769	1962	1989
			2022	2599	3155	3910	4003
			4077	4267	4329	5039	5572
NspIII	C!YCGRG	3	614	635	2163		
NspIV	G!GNCC	19	84	277	632	1014	1015
			1212	1765	1766	1781	2055
			2298	2390	2411	3071	4480
			4925	4971	5029	5062	
NunII	GG!CGCC	2	640	3964			
PacI	TTAAT!TAA	0					
Paer71	C!TCGAG	1	614				
PaiI	GG!CC	37	85	278	633	676	741
			1016	1140	1214	1302	1584
			1767	2056	2299	2334	2368
			2391	2413	2523	2565	2610
			2930	3072	3727	3733	3742
			3785	3872	4046	4437	4464
			4973	5030	5063	5408	5842
			5860	5871			
PflMI	CCANNNN!NTGG	1	1209				
PleI	GAGTCNNNN!	5	1455	1831	2193	3015	3447
PleI	!NNNNNGACTC	7	405	599	1514	2609	3023
			4629	5506			
PmaCI	CAC!GTG	0					
PmeI	GTTT!AAAC	0					
PmlI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PshAI	GACNN!NNGTC	1	2538				
PstI	CTGCA!G	2	824	1462			
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	3462	4070			
RmaI	C!TAG	10	593	1483	2584	2619	2813
			3231	3787	4802	5136	5389
RsaI	GT!AC	12	220	245	300	333	384
			541	1266	1723	1950	2100
			2352	4270			
RsrI	G!AATTC	1	1851				

RsrII	CG!GWCCG	1	4480					
SacI	GAGCT!C	0						
SacII	CCGC!GG	0						
SalI	G!TCGAC	0						
Sau3AI	!GATC	25	586	610	1190	1744	1889	
			2269	2419	2445	2621	3801	
			3805	3824	4135	4213	4294	
			4303	4381	4757	4773	5132	
			5144	5222	5230	5241	5316	
Sau96I	G!GNCC	19	84	277	632	1014	1015	
			1212	1765	1766	1781	2055	
			2298	2390	2411	3071	4480	
			4925	4971	5029	5062		
SauI	CC!TNAGG	2	3444	5076				
ScaI	AGT!ACT	0						
ScrFI	CC!NGG	28	91	284	636	637	644	
			1137	1452	1674	1770	2082	
			2130	2226	2241	2370	2479	
			3500	3555	3572	3968	4128	
			4351	4741	4930	5033	5505	
			5723	5736	5857			
SduI	GDGCH!C	20	874	1018	1120	1243	1412	
			1543	1624	1769	1962	1989	
			2022	2599	3155	3910	4003	
			4077	4267	4329	5039	5572	
SecI	C!CNNGG	25	361	625	634	635	1768	
			1906	1993	2128	2129	2164	
			2224	3498	3570	3693	3728	
			3737	3786	4127	4396	4801	
			4928	4929	5031	5032	5722	
SexI	!CTCGAG	1	613					
SfaNI	GCATC>NNNN!	7	2143	2780	3543	3615	4263	
			4327	4602				
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	8	358	1520	2296	2464	3922	
			4177	4393	5785			
SfcI	C!TRYAG	5	820	1458	3299	5426	5617	
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	3739					
SfuI	TT!CGAA	1	4646					
SgrAI	CR!CCGGYG	1	1881					
SinI	G!GWCC	3	1781	4480	4925			
SmaI	CCC!GGG	1	637					
SnaBI	TAC!GTA	1	341					
SnaI	!GTATAC	0						
SnoI	G!TGCAC	2	1985	5568				
SpeI	A!CTAGT	0						
SphI	GCATG!C	3	3534	3606	4369			
SpI	C!GTACG	0						
SrfI	GCCC!GGGC	0						
Sse8387I	CCTGCA!GG	0						
SspI	AAT!ATT	2	2872	3425				
SstI	GAGCT!C	0						
SstII	CCGC!GG	0						
SstIII	!ACGT	18	122	134	175	258	339	
			444	937	1544	2262	2538	
			3023	3035	3078	3188	4079	
			4266	5047	5180			
StuI	AGG!CCT	4	676	1140	2334	3785		
StyI	C!CWWGG	7	361	625	1906	3693	3786	
			4396	4801				

StySJI	!GAGNNNNNNNGTRC	0						
StySJI	!GYACNNNNNNNCTC	0						
SwaI	ATTT!AAAT	0						
TaqI	T!CGA	17	615	703	798	2047	2074	
			2542	3113	3804	4077	4233	
			4257	4293	4455	4646	4691	
			4946	5784				
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	2984	4001	4669			
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	4913					
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	3	1232	2037	2142			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	173	3868	4460			
TfiI	G!AWTC	8	1029	2035	2512	4449	4583	
			4693	4730	5908			
ThaI	CG!CG	17	61	1830	1887	2613	2888	
			3264	3284	3308	3339	4030	
			4331	4769	4853	4916	4985	
			5258	5839				
Tsp45I	!GTSAC	12	1106	1271	1278	1355	1383	
			1418	1692	1824	2186	3253	
			4084	4390				
TspEI	!AATT	12	19	987	1851	2714	2778	
			2856	2882	2893	3540	3612	
			3704	5122				
Tth111I	GACN!NNGTC	1	4082					
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	5291					
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	4399	5259	5298			
TthHB8I	T!CGA	17	615	703	798	2047	2074	
			2542	3113	3804	4077	4233	
			4257	4293	4455	4646	4691	
			4946	5784				
Van91I	CCANNNN!NTGG	1	1209					
VspI	AT!TAAT	1	8					
XbaI	T!CTAGA	1	2618					
XcmI	!CCANNNNNNNNTCG	2	1842	4239				
XcyI	C!CCGGG	1	635					
XhoI	C!TCGAG	1	614					
XhoII	R!GATCY	11	586	610	1889	2445	4135	
			4381	4773	5132	5144	5230	
			5241					
XmaI	C!CCGGG	1	635					
XmaIII	C!GGCCG	2	2608	3870				
XmnI	GAANN!NNTTC	0						
XorII	CGAT!CG	0						