

Enzyme Name	Sequence	Count	Cutting Position				
AatI	AGG!CCT	1	2121				
AatII	GACGT!C	0					
AccI	GT!MKAC	1	59				
AccII	CG!CG	16	70	510	949	1224	1600
			1620	1644	1675	2366	2667
			3105	3189	3252	3321	3594
			4175				
AccIII	T!CCGGA	1	797				
AcyI	GR!CGYC	3	2300	3002	3081		
AflI	G!GWCC	4	682	895	2816	3261	
AflII	C!TTAAG	1	1182				
AflIII	A!CRYGT	1	4218				
AhaI	CC!SGG	7	76	77	666	2304	2464
			3077	3841			
AhaII	GR!CGYC	3	2300	3002	3081		
AhaIII	TTT!AAA	3	1002	3444	3463		
AluI	AG!CT	18	37	43	106	133	279
			423	586	1079	1246	1503
			1798	2086	2406	2864	3661
			3918	3964	4054		
AlwI	GGATCNNNN!	10	87	935	948	2168	2479
			2725	3117	3476	3574	3660
AlwI	!NNNNNGATCC	6	74	627	2544	3088	3475
			3572				
AlwNI	CAGNNN!CTG	2	3401	3809			
AocI	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
AocII	GDGCH!C	15	39	76	149	176	209
			786	880	1491	2246	2339
			2413	2603	2665	3375	3908
AosI	TGC!GCA	1	2402				
AosII	GR!CGYC	3	2300	3002	3081		
ApaI	GGGCC!C	1	76				
ApaLI	G!TGCAC	2	172	3904			
ApyI	CC!WGG	13	269	317	413	881	1836
			1891	1908	2687	3266	3369
			4059	4072	4193		
AquI	C!YCGRG	2	32	75			
AseI	AT!TAAT	0					
Asp700I	GAANN!NNTTC	0					
Asp718I	G!GTACC	1	64				
AspI	GACN!NNGTC	1	2418				
AsuI	G!GNCC	13	72	73	242	485	577
			682	895	1407	2816	3261
			3307	3365	3398		
AsuII	TT!CGAA	2	46	2982			
AvaI	C!YCGRG	2	32	75			
AvaII	G!GWCC	4	682	895	2816	3261	
AvaIII	ATGCA!T	3	1872	1944	4275		
AvrI	!CYCGRG	2	31	74			
AvrII	C!CTAGG	2	2122	3137			
AxyI	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
BalI	TGG!CCA	2	752	2382			
BamHI	G!GATCC	1	79				
BanI	G!GYRCC	6	64	146	206	1453	2299
			2334				
BanII	GRGCI!C	5	39	76	1491	2665	3375
BanIII	AT!CGAT	1	2140				
BbeI	GGCGC!C	1	2303				
BbiII/AcyI	GR!CGYC	3	2300	3002	3081		
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	9	303	745	920	1088	2373
			2415	2936	3389	3889	
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	9	422	849	1582	2247	2431
			2524	3590	3796	3799	

BbvII	GAAGACNN!	1	393				
BbvII	!NNNNNNGTCTTC	0					
BcefI	ACGGCNNNNNNNNNNNN!	6	304	448	499	565	2726
BcefI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	3	1442	2260	3719		
BclI	T!GATCA	1	108				
BcnI	CC!SGG	7	76	77	666	2304	2464
BcnI			3077	3841			
BglI	GCCNNNN!NGGC	2	561	2075			
BglII	A!GATCT	2	28	806			
BinI	!NNNNNGATCC	6	74	627	2544	3088	3475
BinI			3572				
BinI	GGATCNNNN!	10	87	935	948	2168	2479
BinI			2725	3117	3476	3574	3660
BsePI	!GCGCGC	0					
BsmAI	!GTCTC	0					
BsmAI	!GAGAC	5	718	1729	2147	3166	3294
BsmI	GAATGCN!	1	1051				
BsmI	G!CATTC	1	1144				
Bsp1286I	GDGCH!C	15	39	76	149	176	209
Bsp1286I			786	880	1491	2246	2339
Bsp1286I			2413	2603	2665	3375	3908
BspHI	T!CATGA	2	1726	3498			
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	612	2568	3018		
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	1	2187				
BspMII	T!CCGGA	1	797				
BsrI	ACTGGN!	5	696	783	2244	2445	3691
BsrI	C!CAGT	4	1329	2007	3803	3816	
BssHII	G!CGCGC	0					
BstBI	TT!CGAA	2	46	2982			
BstEII	G!GTNACC	0					
BstI	G!GATCC	1	79				
BstNI	CC!WGG	13	269	317	413	881	1836
BstNI			1891	1908	2687	3266	3369
BstNI			4059	4072	4193		
BstPI	G!GTNACC	0					
BstUI	CG!CG	16	70	510	949	1224	1600
BstUI			1620	1644	1675	2366	2667
BstUI			3105	3189	3252	3321	3594
BstUI			4175				
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0					
BstYI	R!GATCY	11	28	79	632	806	2471
BstYI			2717	3109	3468	3480	3566
BstYI			3577				
Bsu36I	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
CcrI	C!TCGAG	1	32				
CfoI	GCG!C	22	16	847	1566	1574	1600
CfoI			1622	1631	1644	1675	2294
CfoI			2302	2366	2403	2669	2929
CfoI			3105	3191	3594	3703	3877
CfoI			3977	4044			
Cfr10I	R!CCGGY	6	85	832	1517	2619	2800
Cfr10I			3083				
Cfr13I	G!GNCC	13	72	73	242	485	577
Cfr13I			682	895	1407	2816	3261
Cfr13I			3307	3365	3398		
CfrI	Y!GGCCR	6	750	944	2206	2380	2771
CfrI			2798				
ClaI	AT!CGAT	1	2140				
CviJI	RG!CY	96	37	43	74	106	133
CviJI			196	243	272	279	299
CviJI			357	423	435	486	513
CviJI			521	555	564	570	578
CviJI			586	600	669	710	746
CviJI			752	819	825	911	946
CviJI			969	1079	1246	1266	1408
CviJI			1489	1503	1517	1798	1839

			1911	2034	2063	2069	2078
			2086	2109	2121	2127	2208
			2225	2233	2260	2285	2369
			2378	2382	2406	2444	2520
			2537	2556	2619	2663	2673
			2690	2773	2800	2804	2841
			2864	2880	3060	3087	3148
			3270	3309	3366	3373	3380
			3399	3410	3661	3690	3733
			3744	3809	3888	3913	3918
			3964	4054	4152	4178	4196
			4207				
CvnI	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
DdeI	C!TNAG	11	25	351	557	648	803
			1780	2082	2963	3412	3535
			3944				
DpnI	GA!TC	26	30	81	110	224	458
			634	808	929	942	959
			2139	2143	2162	2473	2551
			2632	2641	2719	3095	3111
			3470	3482	3560	3568	3579
			3654				
DraI	TTT!AAA	3	1002	3444	3463		
DraII	RG!GNCCY	1	3398				
DraIII	CACNNN!GTG	2	679	1416			
DsaI	C!CRYGG	4	68	820	2029	2732	
EaeI	Y!GGCCR	6	750	944	2206	2380	2771
			2798				
EagI	C!GGCCG	2	944	2206			
EarI	!CTCTTC	0					
EarI	!GAAGAG	3	1771	2648	2858		
EclXI	C!GGCCG	2	944	2206			
Eco105I	TAC!GTA	0					
Eco31I	GGTCTCN!	0					
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	713	3289			
Eco47I	G!GWCC	4	682	895	2816	3261	
Eco47III	AGC!GCT	1	15				
Eco52I	C!GGCCG	2	944	2206			
Eco57I	!CTGAAG	3	580	2424	2856		
Eco57I	!CTTCAG	1	3690				
Eco81I	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0					
EcoO109I	RG!GNCCY	1	3398				
EcoRI	G!AATTC	1	48				
EcoRII	!CCWGG	13	267	315	411	879	1834
			1889	1906	2685	3264	3367
			4057	4070	4191		
EcoRV	GAT!ATC	0					
EcoT14I	C!CWGGG	5	820	2029	2122	2732	3137
EcoT22I	ATGCA!T	3	1872	1944	4275		
EcoT38I	GRCY!C	5	39	76	1491	2665	3375
EheI	GGC!GCC	1	2301				
EspI	GC!TNAGC	0					
FinI	!GTCCC	4	1830	1902	1966	3261	
FinI	!GGGAC	3	2436	2968	3077		
Fnu4HI	GC!NGC	38	241	292	436	511	553
			734	843	863	909	947
			1077	1596	1618	1632	2070
			2209	2261	2272	2362	2367
			2404	2445	2532	2535	2538
			2774	2870	2911	2925	3039
			3378	3393	3604	3810	3813
			3878	4021	4176		
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	6	863	904	2167	2624	2649
			3103				
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	5	163	251	308	463	1973
FspI	TGC!GCA	1	2402				

GdiII	!NNNNNYGGCCG	4	938	2200	2765	2792	
GdiII	CGGCCRN!	2	950	2212			
GsuI	!CTCCAG	1	3097				
GsuI	!CTGGAG	1	3118				
HaeI	WGG!CCW	8	521	564	752	2121	2382
			3744	4196	4207		
HaeII	RGCGC!Y	5	17	1567	1575	2303	3978
HaeIII	GG!CC	27	74	243	486	521	555
			564	578	710	752	946
			1266	1408	2063	2069	2078
			2121	2208	2382	2773	2800
			3309	3366	3399	3744	4178
			4196	4207			
HapII	C!CGG	22	20	76	86	666	798
			833	1518	2205	2282	2304
			2332	2463	2553	2620	2801
			3076	3084	3176	3650	3840
			3866	4013			
HgaI	GACGCNNNNN!	2	3010	3089			
HgaI	!NNNNNNNNNGCGTC	3	1633	3528	4106		
HgiAI	GWGCW!C	5	39	176	2413	2603	3908
HgiEII	!ACCNNNNNNGGT	1	3630				
HhaI	GCG!C	22	16	847	1566	1574	1600
			1622	1631	1644	1675	2294
			2302	2366	2403	2669	2929
			3105	3191	3594	3703	3877
			3977	4044			
HinI	GR!CGYC	3	2300	3002	3081		
HinPII	G!CGC	22	14	845	1564	1572	1598
			1620	1629	1642	1673	2292
			2300	2364	2401	2667	2927
			3103	3189	3592	3701	3875
			3975	4042			
HincII	GTY!RAC	2	60	1063			
HindIII	A!AGCTT	1	41				
HinfI	G!ANTC	17	23	372	699	794	801
			813	951	1343	1365	1775
			2785	2919	2971	3029	3066
			3848	4244			
HpaI	GTT!AAC	1	1063				
HpaII	C!CGG	22	20	76	86	666	798
			833	1518	2205	2282	2304
			2332	2463	2553	2620	2801
			3076	3084	3176	3650	3840
			3866	4013			
HphI	GGTGANNNNNNNN!	3	478	3371	3487		
HphI	!NNNNNNNTCACC	4	367	893	1417	2478	
KpnI	GGTAC!C	1	68				
Ksp632I	CTCTTCN!	0					
Ksp632I	!NNNNGAAGAG	3	1767	2644	2854		
MaeI	C!TAG	10	11	771	924	955	1149
			1567	2123	3138	3472	3725
MaeII	A!CGT	10	450	726	1360	1372	1415
			1525	2416	2603	3384	3517
MaeIII	!GTNAC	10	899	1088	1589	1601	2420
			2726	3416	3682	3798	3861
MboI	!GATC	26	28	79	108	222	456
			632	806	927	940	957
			2137	2141	2160	2471	2549
			2630	2639	2717	3093	3109
			3468	3480	3558	3566	3577
			3652				
MboII	GAAGANNNNNNNN!	8	232	398	511	1556	1784
			2661	2871	3490		
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	2951	3118	3318	3561	
MfeI	!CAATTG	1	1049				
MflI	R!GATCY	11	28	79	632	806	2471

			2717	3109	3468	3480	3566
			3577				
MluI	A!CGCGT	0					
MmeI	!TCCRAC	2	478	1367			
MmeI	!GTYGGA	2	3843	4027			
MnlI	CCTCNNNNNNN!	12	255	665	776	1019	1028
			2083	2089	2901	3107	3421
			3791	4115			
MnlI	!NNNNNNNGAGG	22	135	174	195	228	345
			510	553	699	978	1443
			1774	2052	2058	2095	2098
			2110	2150	2214	2350	2707
			3137	4040			
MroI	T!CCGGA	1	797				
MseI	T!TAA	15	336	1001	1062	1183	1204
			1215	1227	1238	1255	1353
			1624	3443	3457	3462	3514
MspI	C!CGG	22	20	76	86	666	798
			833	1518	2205	2282	2304
			2332	2463	2553	2620	2801
			3076	3084	3176	3650	3840
			3866	4013			
MstI	TGC!GCA	1	2402				
MstII	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
MvaI	CC!WGG	13	269	317	413	881	1836
			1891	1908	2687	3266	3369
			4059	4072	4193		
NaeI	GCC!GGC	4	834	1519	2802	3085	
NarI	GG!CGCC	1	2300				
NciI	CC!SGG	7	76	77	666	2304	2464
			3077	3841			
NcoI	C!CATGG	3	820	2029	2732		
NdeI	CA!TATG	0					
NdeII	!GATC	26	28	79	108	222	456
			632	806	927	940	957
			2137	2141	2160	2471	2549
			2630	2639	2717	3093	3109
			3468	3480	3558	3566	3577
			3652				
NheI	G!CTAGC	0					
NlaIII	CATG!	22	100	124	130	142	220
			286	366	824	871	1730
			1870	1942	2033	2174	2519
			2705	2736	2762	3118	3502
			4222	4273			
NlaIV	GGN!NCC	18	66	74	81	148	208
			1455	1476	1488	1679	1840
			1912	2301	2336	3184	3263
			3308	4151	4190		
NotI	GC!GGCCGC	0					
NruI	TCG!CGA	0					
NsiI	ATGCA!T	3	1872	1944	4275		
Nsp(7524)I	RCATG!Y	5	124	1870	1942	2705	4222
Nsp(7524)V	TT!CGAA	2	46	2982			
NspBII	CMG!CKG	6	70	545	1798	2406	3635
			3880				
NspII	GDGCH!C	15	39	76	149	176	209
			786	880	1491	2246	2339
			2413	2603	2665	3375	3908
NspIII	C!YCGRG	2	32	75			
NspIV	G!GNCC	13	72	73	242	485	577
			682	895	1407	2816	3261
			3307	3365	3398		
NunII	GG!CGCC	1	2300				
Paer71	C!TCGAG	1	32				
PalI	GG!CC	27	74	243	486	521	555
			564	578	710	752	946

			1266	1408	2063	2069	2078
			2121	2208	2382	2773	2800
			3309	3366	3399	3744	4178
			4196	4207			
PflMI	CCANNNN!NTGG	2	679	691			
PleI	GAGTCNNNN!	2	1351	1783			
PleI	!NNNNNGACTC	6	17	795	945	1359	2965
			3842				
PmaCI	CAC!GTG	0					
PpuMI	RG!GWCCY	0					
PstI	CTGCA!G	2	57	910			
PvuI	CGAT!CG	0					
PvuII	CAG!CTG	2	1798	2406			
RsaI	GT!AC	6	66	137	287	539	758
			2606				
RsrI	G!AATTC	1	48				
RsrII	CG!GWCCG	1	2816				
SacI	GAGCT!C	1	39				
SacII	CCGC!GG	1	71				
SalI	G!TCGAC	1	58				
Sau3AI	!GATC	26	28	79	108	222	456
			632	806	927	940	957
			2137	2141	2160	2471	2549
			2630	2639	2717	3093	3109
			3468	3480	3558	3566	3577
			3652				
Sau96I	G!GNCC	13	72	73	242	485	577
			682	895	1407	2816	3261
			3307	3365	3398		
SauI	CC!TNAGG	3	351	1780	3412		
ScaI	AGT!ACT	1	758				
ScrFI	CC!NGG	20	76	77	269	317	413
			666	881	1836	1891	1908
			2304	2464	2687	3077	3266
			3369	3841	4059	4072	4193
SduI	GDGCH!C	15	39	76	149	176	209
			786	880	1491	2246	2339
			2413	2603	2665	3375	3908
SecI	C!CNNGG	22	68	75	180	315	316
			411	820	879	1834	1906
			2029	2064	2073	2122	2463
			2732	3137	3264	3265	3367
			3368	4058			
SexI	!CTCGAG	1	31				
SfaNI	GCATCNNNNN!	8	330	447	1116	1879	1951
			2599	2663	2938		
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	7	483	522	651	2258	2513
			2729	4121			
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	2	561	2075			
SinI	G!GWCC	4	682	895	2816	3261	
SmaI	CCC!GGG	1	77				
SnaBI	TAC!GTA	0					
SnaI	!GTATAC	0					
SpeI	A!CTAGT	0					
SphI	GCATG!C	3	1870	1942	2705		
SplI	C!GTACG	0					
SspI	AAT!ATT	2	1208	1761			
SstI	GAGCT!C	1	39				
SstII	CCGC!GG	1	71				
SstIII	!ACGT	10	449	725	1359	1371	1414
			1524	2415	2602	3383	3516
StuI	AGG!CCT	1	2121				
StyI	C!CWGGG	5	820	2029	2122	2732	3137
StySJI	!GAGNNNNNGTRC	0					
StySJI	!GYACNNNNNNCTC	1	756				
TaqI	T!CGA	18	33	46	59	234	261
			729	811	1449	2140	2413

			2569	2593	2629	2791	2982
			3027	3282	4120		
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	3	1320	2337	3005		
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	3249				
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	2	224	329			
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	2	2204	2796			
ThaI	CG!CG	16	70	510	949	1224	1600
			1620	1644	1675	2366	2667
			3105	3189	3252	3321	3594
			4175				
Tsp45I	!GTSAC	4	899	1589	2420	2726	
TspEI	!AATT	10	48	1050	1114	1192	1218
			1229	1876	1948	2040	3458
Tth111I	GACN!NNGTC	1	2418				
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	1	3627				
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	2735	3595	3634		
TthHB8I	T!CGA	18	33	46	59	234	261
			729	811	1449	2140	2413
			2569	2593	2629	2791	2982
			3027	3282	4120		
VspI	AT!TAAT	0					
XbaI	T!CTAGA	1	954				
XcyI	C!CCGGG	1	75				
XhoI	C!TCGAG	1	32				
XhoII	R!GATCY	11	28	79	632	806	2471
			2717	3109	3468	3480	3566
			3577				
XmaI	C!CCGGG	1	75				
XmaIII	C!GGCCG	2	944	2206			
XmnI	GAANN!NNTTC	0					
XorII	CGAT!CG	0					